

Analyse af gener relevante ved mistanke om skeletdysplasi

Panelbeskrivelse

Navn: Analyse af gener relevante ved mistanke om skeletdysplasi**Antal gener:** 729**version:** 2.0**Ibrugtagningsdato:** 2026-06-30

Metodebeskrivelse: Prøveforberedelse og sekventering: Der udføres helgenomsekventering (WGS) med Illumina PCR free library prep (tagmentation) og Illumina sekventering (NovaSeq). Middelsekventeringsdybden for analysen er minimum 30X og minimumsandelen af genomet, der er dækket minimum 15X, er 95 %. Middelsekventeringsdybden og andelen, der i gennemsnit er dækket minimum 15X, for de enkelte gener kan ses i nedenstående tabel.

Dataanalyse: Referencegenom: hg38. Alignment og variantkald foretages med hhv. BWA og GATK. Data analyseres for strukturelle varianter vha. Manta og GATK-gCNV. Der foretages *in silico* filtrering af data til relevante genregioner baseret på nedenstående tabel. Varianter med allelfrekvens mindre end 15% filtreres som udgangspunkt fra. For alle, eller de specifikt anførte, gener undersøges der for varianter i de proteinkodende regioner og de nærmeste 10 bp i de tilstødende ikke-proteinkodende regioner, mtDNA, samt varianter i ikke-proteinkodende regioner indberettet som sandsynlig patogene (C4) eller patogene (C5) i ClinVar. Ved særlig mistanke om repeat-sygdom kan der foretages undersøgelse for short tandem repeat-ekspansioner i et eller flere af følgende gener: *EIF4A3*, *HOXA13*, *HOXD13*, *RUNX2* og *XYLT1* ved anvendelse af softwaren ExpansionHunter. Metoden er beskrevet i følgende publikationer: PMID: 28887402 og 31134279. ExpansionHunter er et screeningsværktøj, hvor der for de nævnte gener er begrænset analytisk nøjagtighed og sensitivitet, hvorfor påviste ekspansioner samt klinisk relevante fund skal bekræftes med en uafhængig, mere robust metode. Varianter klassificeres iht. ACMGs klassifikationsguideline (PMID: 25741868), og hvis tilgængelig og relevant benyttes ClinGens genspecifikke guideline. Varianter af ukendt klinisk betydning (C3) anføres kun i svaret, hvis de vurderes relevante i forhold til sygdomsbilledet. Anlægsbærerstatus for recessiv sygdom rapporteres ikke nødvendigvis. Genomsekventering er en screeningsmetode, og ikke alle varianter kan med sikkerhed identificeres. Den udførte analyse har ikke samme sensitivitet som DNA-microarrayanalyse ift. strukturelle varianter.

Genliste

Gener, hvor middelsekventeringsdybden er < 30X, er markeret med¹. Gener, hvor andelen af de kodede regioner, der dækket minimum 15X, er < 95 % er markeret med². Gener, der derudover vides at være suboptimalt dækket, er markeret med med³. Værdier er angivet med +/- standardafvigelse.

