

Analyse af gener relevante ved mistanke om arvelig disposition til kræft hos voksne

Panelbeskrivelse

Navn: Analyse af gener relevante ved mistanke om arvelig disposition til kræft hos voksne

Antal gener: 389

version: 1.1

Ibrugtagningsdato: 2023-02-03

Metodebeskrivelse: Prøveforberedelse og sekventering: Der udføres helgenomsekventering (WGS) med Illumina PCR free library prep (tagmentation) og Illumina sekventering (NovaSeq). Middelsekventeringsdybden for analysen er minimum 30X og minimumsandelen af genomet, der er dækket minimum 15X, er 95 %. Middelsekventeringsdybden og andelen, der i gennemsnit er dækket minimum 15X, for de enkelte gener kan ses i nedenstående tabel.

Dataanalyse: Referencegenom: hg38. Alignment og variantkald foretages med hhv. BWA og GATK. Data analyseres for strukturelle varianter vha. Manta og GATK-gCNV. Der foretages *in silico* filtrering af data til relevante genregioner baseret på nedenstående tabel. Varianter med allelfrekvens mindre end 15% filtreres som udgangspunkt fra. For de anførte gener undersøges der for varianter i de proteinkodende regioner og de nærmeste 10 bp i de tilstødende ikke-proteinkodende regioner, samt varianter i ikke-proteinkodende regioner indberettet som sandsynlig patogene (C4) eller patogene (C5) i ClinVar. Varianter klassificeres iht. ACMGs klassifikationsguideline (PMID: 25741868), og hvis tilgængelig og relevant benyttes ClinGens genspecifikke guideline. Varianter af ukendt klinisk betydning (C3) anføres kun i svaret, hvis de vurderes relevante i forhold til sygdomsbilledet. Anlægsbærerstatus for recessiv sygdom rapporteres ikke nødvendigvis. Genomsekventering er en screeningsmetode, og ikke alle varianter kan med sikkerhed identificeres. Den udførte analyse har ikke samme sensitivitet som DNA-microarrayanalyse ift. strukturelle varianter.

Genliste

Gener, hvor middelsekventeringsdybden er < 30X, er markeret med¹. Gener, hvor andelen af de kodede regioner, der dækket minimum 15X, er < 95 % er markeret med². Gener, der derudover vides at være suboptimalt dækket, er markeret med³. Værdier er angivet med +/- standardafvigelse.

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 15x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
A2ML1	53.83 +/- 7.66	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.42 +/- 2.22
ABCB11	52.85 +/- 7.58	99.97 +/- 0.05	99.94 +/- 0.14	99.19 +/- 1.77
ABL1	53.1 +/- 7.98	100.0 +/- 0.0	99.87 +/- 0.4	98.05 +/- 4.67
ABRAXAS1	53.53 +/- 7.68	99.98 +/- 0.04	99.98 +/- 0.04	98.75 +/- 2.4
ACD	47.59 +/- 8.19	100.0 +/- 0.0	99.87 +/- 0.64	96.66 +/- 8.72
ACTRT1	40.41 +/- 15.8	100.0 +/- 0.0	90.77 +/- 16.39	65.3 +/- 40.69
ADA	51.87 +/- 8.08	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	98.84 +/- 3.63
AIP	54.55 +/- 9.19	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.23 +/- 3.68
AKT1	51.37 +/- 9.19	99.96 +/- 0.25	99.28 +/- 1.87	95.38 +/- 7.85
ALK	51.92 +/- 8.1	100.0 +/- 0.0	99.82 +/- 0.37	97.67 +/- 3.94
AMH	53.27 +/- 9.87	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.1	97.43 +/- 7.82
AMHR2	50.38 +/- 9.18	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.3	97.82 +/- 7.48
ANKRD26	54.38 +/- 7.47	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.09	99.35 +/- 1.43
APC	53.99 +/- 7.46	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.02	99.57 +/- 1.02
ARID1A	49.45 +/- 7.54	99.94 +/- 0.26	98.92 +/- 2.17	93.07 +/- 7.45
ARID1B	50.67 +/- 7.13	99.97 +/- 0.12	98.93 +/- 2.58	93.58 +/- 5.86
ARID5B	53.4 +/- 7.42	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.12	99.32 +/- 1.91
ARMC5	51.9 +/- 8.38	100.0 +/- 0.0	99.84 +/- 0.74	98.13 +/- 6.85
ASXL1	51.35 +/- 7.91	100.0 +/- 0.0	99.84 +/- 0.57	97.89 +/- 3.89
ATG2B	55.29 +/- 7.45	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.16	99.26 +/- 1.53