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 15x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>ABCC9</i>	55.36 +/- 7.4	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.13	98.98 +/- 1.65
<i>ACACA</i>	53.95 +/- 7.77	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.36	99.22 +/- 1.88
<i>ACAN²</i>	44.64 +/- 7.05	89.15 +/- 1.15	87.01 +/- 0.85	84.21 +/- 4.62
<i>ACPS5</i>	49.76 +/- 8.78	100.0 +/- 0.0	99.81 +/- 1.17	97.03 +/- 6.09
<i>ACTB</i>	52.67 +/- 9.59	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.13	98.33 +/- 4.59
<i>ACTG1</i>	50.51 +/- 9.23	100.0 +/- 0.0	99.86 +/- 0.67	97.56 +/- 4.62
<i>ACVR1</i>	52.36 +/- 7.36	99.95 +/- 0.31	99.14 +/- 1.99	94.97 +/- 6.16
<i>ADAMTS10</i>	49.67 +/- 8.31	100.0 +/- 0.0	99.71 +/- 1.3	95.86 +/- 7.2
<i>ADAMTS17</i>	52.78 +/- 8.22	99.94 +/- 0.09	99.8 +/- 0.58	98.34 +/- 3.38
<i>ADAMTSL2</i>	52.62 +/- 9.01	100.0 +/- 0.0	99.84 +/- 1.03	98.45 +/- 6.37
<i>ADGRG6</i>	54.56 +/- 7.37	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.11	99.43 +/- 1.34
<i>ADI1</i>	55.37 +/- 7.98	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.31	98.82 +/- 2.49
<i>AFF3</i>	53.87 +/- 7.92	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.15	98.68 +/- 2.61
<i>AFF4</i>	54.83 +/- 7.35	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.08	99.05 +/- 2.22
<i>AGA</i>	55.71 +/- 7.7	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.76 +/- 1.07
<i>AGPS</i>	54.53 +/- 7.3	99.99 +/- 0.03	99.91 +/- 0.1	99.17 +/- 1.64
<i>AGRN</i>	52.7 +/- 9.09	100.0 +/- 0.0	99.62 +/- 1.36	96.88 +/- 7.28
<i>AIFM1</i>	40.89 +/- 15.81	99.86 +/- 0.59	91.64 +/- 13.41	65.89 +/- 38.83
<i>AKT1</i>	51.37 +/- 9.19	99.96 +/- 0.25	99.28 +/- 1.87	95.38 +/- 7.85

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 15x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>AKT2</i>	48.67 +/- 8.11	100.0 +/- 0.0	99.65 +/- 1.37	95.96 +/- 8.16
<i>ALG12</i>	56.13 +/- 8.89	99.98 +/- 0.13	99.68 +/- 0.73	97.99 +/- 4.33
<i>ALG3</i>	50.28 +/- 8.39	100.0 +/- 0.0	99.87 +/- 0.54	97.91 +/- 7.37
<i>ALG9</i>	54.81 +/- 8.3	99.99 +/- 0.05	99.99 +/- 0.05	99.35 +/- 1.81
<i>ALMS1</i>	53.24 +/- 7.52	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.06	99.18 +/- 1.66
<i>ALPL</i>	50.34 +/- 8.5	100.0 +/- 0.0	99.81 +/- 0.62	97.83 +/- 4.5
<i>ALX1</i>	52.18 +/- 7.83	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.89 +/- 2.81
<i>ALX3</i>	48.99 +/- 8.76	100.0 +/- 0.0	99.34 +/- 2.43	95.92 +/- 9.64
<i>ALX4</i>	52.2 +/- 8.21	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.18	98.58 +/- 4.7
<i>AMER1</i>	40.4 +/- 15.38	99.68 +/- 1.03	91.0 +/- 15.47	65.97 +/- 37.88
<i>ANAPC1</i>	46.64 +/- 6.27	99.0 +/- 0.89	93.58 +/- 2.52	84.45 +/- 4.9
<i>ANAPC5</i>	54.38 +/- 7.88	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.26	99.01 +/- 2.81
<i>ANKH</i>	53.92 +/- 8.24	99.94 +/- 0.18	99.66 +/- 0.41	98.22 +/- 2.48
<i>ANKRD11</i>	51.64 +/- 7.84	99.96 +/- 0.25	99.12 +/- 1.83	95.6 +/- 5.63
<i>ANO5</i>	54.74 +/- 7.51	99.97 +/- 0.05	99.96 +/- 0.05	99.22 +/- 1.81
<i>ANTXR2</i>	53.72 +/- 7.33	100.0 +/- 0.0	99.84 +/- 0.28	98.28 +/- 2.14
<i>APC2</i>	51.72 +/- 8.94	100.0 +/- 0.0	99.76 +/- 1.0	96.53 +/- 9.01
<i>ARCN1</i>	54.17 +/- 7.92	99.93 +/- 0.04	99.9 +/- 0.08	98.84 +/- 2.22
<i>ARHGAP25</i>	52.92 +/- 8.24	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.95 +/- 3.32
<i>ARHGAP31</i>	50.69 +/- 8.24	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.4	97.85 +/- 3.3
<i>ARID1A</i>	49.45 +/- 7.54	99.94 +/- 0.26	98.92 +/- 2.17	93.07 +/- 7.45
<i>ARID1B</i>	50.67 +/- 7.13	99.97 +/- 0.12	98.93 +/- 2.58	93.58 +/- 5.86
<i>ARL6</i>	56.43 +/- 7.8	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.46 +/- 1.64
<i>ARR3</i>	40.85 +/- 16.11	99.83 +/- 0.79	92.2 +/- 13.76	65.96 +/- 39.29
<i>ARSB</i>	52.71 +/- 8.31	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.27	98.79 +/- 3.51
<i>ARSK</i>	56.36 +/- 7.46	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.81 +/- 0.63
<i>ARSL</i>	41.3 +/- 15.58	99.91 +/- 0.44	92.63 +/- 12.02	66.35 +/- 38.6
<i>ASAH1</i>	55.58 +/- 7.86	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.73 +/- 0.81
<i>ASXL1</i>	51.35 +/- 7.91	100.0 +/- 0.0	99.84 +/- 0.57	97.89 +/- 3.89
<i>ASXL2</i>	53.68 +/- 7.34	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.12	98.92 +/- 2.06
<i>ATOH7</i>	56.3 +/- 8.98	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.33	98.88 +/- 4.06
<i>ATP6V0A2</i>	53.61 +/- 7.71	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.07	99.26 +/- 1.69
<i>ATP7A</i>	43.33 +/- 15.52	99.96 +/- 0.18	95.79 +/- 8.35	72.22 +/- 33.03
<i>ATR</i>	55.58 +/- 7.32	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.02	99.47 +/- 1.1
<i>AXIN1</i>	53.22 +/- 8.45	100.0 +/- 0.02	99.59 +/- 1.1	96.1 +/- 5.09
<i>B3GALT6</i>	54.13 +/- 9.42	100.0 +/- 0.0	99.68 +/- 1.64	97.2 +/- 6.81
<i>B3GAT3</i>	50.4 +/- 8.02	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.24	98.49 +/- 3.89
<i>B3GLCT</i>	54.52 +/- 7.58	99.86 +/- 0.09	99.86 +/- 0.09	99.11 +/- 1.48
<i>B4GALT6</i>	55.28 +/- 7.63	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.15	99.32 +/- 1.35
<i>B4GALT7</i>	50.02 +/- 8.54	99.99 +/- 0.07	99.76 +/- 1.15	96.99 +/- 6.52
<i>B9D1</i>	51.09 +/- 8.08	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.7 +/- 5.02
<i>B9D2</i>	51.21 +/- 8.93	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.53 +/- 5.79
<i>BANF1</i>	48.59 +/- 7.25	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.15 +/- 9.35
<i>BBS1</i>	52.34 +/- 8.31	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	98.98 +/- 3.48
<i>BBS10</i>	55.8 +/- 7.93	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.27	99.53 +/- 1.25
<i>BBS12</i>	56.62 +/- 8.74	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.07	99.45 +/- 1.89
<i>BBS2</i>	54.23 +/- 7.64	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.72 +/- 0.61

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 15x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
BBS4	53.66 +/- 8.02	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.09	99.52 +/- 1.37
BBS5	52.67 +/- 7.75	99.98 +/- 0.12	99.54 +/- 1.04	96.14 +/- 5.26
BBS7	56.19 +/- 7.17	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	99.64 +/- 0.95
BBS9	54.64 +/- 7.47	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.03	99.15 +/- 1.85
BCL11B	52.47 +/- 7.77	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.29	97.5 +/- 6.47
BGN	37.85 +/- 15.02	99.66 +/- 0.88	88.43 +/- 18.41	60.15 +/- 42.59