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 15x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>ATM</i>	55.4 +/- 7.19	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.03	99.49 +/- 0.98
<i>ATR</i>	55.58 +/- 7.32	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.02	99.47 +/- 1.1
<i>ATRX</i>	41.93 +/- 15.41	99.92 +/- 0.24	94.06 +/- 9.46	68.88 +/- 35.99
<i>AXIN2</i>	52.76 +/- 8.19	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.19	98.1 +/- 4.74
<i>BAP1</i>	51.77 +/- 8.83	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.4	98.41 +/- 4.82
<i>BARD1</i>	54.99 +/- 7.18	100.0 +/- 0.02	99.99 +/- 0.03	99.55 +/- 1.1
<i>BLM</i>	55.78 +/- 7.53	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.74 +/- 0.69
<i>BMPR1A</i>	55.4 +/- 7.17	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.28	98.36 +/- 2.49
<i>BRAF</i>	53.15 +/- 6.81	99.99 +/- 0.05	99.51 +/- 1.19	97.12 +/- 2.41
<i>BRCA1</i>	53.95 +/- 7.74	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.03	99.32 +/- 1.65
<i>BRCA2</i>	55.39 +/- 7.18	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.5 +/- 1.2
<i>BRF1</i>	52.87 +/- 9.02	100.0 +/- 0.0	99.8 +/- 0.98	97.4 +/- 7.85
<i>BRIP1</i>	53.94 +/- 7.38	99.98 +/- 0.04	99.98 +/- 0.04	99.13 +/- 1.61
<i>BTK</i>	41.19 +/- 15.32	99.77 +/- 1.38	94.24 +/- 11.58	68.11 +/- 37.01
<i>BUB1</i>	55.59 +/- 7.79	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.6 +/- 1.6
<i>BUB1B</i>	54.57 +/- 7.81	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.26 +/- 1.89
<i>BUB3</i>	55.6 +/- 7.81	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.08	99.39 +/- 1.89
<i>CABLES1</i>	49.9 +/- 8.4	99.95 +/- 0.21	99.22 +/- 2.47	95.41 +/- 7.29
<i>CARD11</i>	52.33 +/- 8.13	100.0 +/- 0.0	99.87 +/- 0.48	97.56 +/- 4.49
<i>CASP9</i>	52.38 +/- 8.5	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.62 +/- 4.52
<i>CBL</i>	53.02 +/- 7.87	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.18	98.83 +/- 3.14
<i>CD27</i>	46.32 +/- 8.56	100.0 +/- 0.0	99.8 +/- 1.09	95.26 +/- 11.7
<i>CD70</i>	48.92 +/- 8.47	100.0 +/- 0.0	99.87 +/- 0.7	96.8 +/- 8.5
<i>CDC73</i>	54.49 +/- 7.65	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	99.13 +/- 2.01
<i>CDH1</i>	53.69 +/- 7.67	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.2 +/- 2.16
<i>CDH23</i>	51.33 +/- 8.46	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.35	97.81 +/- 5.4
<i>CDK4</i>	55.75 +/- 7.93	100.0 +/- 0.01	100.0 +/- 0.01	99.28 +/- 3.23
<i>CDKN1A</i>	52.17 +/- 8.58	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.18	98.45 +/- 3.44
<i>CDKN1B</i>	52.19 +/- 7.82	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.25	98.02 +/- 4.01
<i>CDKN1C</i>	51.19 +/- 8.43	99.98 +/- 0.1	99.53 +/- 1.54	94.83 +/- 10.57
<i>CDKN2A</i>	52.81 +/- 8.09	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.05 +/- 5.71
<i>CDKN2B</i>	55.09 +/- 7.69	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.5 +/- 1.64
<i>CDKN2C</i>	51.01 +/- 8.24	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.15	98.35 +/- 6.09
<i>CEBPA</i>	45.69 +/- 7.83	99.99 +/- 0.04	98.86 +/- 3.5	90.9 +/- 13.76
<i>CEP57</i>	55.77 +/- 7.64	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.19	99.77 +/- 0.96
<i>CHEK2</i>	53.24 +/- 7.26	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.47 +/- 1.41
<i>CIITA</i>	53.43 +/- 8.41	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.1	99.05 +/- 2.78
<i>CIP2A</i>	54.22 +/- 7.14	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.13	99.03 +/- 2.18
<i>COL7A1</i>	49.86 +/- 8.61	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.26	97.11 +/- 7.5
<i>CREBBP</i>	49.4 +/- 7.69	99.77 +/- 0.53	98.17 +/- 2.39	92.72 +/- 5.97
<i>CTC1</i>	50.95 +/- 7.99	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.24	98.52 +/- 4.55
<i>CTLA4</i>	52.04 +/- 8.32	99.63 +/- 0.51	98.62 +/- 0.68	96.76 +/- 2.42
<i>CTNNA1</i>	54.32 +/- 7.63	100.0 +/- 0.01	99.96 +/- 0.22	99.33 +/- 2.67
<i>CTNNB1</i>	55.04 +/- 7.68	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.09 +/- 1.44
<i>CTR9</i>	55.43 +/- 7.69	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.48 +/- 1.39
<i>CYLD</i>	54.45 +/- 7.39	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.11	99.18 +/- 1.52