BHLHA9	49.86 +/- 10.02	100.0 +/- 0.0	99.1 +/- 4.2	94.34 +/- 15.96
BMP1	51.32 +/- 8.26	100.0 +/- 0.0	99.89 +/- 0.69	97.85 +/- 5.68
BMP2	49.85 +/- 7.33	100.0 +/- 0.0	99.74 +/- 0.79	95.94 +/- 6.54
BMP4	54.45 +/- 8.03	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.78 +/- 3.56
BMPER	54.25 +/- 7.65	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.18 +/- 1.47
BMPR1B	53.78 +/- 7.32	100.0 +/- 0.02	99.9 +/- 0.16	99.1 +/- 1.43
BNIP1	53.11 +/- 9.18	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.62 +/- 4.96
BPNT2	54.61 +/- 7.63	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.23	99.12 +/- 2.12
C2CD3	53.05 +/- 7.83	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.02 +/- 2.45
CA2	55.27 +/- 8.18	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.4	99.07 +/- 2.18
CANT1	53.52 +/- 8.43	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.43	98.46 +/- 6.36
CASR	51.5 +/- 7.85	99.99 +/- 0.09	99.66 +/- 0.5	97.56 +/- 3.22
CBFB	54.16 +/- 7.64	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.28	98.6 +/- 3.47
CC2D2A	54.85 +/- 8.01	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.09	99.36 +/- 2.46
CCDC134	52.28 +/- 8.17	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.09	99.1 +/- 2.51
CCDC22	38.59 +/- 15.36	99.52 +/- 1.73	88.55 +/- 18.33	62.97 +/- 41.25
CCDC28B	47.82 +/- 8.7	100.0 +/- 0.0	99.82 +/- 0.86	96.17 +/- 9.37
CCDC8	48.56 +/- 8.09	99.99 +/- 0.04	99.72 +/- 1.28	97.33 +/- 8.13
CCN6	52.83 +/- 7.93	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.99 +/- 3.52
CCNQ	44.13 +/- 16.36	99.76 +/- 1.03	94.12 +/- 12.84	72.23 +/- 32.78
CD96	54.33 +/- 7.82	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.59 +/- 1.34
CDC45	52.68 +/- 8.17	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.15	98.75 +/- 4.76
CDC6	55.81 +/- 8.32	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.67 +/- 0.81
CDC73	54.49 +/- 7.65	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	99.13 +/- 2.01
CDH3	51.59 +/- 8.43	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.66	98.47 +/- 4.73
CDK10	51.65 +/- 8.51	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.09	98.42 +/- 5.38
CDK5RAP2	53.57 +/- 8.09	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.2 +/- 2.28
CDKN1C	51.19 +/- 8.43	99.98 +/- 0.1	99.53 +/- 1.54	94.83 +/- 10.57
CDT1	54.7 +/- 8.66	100.0 +/- 0.0	99.82 +/- 0.9	98.12 +/- 5.89
CENPE	54.2 +/- 7.13	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.38 +/- 1.29
CEP120	54.91 +/- 7.32	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.15	99.12 +/- 2.02
CEP152	54.95 +/- 7.25	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	99.6 +/- 1.36
CEP290	54.71 +/- 7.35	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.48 +/- 1.25
CEP41	53.27 +/- 7.61	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.35 +/- 1.63
CEP63	53.65 +/- 7.66	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.16	99.26 +/- 2.09
CFAP410	53.88 +/- 8.44	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.5	98.16 +/- 3.71
CHST11	51.22 +/- 7.8	100.0 +/- 0.01	99.91 +/- 0.35	98.02 +/- 3.51
CHST14	46.39 +/- 8.4	99.99 +/- 0.04	98.75 +/- 3.5	91.65 +/- 12.65
CHST3	52.89 +/- 8.96	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.23	98.19 +/- 4.71