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 15x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>DDB2</i>	48.78 +/- 7.93	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.12	97.58 +/- 6.93
<i>DDX11</i>	51.09 +/- 8.78	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.53	97.9 +/- 6.62
<i>DDX3X</i>	43.37 +/- 16.0	99.96 +/- 0.19	95.67 +/- 8.3	71.16 +/- 34.63
<i>DDX41</i>	51.55 +/- 8.76	100.0 +/- 0.0	99.84 +/- 1.1	97.68 +/- 7.9
<i>DGCR8</i>	53.82 +/- 7.95	100.0 +/- 0.0	99.79 +/- 0.76	97.91 +/- 2.91
<i>DHCR7</i>	53.79 +/- 9.03	99.97 +/- 0.12	99.79 +/- 0.86	98.57 +/- 5.94
<i>DHX34</i>	52.41 +/- 8.27	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.22	98.8 +/- 3.8
<i>DICER1</i>	55.36 +/- 7.59	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.17	99.29 +/- 1.68
<i>DIS3L2</i>	53.13 +/- 8.08	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	98.72 +/- 2.94
<i>DKC1</i>	42.52 +/- 16.09	99.94 +/- 0.32	93.3 +/- 13.12	69.97 +/- 35.49
<i>DLST</i>	51.35 +/- 8.6	100.0 +/- 0.01	99.7 +/- 0.57	97.0 +/- 4.26
<i>DNAJC21</i>	54.44 +/- 7.03	99.94 +/- 0.24	99.4 +/- 1.33	97.26 +/- 2.32
<i>DNMT3A</i>	50.31 +/- 7.98	99.99 +/- 0.07	99.8 +/- 0.55	97.08 +/- 5.35
<i>DOCK8</i>	54.2 +/- 7.58	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.1	99.24 +/- 2.59
<i>DROSHA</i>	52.56 +/- 7.32	100.0 +/- 0.0	99.89 +/- 0.38	98.1 +/- 3.22
<i>EDC4</i>	52.27 +/- 8.71	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.1	98.0 +/- 7.25
<i>EFL1</i>	54.1 +/- 7.51	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.52 +/- 1.07
<i>EGFR</i>	53.8 +/- 7.87	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.03	99.11 +/- 2.15
<i>EGLN1</i>	51.87 +/- 7.49	100.0 +/- 0.0	99.53 +/- 1.52	96.2 +/- 6.43
<i>EGLN2</i>	52.49 +/- 9.63	100.0 +/- 0.0	99.65 +/- 1.33	96.9 +/- 6.0
<i>ELANE</i>	52.35 +/- 9.45	99.96 +/- 0.25	99.54 +/- 2.91	97.69 +/- 7.04
<i>ELP1</i>	54.86 +/- 7.69	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.08	99.33 +/- 1.55
<i>EP300</i>	51.74 +/- 7.58	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.34	98.16 +/- 4.84
<i>EPAS1</i>	51.85 +/- 7.85	99.99 +/- 0.06	99.82 +/- 0.64	97.79 +/- 4.78
<i>EPCAM</i>	54.87 +/- 7.41	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.39	98.5 +/- 4.08
<i>ERBB2</i>	51.31 +/- 8.61	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.17	98.19 +/- 5.24
<i>ERCC1</i>	51.08 +/- 8.36	100.0 +/- 0.01	99.84 +/- 0.72	97.81 +/- 7.39
<i>ERCC2</i>	49.54 +/- 8.45	99.98 +/- 0.04	99.8 +/- 0.64	96.81 +/- 6.73
<i>ERCC3</i>	52.38 +/- 7.6	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.13 +/- 2.26
<i>ERCC4</i>	53.69 +/- 7.57	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	99.22 +/- 1.61
<i>ERCC5</i>	54.38 +/- 7.46	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.45 +/- 1.43
<i>ERCC6</i>	54.53 +/- 7.25	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	99.41 +/- 1.57
<i>ERCC6L2</i>	54.28 +/- 7.61	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.05	99.2 +/- 1.92
<i>ERCC8</i>	54.54 +/- 7.59	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.42 +/- 1.25
<i>ESR2</i>	53.5 +/- 8.57	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.05	99.13 +/- 2.44
<i>ETV6</i>	49.86 +/- 7.84	100.0 +/- 0.0	99.8 +/- 0.82	96.6 +/- 4.99
<i>EXO1</i>	55.39 +/- 6.99	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.58 +/- 1.38
<i>EXO5</i>	50.41 +/- 7.65	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.52 +/- 4.96
<i>EXT1</i>	52.25 +/- 7.63	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.19	98.56 +/- 2.6
<i>EXT2</i>	54.18 +/- 8.18	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.06	99.22 +/- 2.38
<i>EZH2</i>	55.84 +/- 7.52	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.28 +/- 1.4
<i>FAH</i>	51.3 +/- 8.58	100.0 +/- 0.0	99.76 +/- 0.84	97.67 +/- 6.81
<i>FAN1</i>	54.21 +/- 7.44	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.54 +/- 1.4
<i>FANCA</i>	52.83 +/- 7.93	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.4	98.6 +/- 4.06
<i>FANCB</i>	42.87 +/- 15.58	99.92 +/- 0.37	95.2 +/- 7.95	70.58 +/- 35.02
<i>FANCC</i>	53.44 +/- 7.77	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.08 +/- 3.14