CHSY1	52.66 +/- 7.1	99.93 +/- 0.38	99.26 +/- 2.56	96.97 +/- 5.41

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 15x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>CILK1</i>	54.96 +/- 7.86	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.17	99.4 +/- 1.42
<i>CKAP2L</i>	53.98 +/- 7.74	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.05	99.41 +/- 1.78
<i>CLCN5</i>	43.08 +/- 16.41	99.98 +/- 0.09	94.66 +/- 8.04	69.49 +/- 35.71
<i>CLCN7</i>	54.28 +/- 9.36	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.29	97.91 +/- 5.82
<i>CNOT2</i>	55.21 +/- 8.01	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.03	99.3 +/- 1.66
<i>COG1</i>	52.01 +/- 7.84	99.99 +/- 0.06	99.57 +/- 1.63	98.24 +/- 3.79
<i>COG4</i>	51.68 +/- 7.92	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.88 +/- 3.12
<i>COL10A1</i>	53.63 +/- 7.51	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	98.31 +/- 5.33
<i>COL11A1</i>	53.88 +/- 7.22	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.22	99.2 +/- 1.94
<i>COL11A2</i>	47.48 +/- 8.61	100.0 +/- 0.0	99.72 +/- 1.12	95.79 +/- 8.64
<i>COL1A1</i>	49.25 +/- 8.22	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.45	97.55 +/- 7.02
<i>COL1A2</i>	53.66 +/- 7.23	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.26 +/- 2.37
<i>COL27A1</i>	49.84 +/- 7.76	100.0 +/- 0.0	99.74 +/- 1.2	96.55 +/- 7.07
<i>COL2A1</i>	50.27 +/- 8.25	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.48	97.93 +/- 6.53
<i>COL9A1</i>	53.77 +/- 7.9	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.4 +/- 1.82
<i>COL9A2</i>	49.41 +/- 8.2	99.98 +/- 0.12	99.56 +/- 1.88	95.51 +/- 8.47
<i>COL9A3</i>	52.14 +/- 8.66	100.0 +/- 0.0	99.84 +/- 0.59	97.26 +/- 5.17
<i>COLEC10</i>	54.81 +/- 8.05	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.43 +/- 1.73
<i>COLEC11</i>	57.11 +/- 9.19	100.0 +/- 0.0	99.88 +/- 0.82	98.84 +/- 6.2
<i>COMP</i>	47.64 +/- 8.12	100.0 +/- 0.0	99.71 +/- 1.18	95.95 +/- 9.2
<i>COPB1</i>	54.55 +/- 7.79	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.15 +/- 2.34
<i>COPB2</i>	55.76 +/- 7.7	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.68 +/- 1.01
<i>CPAP</i>	54.76 +/- 7.43	99.99 +/- 0.03	99.98 +/- 0.04	99.29 +/- 2.17
<i>CPLANE1</i>	55.19 +/- 7.49	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.08	99.5 +/- 0.87
<i>CPLANE2</i>	51.5 +/- 8.33	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	98.52 +/- 6.35
<i>CPSF1</i>	51.89 +/- 9.34	100.0 +/- 0.03	99.69 +/- 0.9	96.46 +/- 6.9
<i>CREB3L1</i>	47.15 +/- 7.9	100.0 +/- 0.0	99.86 +/- 0.35	95.6 +/- 9.62
<i>CREBBP</i>	49.4 +/- 7.69	99.77 +/- 0.53	98.17 +/- 2.39	92.72 +/- 5.97
<i>CRIP1</i>	54.17 +/- 7.43	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.17	99.31 +/- 2.19
<i>CRTP</i>	54.13 +/- 7.85	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.21	99.04 +/- 2.59
<i>CSF1R</i>	49.96 +/- 8.41	100.0 +/- 0.0	99.85 +/- 0.71	97.52 +/- 8.05
<i>CSGALNACT1</i>	53.51 +/- 8.14	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.16	98.81 +/- 2.6
<i>CSPP1</i>	54.76 +/- 7.34	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.43 +/- 0.86
<i>CTSA</i>	48.37 +/- 8.73	99.93 +/- 0.09	99.82 +/- 0.42	97.01 +/- 6.48