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 15x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>FANCD2</i>	56.01 +/- 8.31	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.29 +/- 1.86
<i>FANCE</i>	49.67 +/- 8.49	100.0 +/- 0.0	99.84 +/- 0.67	97.26 +/- 5.96
<i>FANCF</i>	54.19 +/- 7.69	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	99.16 +/- 2.74
<i>FANCG</i>	49.71 +/- 8.23	100.0 +/- 0.0	99.73 +/- 0.96	96.28 +/- 7.14
<i>FANCI</i>	54.8 +/- 7.98	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.57 +/- 1.03
<i>FANCL</i>	55.62 +/- 7.67	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.71 +/- 0.89
<i>FANCM</i>	54.19 +/- 7.34	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.05	99.51 +/- 1.33
<i>FAS</i>	54.41 +/- 8.3	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.12 +/- 2.25
<i>FASLG</i>	53.19 +/- 8.77	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.05 +/- 3.32
<i>FBXW7</i>	53.24 +/- 7.04	100.0 +/- 0.0	99.75 +/- 1.07	97.12 +/- 4.7
<i>FGFR2</i>	53.88 +/- 7.73	100.0 +/- 0.0	99.83 +/- 1.13	98.64 +/- 4.2
<i>FGFR3</i>	53.79 +/- 8.88	100.0 +/- 0.0	99.78 +/- 0.84	97.9 +/- 4.27
<i>FH</i>	56.1 +/- 7.58	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.56 +/- 1.52
<i>FLCN</i>	51.07 +/- 7.89	100.0 +/- 0.0	99.89 +/- 0.62	97.73 +/- 7.3
<i>FLT3</i>	52.85 +/- 7.86	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.12	98.85 +/- 2.55
<i>FMR1</i>	42.17 +/- 15.12	99.72 +/- 0.98	94.07 +/- 10.43	70.04 +/- 34.02
<i>FOCAD</i>	54.18 +/- 7.45	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.08	99.24 +/- 1.48
<i>G6PC3</i>	50.93 +/- 8.98	100.0 +/- 0.0	99.78 +/- 1.37	97.89 +/- 6.54
<i>GAB2</i>	49.29 +/- 8.35	99.99 +/- 0.06	99.65 +/- 1.06	96.62 +/- 6.59
<i>GALNT12</i>	52.56 +/- 7.43	100.0 +/- 0.0	99.86 +/- 0.5	98.16 +/- 3.53
<i>GATA1</i>	37.62 +/- 14.8	99.84 +/- 0.92	88.03 +/- 18.64	61.79 +/- 42.42
<i>GATA2</i>	51.84 +/- 8.29	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.26	97.87 +/- 5.66
<i>GATA3</i>	52.14 +/- 8.08	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.47	97.78 +/- 4.33
<i>GBA1^{2,3}</i>	39.15 +/- 6.24	82.96 +/- 3.33	74.54 +/- 2.97	70.82 +/- 3.62
<i>GDNF</i>	51.34 +/- 7.36	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.21	98.35 +/- 3.32
<i>GFI1</i>	52.8 +/- 7.69	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.12	98.67 +/- 3.14
<i>GJB2</i>	53.54 +/- 7.93	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.28	98.7 +/- 2.63
<i>GLI3</i>	54.82 +/- 7.78	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	99.24 +/- 2.65
<i>GNA11</i>	51.7 +/- 8.7	99.97 +/- 0.16	99.48 +/- 1.48	96.01 +/- 7.41
<i>GNAQ</i>	53.37 +/- 7.2	99.98 +/- 0.1	99.5 +/- 1.28	96.86 +/- 4.25
<i>GNAS</i>	47.03 +/- 7.06	99.83 +/- 0.62	94.78 +/- 6.99	83.4 +/- 8.94
<i>GPC3</i>	40.46 +/- 15.32	99.98 +/- 0.09	90.13 +/- 14.69	65.62 +/- 39.14
<i>GPR101</i>	41.7 +/- 15.98	99.95 +/- 0.17	92.79 +/- 11.56	67.34 +/- 37.77
<i>GPR161</i>	52.53 +/- 8.34	99.99 +/- 0.03	99.82 +/- 0.54	98.65 +/- 3.11
<i>GREM1</i>	53.02 +/- 7.66	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.13	98.82 +/- 2.27
<i>GRHL2</i>	53.2 +/- 8.13	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.44 +/- 1.7
<i>GSKIP</i>	54.98 +/- 7.1	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.3	99.66 +/- 0.8
<i>H19^{1,2}</i>	0.05 +/- 0.07	0.0 +/- 0.0	0.0 +/- 0.0	0.0 +/- 0.0
<i>HABP2</i>	51.07 +/- 7.88	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.42	98.78 +/- 5.4
<i>HAX1</i>	50.47 +/- 8.61	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.64	98.0 +/- 4.61
<i>HFE</i>	53.84 +/- 7.96	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.15 +/- 1.97
<i>HMBS</i>	52.28 +/- 9.12	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	98.55 +/- 5.6
<i>HNF1A</i>	49.76 +/- 7.97	100.0 +/- 0.0	99.82 +/- 1.24	97.61 +/- 7.48
<i>HOXB13</i>	50.66 +/- 8.34	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.27	98.13 +/- 6.17
<i>HRAS</i>	49.95 +/- 9.48	99.95 +/- 0.17	99.17 +/- 2.84	94.67 +/- 10.68
<i>IDH1</i>	55.33 +/- 8.18	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.71 +/- 0.72

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 15x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>IDH2</i>	51.69 +/- 8.89	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.43	98.34 +/- 5.49
<i>IKZF1</i>	55.07 +/- 7.79	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.14	99.35 +/- 2.02
<i>INHA</i>	52.88 +/- 8.61	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.12 +/- 2.79
<i>INHBA</i>	54.05 +/- 7.61	100.0 +/- 0.0	99.79 +/- 0.42	97.55 +/- 2.65
<i>IPMK</i>	53.92 +/- 7.2	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.27	98.93 +/- 2.33
<i>ITK</i>	53.18 +/- 7.96	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.42 +/- 1.22
<i>JMJD1C</i>	54.84 +/- 7.16	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.16	99.58 +/- 1.04
<i>KCNQ1OT1</i>	53.17 +/- 7.72	100.0 +/- 0.01	99.92 +/- 0.16	98.75 +/- 2.64
<i>KDM1A</i>	52.44 +/- 7.46	100.0 +/- 0.0	99.89 +/- 0.47	98.29 +/- 4.12
<i>KDM3B</i>	52.76 +/- 7.55	100.0 +/- 0.01	99.78 +/- 0.42	97.95 +/- 3.51
<i>KDM6A</i>	41.98 +/- 15.75	99.88 +/- 0.7	93.58 +/- 9.68	68.64 +/- 35.84
<i>KIF1B</i>	53.76 +/- 7.89	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.23	98.96 +/- 2.69
<i>KIT</i>	55.61 +/- 7.74	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.47 +/- 1.9
<i>KLLN</i>	51.45 +/- 7.88	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.18	98.44 +/- 4.07
<i>KMT2A</i>	52.71 +/- 7.75	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.33	98.48 +/- 2.88
<i>KMT2D</i>	49.24 +/- 8.18	100.0 +/- 0.01	99.7 +/- 0.9	95.92 +/- 7.53
<i>KRAS</i>	55.79 +/- 7.63	99.98 +/- 0.04	99.92 +/- 0.22	99.08 +/- 2.05
<i>L2HGDH</i>	52.46 +/- 7.55	99.93 +/- 0.15	99.2 +/- 0.61	96.92 +/- 2.12
<i>LHCGR</i>	55.46 +/- 7.55	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.77 +/- 1.13
<i>LIG4</i>	54.4 +/- 7.23	100.0 +/- 0.01	99.4 +/- 0.53	98.29 +/- 1.27
<i>LYST</i>	55.56 +/- 7.43	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.59 +/- 1.01
<i>LZTR1</i>	51.86 +/- 8.39	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.34	98.54 +/- 6.12
<i>MAD2L2</i>	52.08 +/- 9.13	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.07	98.35 +/- 5.08
<i>MAP2K1</i>	51.3 +/- 8.2	100.0 +/- 0.0	99.8 +/- 0.72	97.54 +/- 4.52
<i>MAP2K2</i>	50.63 +/- 8.38	100.0 +/- 0.0	99.73 +/- 1.15	95.96 +/- 8.4
<i>MAX</i>	52.88 +/- 8.28	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.43	98.43 +/- 3.46
<i>MBD4</i>	54.73 +/- 8.13	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.5 +/- 1.1
<i>MC1R</i>	51.92 +/- 8.83	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.25	98.2 +/- 7.36
<i>MDH2</i>	53.41 +/- 8.48	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.29 +/- 1.86
<i>MECOM</i>	54.64 +/- 7.64	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.29	99.06 +/- 1.62
<i>MEN1</i>	49.72 +/- 8.14	100.0 +/- 0.0	99.86 +/- 0.57	96.62 +/- 7.2
<i>MET</i>	55.25 +/- 7.56	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.26	99.43 +/- 1.3
<i>MITF</i>	55.43 +/- 8.12	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.3 +/- 1.74
<i>MLH1</i>	53.24 +/- 7.85	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.09	99.25 +/- 2.39
<i>MLH3</i>	54.57 +/- 7.77	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.57 +/- 0.8
<i>MLLT1</i>	50.61 +/- 8.96	99.99 +/- 0.05	99.22 +/- 1.75	94.59 +/- 8.53
<i>MPL</i>	52.03 +/- 8.69	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	98.49 +/- 3.76
<i>MRE11</i>	54.65 +/- 7.47	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.47 +/- 1.44
<i>MSH2</i>	54.71 +/- 6.86	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.49 +/- 1.08
<i>MSH3</i>	53.76 +/- 7.32	99.97 +/- 0.11	99.77 +/- 0.49	98.09 +/- 2.45
<i>MSH6</i>	53.68 +/- 7.47	100.0 +/- 0.0	99.87 +/- 0.64	98.86 +/- 2.8
<i>MTAP</i>	54.36 +/- 7.71	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.02	99.45 +/- 1.26
<i>MUC5B</i>	47.82 +/- 7.94	99.97 +/- 0.1	99.01 +/- 1.89	92.29 +/- 8.89
<i>MUS81</i>	50.17 +/- 8.09	100.0 +/- 0.0	99.88 +/- 0.78	97.63 +/- 7.28
<i>MUTYH</i>	52.22 +/- 8.22	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.07	99.14 +/- 3.03
<i>MYH9</i>	52.53 +/- 8.07	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.14	98.64 +/- 4.25
<i>NAF1</i>	49.17 +/- 6.93	100.0 +/- 0.0	99.23 +/- 1.21	95.77 +/- 4.7