<i>CTSC</i>	53.17 +/- 7.72	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.13 +/- 2.23
<i>CTSK</i>	53.8 +/- 8.31	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.09 +/- 2.56
<i>CUL4B</i>	41.73 +/- 15.43	99.78 +/- 0.74	92.94 +/- 11.57	69.08 +/- 34.15
<i>CUL7</i>	50.3 +/- 8.96	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.43	97.74 +/- 8.2
<i>CYP26B1</i>	51.91 +/- 8.63	99.99 +/- 0.06	99.8 +/- 0.84	97.5 +/- 6.38
<i>CYP27B1</i>	52.57 +/- 8.24	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.4	98.8 +/- 4.02
<i>CYP2R1</i>	54.26 +/- 7.44	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.37 +/- 1.94
<i>CYP3A4</i>	54.23 +/- 8.44	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.21	99.21 +/- 2.58
<i>DDR2</i>	52.99 +/- 7.37	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.08	99.21 +/- 1.65
<i>DDRGK1</i>	49.74 +/- 7.95	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.15	97.97 +/- 8.17
<i>DDX59</i>	52.36 +/- 7.29	100.0 +/- 0.0	99.84 +/- 0.68	98.54 +/- 2.78
<i>DHCR24</i>	51.8 +/- 8.32	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	98.64 +/- 4.69

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 15x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>DHCR7</i>	53.79 +/- 9.03	99.97 +/- 0.12	99.79 +/- 0.86	98.57 +/- 5.94
<i>DHODH</i>	52.85 +/- 8.03	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.42	98.85 +/- 3.85
<i>DICER1</i>	55.36 +/- 7.59	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.17	99.29 +/- 1.68
<i>DIP2C</i>	55.38 +/- 8.08	100.0 +/- 0.0	99.81 +/- 0.5	98.68 +/- 2.17
<i>DIS3L2</i>	53.13 +/- 8.08	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	98.72 +/- 2.94
<i>DLL3</i>	49.19 +/- 8.41	100.0 +/- 0.0	99.85 +/- 0.76	95.75 +/- 10.23
<i>DLL4</i>	53.54 +/- 8.7	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.37	99.04 +/- 2.65
<i>DLX3</i>	52.03 +/- 8.16	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.65 +/- 5.01
<i>DLX5</i>	54.42 +/- 8.35	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.09	98.67 +/- 4.93
<i>DLX6</i>	47.95 +/- 7.62	100.0 +/- 0.0	99.72 +/- 0.79	95.78 +/- 7.97
<i>DMP1</i>	54.33 +/- 8.19	99.99 +/- 0.03	99.97 +/- 0.07	99.36 +/- 1.8
<i>DNA2</i>	54.38 +/- 7.02	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.55 +/- 1.15
<i>DNAJC21</i>	54.44 +/- 7.03	99.94 +/- 0.24	99.4 +/- 1.33	97.26 +/- 2.32
<i>DNMT3A</i>	50.31 +/- 7.98	99.99 +/- 0.07	99.8 +/- 0.55	97.08 +/- 5.35
<i>DOCK6</i>	50.37 +/- 8.25	99.98 +/- 0.16	99.8 +/- 0.63	96.91 +/- 6.98
<i>DOLPP1</i>	51.88 +/- 8.16	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.19	98.46 +/- 4.2
<i>DONSON</i>	54.86 +/- 7.45	99.99 +/- 0.03	99.82 +/- 0.6	97.96 +/- 3.59
<i>DPAGT1</i>	51.6 +/- 8.57	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.58	98.28 +/- 6.05
<i>DPM1</i>	55.3 +/- 8.03	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.73 +/- 1.26
<i>DPM2</i>	48.79 +/- 8.39	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.08	97.15 +/- 11.75
<i>DPM3</i>	50.7 +/- 8.09	100.0 +/- 0.0	99.82 +/- 1.21	98.89 +/- 3.95
<i>DSE</i>	54.31 +/- 7.54	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.05	99.31 +/- 1.92
<i>DSPP</i>	51.07 +/- 6.82	98.6 +/- 0.8	97.14 +/- 1.2	95.15 +/- 2.83
<i>DVL1</i>	51.82 +/- 9.49	99.93 +/- 0.33	98.62 +/- 3.36	93.7 +/- 8.76
<i>DVL3</i>	50.84 +/- 7.86	100.0 +/- 0.01	99.81 +/- 0.68	97.46 +/- 6.24
<i>DYM</i>	54.31 +/- 7.72	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.13	99.24 +/- 1.79
<i>DYNC2H1</i>	55.74 +/- 7.17	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.64 +/- 0.76
<i>DYNC2I1</i>	54.59 +/- 7.83	99.99 +/- 0.05	99.87 +/- 0.76	99.25 +/- 1.94
<i>DYNC2I2</i>	53.09 +/- 8.9	100.0 +/- 0.0	99.78 +/- 1.4	98.46 +/- 5.13
<i>DYNC2LI1</i>	55.3 +/- 7.07	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.49 +/- 1.3
<i>DYNLT2B</i>	48.8 +/- 7.48	100.0 +/- 0.0	99.86 +/- 0.92	97.28 +/- 7.48
<i>EBP</i>	40.85 +/- 15.53	99.9 +/- 0.48	94.01 +/- 12.59	68.58 +/- 36.39
<i>EDN1</i>	55.08 +/- 8.15	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.61 +/- 1.9
<i>EDNRA</i>	55.47 +/- 7.22	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.32 +/- 1.8
<i>EED</i>	52.02 +/- 7.37	100.0 +/- 0.0	99.28 +/- 2.28	95.19 +/- 6.64
<i>EFL1</i>	54.1 +/- 7.51	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.52 +/- 1.07
<i>EFNB1</i>	41.36 +/- 16.0	99.69 +/- 1.33	92.21 +/- 14.43	67.14 +/- 38.52
<i>EFTUD2</i>	52.68 +/- 8.45	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	98.98 +/- 3.69
<i>EIF2AK3</i>	55.03 +/- 7.92	99.95 +/- 0.05	99.86 +/- 0.42	99.19 +/- 2.11
<i>EIF4A3</i>	52.66 +/- 7.86	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.49	98.8 +/- 2.91
<i>ELMO2</i>	50.86 +/- 8.74	100.0 +/- 0.0	99.78 +/- 1.29	96.93 +/- 5.4
<i>EN1</i>	45.02 +/- 7.42	99.95 +/- 0.33	99.23 +/- 3.13	91.73 +/- 11.35
<i>ENPP1</i>	54.21 +/- 7.85	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.13	98.77 +/- 2.71
<i>EOGT</i>	55.69 +/- 7.68	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.48 +/- 1.39
<i>EP300</i>	51.74 +/- 7.58	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.34	98.16 +/- 4.84
<i>EPS15L1</i>	53.02 +/- 8.06	100.0 +/- 0.01	99.78 +/- 0.35	98.21 +/- 2.95

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 15x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>ERF</i>	47.69 +/- 8.68	100.0 +/- 0.0	99.48 +/- 2.61	95.15 +/- 10.77
<i>ERI1</i>	55.27 +/- 8.05	99.98 +/- 0.04	99.97 +/- 0.05	99.48 +/- 1.4
<i>ESCO2</i>	54.74 +/- 7.77	99.98 +/- 0.06	99.68 +/- 1.02	98.12 +/- 2.94
<i>ESR1</i>	53.52 +/- 7.68	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.09	99.05 +/- 2.92
<i>ETF1</i>	54.62 +/- 9.12	100.0 +/- 0.0	99.85 +/- 0.36	98.08 +/- 3.01
<i>EVC</i>	51.23 +/- 8.25	99.99 +/- 0.09	99.71 +/- 0.94	96.84 +/- 5.85
<i>EVC2</i>	52.51 +/- 7.89	100.0 +/- 0.0	99.89 +/- 0.54	98.29 +/- 5.23
<i>EXOC6B</i>	54.51 +/- 7.83	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.05	99.33 +/- 1.65
<i>EXT1</i>	52.25 +/- 7.63	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.19	98.56 +/- 2.6
<i>EXT2</i>	54.18 +/- 8.18	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.06	99.22 +/- 2.38
<i>EXTL3</i>	54.39 +/- 8.24	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.47	99.03 +/- 3.08
<i>EZH2</i>	55.84 +/- 7.52	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.28 +/- 1.4
<i>FAM111A</i>	54.13 +/- 7.85	100.0 +/- 0.02	99.99 +/- 0.03	99.43 +/- 1.57