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 15x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>NBN</i>	55.05 +/- 7.63	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.07	99.44 +/- 1.07
<i>NDRG4</i>	51.76 +/- 8.76	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.08	97.68 +/- 7.39
<i>NEK11</i>	54.03 +/- 7.25	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.44 +/- 1.7
<i>NF1</i>	54.62 +/- 7.56	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.24	98.77 +/- 1.81
<i>NF2</i>	52.62 +/- 8.33	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.46	98.91 +/- 3.19
<i>NFATC4</i>	50.42 +/- 8.62	100.0 +/- 0.0	99.83 +/- 0.9	96.76 +/- 6.27
<i>NFIX</i>	43.07 +/- 7.03	99.91 +/- 0.4	97.06 +/- 3.26	85.11 +/- 12.07
<i>NHP2</i>	52.6 +/- 7.71	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.95 +/- 3.65
<i>NOP10</i>	51.39 +/- 8.82	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.18	99.74 +/- 0.75
<i>NPAT</i>	55.59 +/- 7.54	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.77 +/- 0.48
<i>NPM1</i>	52.95 +/- 7.63	99.99 +/- 0.03	99.87 +/- 0.56	98.18 +/- 3.22
<i>NRAS</i>	55.99 +/- 7.51	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.65 +/- 0.83
<i>NSD1</i>	52.17 +/- 8.07	100.0 +/- 0.0	99.78 +/- 0.59	98.12 +/- 3.26
<i>NTHL1</i>	53.12 +/- 9.36	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.94 +/- 4.34
<i>NTRK1</i>	48.9 +/- 8.23	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.08	97.0 +/- 7.44
<i>NYNRIN</i>	51.45 +/- 8.14	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.39	98.6 +/- 4.13
<i>OGG1</i>	50.96 +/- 8.23	100.0 +/- 0.0	99.89 +/- 0.73	98.32 +/- 6.93
<i>PALB2</i>	53.71 +/- 7.7	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	98.7 +/- 2.37
<i>PARN</i>	55.23 +/- 7.78	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.37	99.31 +/- 2.15
<i>PAX5</i>	50.32 +/- 8.1	100.0 +/- 0.0	99.87 +/- 0.5	97.46 +/- 5.97
<i>PBRM1</i>	54.45 +/- 7.25	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.31	99.33 +/- 1.29
<i>PDCD4</i>	55.76 +/- 7.79	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.05	99.56 +/- 1.25
<i>PDGFB</i>	48.38 +/- 8.48	99.97 +/- 0.21	99.32 +/- 2.68	93.83 +/- 10.36
<i>PDGFRA</i>	54.13 +/- 7.76	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.02	99.35 +/- 1.84
<i>PDGFRB</i>	50.87 +/- 8.52	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.48	97.79 +/- 5.86
<i>PHOX2B</i>	49.67 +/- 7.94	100.0 +/- 0.0	99.83 +/- 1.06	97.9 +/- 6.65
<i>PIK3CA</i>	53.66 +/- 7.15	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.21	98.82 +/- 1.69
<i>PIP4K2A</i>	51.01 +/- 7.42	99.97 +/- 0.05	99.63 +/- 0.99	96.16 +/- 5.32
<i>PMS1</i>	54.54 +/- 7.22	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.7 +/- 0.79
<i>PMS2^{2,3}</i>	35.23 +/- 6.16	80.13 +/- 8.96	68.26 +/- 7.61	59.9 +/- 8.02
<i>POLD1</i>	52.39 +/- 8.56	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.35	97.4 +/- 5.08
<i>POLE</i>	52.94 +/- 8.39	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.27	98.51 +/- 5.65
<i>POLH</i>	53.69 +/- 8.21	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.13	98.91 +/- 2.6
<i>POT1</i>	55.53 +/- 7.57	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.62 +/- 1.32
<i>POU6F2</i>	54.6 +/- 7.72	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.46	98.55 +/- 4.05
<i>PPM1D</i>	54.42 +/- 8.32	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.09	99.26 +/- 2.29
<i>PPP1CB</i>	55.13 +/- 7.65	100.0 +/- 0.03	99.76 +/- 0.67	97.96 +/- 2.01
<i>PRF1</i>	53.23 +/- 8.27	100.0 +/- 0.0	99.87 +/- 0.68	99.02 +/- 3.92
<i>PRKAR1A</i>	54.91 +/- 7.09	100.0 +/- 0.0	99.88 +/- 0.57	99.47 +/- 1.56
<i>PRKN</i>	54.19 +/- 8.13	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.33 +/- 1.71
<i>PRSS1³</i>	51.46 +/- 10.23	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.07	96.98 +/- 5.83
<i>PTCH1</i>	52.91 +/- 7.48	100.0 +/- 0.0	99.8 +/- 0.72	97.28 +/- 5.09
<i>PTCH2</i>	51.16 +/- 8.65	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.25	97.97 +/- 6.22
<i>PTEN</i>	54.57 +/- 7.05	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.29	98.94 +/- 2.43
<i>PTPN11</i>	55.1 +/- 7.94	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.18	99.28 +/- 1.99
<i>PTPN12</i>	52.15 +/- 6.89	99.98 +/- 0.13	98.85 +/- 1.97	94.59 +/- 3.45

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 15x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>RAB27A</i>	54.29 +/- 7.71	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.15	99.41 +/- 1.5
<i>RABL3</i>	55.17 +/- 7.71	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.63 +/- 0.91
<i>RAD50</i>	53.68 +/- 7.5	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.33 +/- 1.38
<i>RAD51</i>	53.55 +/- 7.77	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.37	99.15 +/- 2.44
<i>RAD51B</i>	53.82 +/- 7.24	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.19	99.31 +/- 2.11
<i>RAD51C</i>	54.82 +/- 7.55	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.58 +/- 1.43
<i>RAD51D</i>	53.22 +/- 8.05	100.0 +/- 0.01	99.97 +/- 0.09	98.92 +/- 2.97
<i>RAD52</i>	52.94 +/- 7.84	99.95 +/- 0.11	99.94 +/- 0.12	99.01 +/- 3.02
<i>RAF1</i>	54.46 +/- 7.88	100.0 +/- 0.01	99.97 +/- 0.19	98.64 +/- 4.74
<i>RAG1</i>	54.84 +/- 7.87	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.66 +/- 1.21
<i>RAG2</i>	54.17 +/- 7.75	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.08	99.48 +/- 1.89
<i>RASA2</i>	54.15 +/- 7.33	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.25	99.15 +/- 1.33
<i>RB1</i>	54.89 +/- 7.08	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.31	98.93 +/- 1.78
<i>RBBP8</i>	54.25 +/- 7.39	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.14	99.0 +/- 2.1
<i>RECQL</i>	54.6 +/- 7.7	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.02	99.14 +/- 2.05
<i>RECQL4</i>	54.49 +/- 8.88	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.38	98.31 +/- 5.6
<i>RECQL5</i>	53.37 +/- 8.65	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.39	98.34 +/- 4.39
<i>REST</i>	54.7 +/- 7.29	100.0 +/- 0.0	99.78 +/- 0.51	98.17 +/- 2.84
<i>RET</i>	52.13 +/- 8.46	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.12	98.51 +/- 3.77
<i>REXO2</i>	53.18 +/- 7.52	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.28	98.79 +/- 4.69
<i>RFWD3</i>	52.5 +/- 7.36	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.11	99.13 +/- 2.13
<i>RHBDF2</i>	54.64 +/- 9.14	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.9 +/- 3.61
<i>RINT1</i>	55.35 +/- 7.3	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.5 +/- 1.54
<i>RIT1</i>	53.38 +/- 7.23	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.09	99.0 +/- 2.2
<i>RMRP</i>	60.13 +/- 10.42	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.53 +/- 2.4
<i>RNASEL</i>	53.38 +/- 8.07	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.07	99.16 +/- 1.95
<i>RNF43</i>	52.8 +/- 7.65	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.03	99.09 +/- 2.73
<i>RPL10</i>	42.12 +/- 16.4	99.89 +/- 0.5	92.79 +/- 13.45	68.91 +/- 37.15
<i>RPL10A</i>	51.44 +/- 8.91	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.09	99.01 +/- 3.83
<i>RPL11</i>	52.25 +/- 7.08	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.39 +/- 2.1
<i>RPL15</i>	54.53 +/- 7.85	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.46 +/- 1.56
<i>RPL18</i>	50.61 +/- 8.89	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	97.39 +/- 5.75
<i>RPL19</i>	54.72 +/- 8.04	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.28 +/- 2.7
<i>RPL23</i>	52.63 +/- 8.03	99.92 +/- 0.05	99.87 +/- 0.16	98.66 +/- 3.18
<i>RPL26</i>	56.11 +/- 8.29	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.26 +/- 3.66
<i>RPL27</i>	54.9 +/- 9.75	99.8 +/- 0.0	99.8 +/- 0.0	98.83 +/- 3.75
<i>RPL3</i>	53.13 +/- 8.8	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.79 +/- 4.37
<i>RPL31</i>	55.43 +/- 8.98	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.54 +/- 1.26
<i>RPL34</i>	56.38 +/- 8.48	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.91 +/- 0.57
<i>RPL35A</i>	54.26 +/- 9.1	100.0 +/- 0.03	100.0 +/- 0.03	99.24 +/- 2.23
<i>RPL36</i>	51.7 +/- 8.27	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.12	98.32 +/- 6.33
<i>RPL5</i>	54.53 +/- 7.51	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.03 +/- 3.97
<i>RPLP0</i>	51.17 +/- 8.54	100.0 +/- 0.0	99.69 +/- 2.06	98.62 +/- 6.09
<i>RPS10</i>	51.06 +/- 8.83	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.17 +/- 5.36
<i>RPS11</i>	49.93 +/- 8.69	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	97.77 +/- 4.87
<i>RPS15</i>	59.51 +/- 10.43	100.0 +/- 0.0	99.85 +/- 0.98	98.87 +/- 4.66

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 15x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>RPS15A</i>	46.37 +/- 7.04	99.99 +/- 0.06	98.2 +/- 3.34	88.97 +/- 8.18
<i>RPS17</i>	51.29 +/- 8.26	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.05 +/- 3.63
<i>RPS19</i>	52.48 +/- 8.47	100.0 +/- 0.0	99.83 +/- 1.12	98.58 +/- 6.11
<i>RPS20</i>	50.79 +/- 7.66	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	98.76 +/- 4.25
<i>RPS24</i>	52.14 +/- 8.2	100.0 +/- 0.0	99.87 +/- 0.86	98.93 +/- 2.45
<i>RPS26</i>	51.23 +/- 7.27	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.06 +/- 2.75
<i>RPS27</i>	52.31 +/- 9.17	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.55	97.96 +/- 11.84
<i>RPS27A</i>	54.37 +/- 8.37	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.42 +/- 2.1
<i>RPS28</i>	51.98 +/- 9.42	99.98 +/- 0.08	99.91 +/- 0.26	97.71 +/- 7.35
<i>RPS29</i>	52.24 +/- 8.94	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	97.39 +/- 8.72
<i>RPS7</i>	51.95 +/- 8.04	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	98.25 +/- 5.23
<i>RRAS</i>	46.2 +/- 7.88	100.0 +/- 0.0	99.3 +/- 2.07	93.15 +/- 12.2
<i>RRAS2</i>	53.56 +/- 7.43	100.0 +/- 0.0	99.78 +/- 1.01	98.47 +/- 4.02
<i>RTKL1</i>	52.84 +/- 8.99	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.07	98.89 +/- 3.71
<i>RUNX1</i>	52.97 +/- 7.46	99.99 +/- 0.05	99.8 +/- 0.75	98.13 +/- 3.64
<i>SAMD9</i>	54.36 +/- 7.32	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.4 +/- 1.64
<i>SAMD9L</i>	54.91 +/- 7.52	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.49 +/- 1.07
<i>SBDS</i>	53.48 +/- 7.44	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.52 +/- 1.86
<i>SDHA</i>	54.85 +/- 7.73	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.2	99.11 +/- 2.34
<i>SDHAF2</i>	54.63 +/- 7.99	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.43	99.7 +/- 1.01
<i>SDHB</i>	52.4 +/- 7.75	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.07 +/- 2.8
<i>SDHC</i>	49.86 +/- 6.99	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	98.37 +/- 3.94
<i>SDHD</i>	55.56 +/- 8.26	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.68 +/- 1.43
<i>SEC23B</i>	54.56 +/- 7.57	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.61 +/- 1.12
<i>SEMA4A</i>	49.69 +/- 7.86	99.98 +/- 0.13	99.52 +/- 1.03	95.8 +/- 6.46
<i>SERPINA3</i>	49.95 +/- 8.66	100.0 +/- 0.0	99.74 +/- 1.71	98.17 +/- 8.09
<i>SETBP1</i>	52.31 +/- 7.38	99.99 +/- 0.07	99.77 +/- 0.39	97.94 +/- 3.5
<i>SFTPA1</i>	50.33 +/- 8.36	99.66 +/- 0.47	98.5 +/- 1.81	95.59 +/- 4.76
<i>SFTPA2</i>	53.0 +/- 7.86	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.07	98.32 +/- 5.1
<i>SH2B3</i>	52.66 +/- 7.74	100.0 +/- 0.0	99.88 +/- 0.3	97.65 +/- 5.03
<i>SH2D1A</i>	43.55 +/- 16.08	99.94 +/- 0.42	94.31 +/- 8.93	71.36 +/- 33.54
<i>SHOC2</i>	54.91 +/- 7.5	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.29	99.21 +/- 0.87
<i>SLC25A11</i>	51.03 +/- 8.13	100.0 +/- 0.0	99.82 +/- 0.94	97.66 +/- 6.32
<i>SLX4</i>	52.78 +/- 7.94	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.1	98.82 +/- 4.37
<i>SMAD4</i>	54.53 +/- 7.61	99.99 +/- 0.03	99.8 +/- 0.66	98.74 +/- 2.31
<i>SMAD9</i>	53.11 +/- 7.29	99.93 +/- 0.11	99.75 +/- 0.36	98.21 +/- 2.9
<i>SMARCA2</i>	54.21 +/- 8.21	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.2	99.15 +/- 2.54
<i>SMARCA4</i>	53.27 +/- 8.22	99.98 +/- 0.11	99.77 +/- 0.87	97.8 +/- 6.05
<i>SMARCB1</i>	52.13 +/- 9.19	99.99 +/- 0.07	99.58 +/- 0.74	97.54 +/- 4.35
<i>SMARCC2</i>	52.29 +/- 7.99	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.45	98.14 +/- 4.9
<i>SMARCE1</i>	55.14 +/- 7.79	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.5 +/- 1.36
<i>SMO</i>	49.62 +/- 7.86	100.0 +/- 0.0	99.66 +/- 1.61	97.11 +/- 7.12
<i>SOS1</i>	53.84 +/- 7.54	100.0 +/- 0.0	99.69 +/- 0.98	97.96 +/- 3.04
<i>SOS2</i>	54.73 +/- 7.38	99.99 +/- 0.04	99.78 +/- 0.76	98.52 +/- 2.17
<i>SPINK1</i>	56.62 +/- 9.08	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.37 +/- 3.05
<i>SPRED1</i>	54.98 +/- 7.33	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.23	99.04 +/- 1.38
<i>SQSTM1</i>	53.33 +/- 8.71	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.74 +/- 3.55

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 15x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>SRP72</i>	54.48 +/- 6.88	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.05	99.3 +/- 1.58
<i>SRY^{1,2}</i>	11.26 +/- 12.86	44.41 +/- 50.21	38.58 +/- 45.02	9.85 +/- 15.8
<i>STAT3</i>	51.79 +/- 8.07	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.21	98.59 +/- 4.03
<i>STK11</i>	51.24 +/- 9.39	100.0 +/- 0.0	99.22 +/- 2.26	93.15 +/- 9.85
<i>STN1</i>	54.12 +/- 8.47	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	99.28 +/- 2.46
<i>STX11</i>	55.91 +/- 7.72	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.22	99.4 +/- 1.05
<i>STXBP2</i>	51.77 +/- 9.2	100.0 +/- 0.0	99.83 +/- 0.82	97.49 +/- 5.75
<i>SUFU</i>	50.71 +/- 7.85	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.28	97.89 +/- 4.64
<i>TERC</i>	59.62 +/- 11.41	100.0 +/- 0.0	99.75 +/- 1.65	98.95 +/- 5.25
<i>TERF2IP</i>	53.04 +/- 8.09	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.57	98.58 +/- 4.4
<i>TERT</i>	57.28 +/- 9.3	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.04 +/- 2.76
<i>TFAP2A</i>	49.35 +/- 7.05	100.0 +/- 0.0	99.05 +/- 1.38	93.9 +/- 4.73
<i>TG</i>	52.48 +/- 8.07	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.06 +/- 2.77
<i>TGFBR1</i>	54.83 +/- 7.94	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.18	98.85 +/- 1.81
<i>TINF2</i>	51.29 +/- 8.06	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	97.99 +/- 6.43
<i>TLR8</i>	42.45 +/- 15.49	99.98 +/- 0.08	95.54 +/- 7.42	70.61 +/- 35.11
<i>TMEM127</i>	51.28 +/- 8.69	100.0 +/- 0.0	99.87 +/- 0.76	97.03 +/- 9.76
<i>TNFRSF11A</i>	52.94 +/- 7.8	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.2	98.72 +/- 2.89
<i>TNFRSF13B</i>	49.42 +/- 8.3	100.0 +/- 0.03	99.78 +/- 1.0	95.92 +/- 10.04
<i>TP53</i>	50.94 +/- 8.18	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.43	98.55 +/- 3.71
<i>TP53AIP1</i>	54.29 +/- 7.83	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.48 +/- 2.3
<i>TRIM28</i>	49.69 +/- 8.02	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.34	97.63 +/- 5.2
<i>TRIM37</i>	56.1 +/- 7.64	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.21	99.52 +/- 1.68
<i>TRIP13</i>	54.81 +/- 8.76	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.55	99.08 +/- 2.32
<i>TSC1</i>	54.3 +/- 7.8	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.03	99.26 +/- 2.15
<i>TSC2</i>	54.73 +/- 8.8	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.09	98.65 +/- 5.08
<i>TSR2</i>	40.65 +/- 15.65	99.84 +/- 0.73	92.37 +/- 13.17	65.67 +/- 39.12
<i>TYK2</i>	52.67 +/- 8.4	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.28	98.31 +/- 6.5
<i>UBE2T</i>	54.68 +/- 8.44	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.42 +/- 1.7
<i>UNC13D</i>	50.23 +/- 8.77	100.0 +/- 0.0	99.82 +/- 0.66	97.1 +/- 7.51
<i>UROD</i>	52.06 +/- 8.43	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.1	98.01 +/- 5.69
<i>USB1</i>	47.36 +/- 7.57	100.0 +/- 0.0	99.35 +/- 1.87	92.37 +/- 10.08
<i>USP39</i>	52.45 +/- 7.5	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.16	98.99 +/- 3.14
<i>VHL</i>	51.91 +/- 7.58	100.0 +/- 0.01	99.92 +/- 0.15	97.75 +/- 3.21
<i>VPS13C</i>	55.67 +/- 7.3	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.56 +/- 0.94
<i>WAS</i>	36.39 +/- 14.21	99.35 +/- 2.48	85.74 +/- 20.64	59.53 +/- 41.47
<i>WRAP53</i>	49.42 +/- 8.84	100.0 +/- 0.0	99.84 +/- 1.09	97.08 +/- 7.35
<i>WRN</i>	54.75 +/- 7.13	99.98 +/- 0.07	99.8 +/- 0.25	98.66 +/- 1.68
<i>WT1</i>	51.71 +/- 7.71	99.98 +/- 0.13	99.27 +/- 1.56	95.89 +/- 5.6
<i>WWP1</i>	53.78 +/- 6.9	100.0 +/- 0.0	99.19 +/- 1.34	96.19 +/- 2.57
<i>XIAP</i>	42.81 +/- 16.06	99.96 +/- 0.14	94.38 +/- 10.06	69.95 +/- 34.87
<i>XPA</i>	55.2 +/- 7.75	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	99.28 +/- 2.4
<i>XPC</i>	50.16 +/- 8.57	100.0 +/- 0.0	99.85 +/- 0.58	96.63 +/- 5.54
<i>XRCC2</i>	55.09 +/- 7.83	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.07	99.3 +/- 1.64
<i>XRCC3</i>	51.86 +/- 8.29	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.67	98.12 +/- 5.61