<i>FAM149B1</i>	54.76 +/- 7.56	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.02	99.3 +/- 1.6
<i>FAM20B</i>	53.37 +/- 7.47	100.0 +/- 0.0	99.73 +/- 0.7	98.04 +/- 2.39
<i>FAM20C</i>	51.08 +/- 8.62	100.0 +/- 0.0	99.22 +/- 2.25	92.95 +/- 10.24
<i>FAM24A</i>	53.91 +/- 9.33	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.66 +/- 1.43
<i>FAM3A</i>	38.19 +/- 14.81	99.87 +/- 0.48	88.72 +/- 18.5	62.24 +/- 40.33
<i>FANCB</i>	42.87 +/- 15.58	99.92 +/- 0.37	95.2 +/- 7.95	70.58 +/- 35.02
<i>FAR1</i>	56.36 +/- 7.12	100.0 +/- 0.01	99.99 +/- 0.04	99.64 +/- 0.75
<i>FBLIM1</i>	51.63 +/- 7.74	99.99 +/- 0.04	99.31 +/- 1.14	95.35 +/- 3.7
<i>FBLN1</i>	54.21 +/- 8.11	100.0 +/- 0.0	99.86 +/- 0.56	98.52 +/- 3.72
<i>FBN1</i>	55.21 +/- 7.75	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.42 +/- 1.72
<i>FBN2</i>	55.2 +/- 7.49	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.26 +/- 1.87
<i>FBXW4</i>	49.98 +/- 7.91	100.0 +/- 0.0	99.62 +/- 1.58	96.17 +/- 7.45
<i>FERMT3</i>	51.81 +/- 8.64	100.0 +/- 0.0	99.84 +/- 0.77	97.08 +/- 6.18
<i>FGD1</i>	37.94 +/- 14.87	99.39 +/- 2.32	86.57 +/- 18.41	60.73 +/- 40.41
<i>FGF10</i>	53.81 +/- 7.31	100.0 +/- 0.01	99.94 +/- 0.2	98.98 +/- 2.43
<i>FGF16</i>	40.96 +/- 16.63	99.76 +/- 1.29	90.7 +/- 17.23	64.92 +/- 39.09
<i>FGF21</i>	47.04 +/- 8.58	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.63	95.8 +/- 8.98
<i>FGF23</i>	51.67 +/- 7.76	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.06	98.56 +/- 3.88
<i>FGF8</i>	48.03 +/- 8.31	99.95 +/- 0.31	97.89 +/- 4.61	88.67 +/- 10.01
<i>FGF9</i>	56.11 +/- 7.62	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.63 +/- 0.71
<i>FGFR1</i>	52.48 +/- 8.64	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.47	97.99 +/- 6.49
<i>FGFR2</i>	53.88 +/- 7.73	100.0 +/- 0.0	99.83 +/- 1.13	98.64 +/- 4.2
<i>FGFR3</i>	53.79 +/- 8.88	100.0 +/- 0.0	99.78 +/- 0.84	97.9 +/- 4.27
<i>FIG4</i>	55.99 +/- 7.29	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.21	99.19 +/- 3.24
<i>FKBP10</i>	47.98 +/- 8.81	99.95 +/- 0.05	99.8 +/- 0.33	95.91 +/- 7.73
<i>FKBP14</i>	55.68 +/- 7.66	100.0 +/- 0.01	99.99 +/- 0.05	99.63 +/- 1.01
<i>FLNA</i>	42.44 +/- 16.96	99.82 +/- 0.82	92.1 +/- 15.58	67.31 +/- 37.83
<i>FLNB</i>	53.31 +/- 8.1	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.16	98.86 +/- 4.19
<i>FMN1</i>	51.69 +/- 7.6	99.98 +/- 0.11	99.48 +/- 0.75	96.95 +/- 3.19
<i>FN1</i>	54.82 +/- 7.91	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.43	99.06 +/- 2.17
<i>FOXC1</i>	46.73 +/- 7.76	100.0 +/- 0.0	99.24 +/- 2.68	91.17 +/- 12.71
<i>FSTL5</i>	56.17 +/- 7.31	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.73 +/- 0.9
<i>FUCA1</i>	53.23 +/- 7.83	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	98.87 +/- 4.05
<i>FUZ</i>	48.32 +/- 8.61	100.0 +/- 0.0	99.46 +/- 3.23	95.21 +/- 10.47

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 15x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>FZD2</i>	52.21 +/- 8.27	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.37	97.33 +/- 6.22
<i>GALNS</i>	50.86 +/- 8.38	100.0 +/- 0.0	99.67 +/- 1.74	96.87 +/- 8.69
<i>GALNT3</i>	55.35 +/- 7.5	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.36 +/- 1.49
<i>GBA1^{2,3}</i>	39.15 +/- 6.24	82.96 +/- 3.33	74.54 +/- 2.97	70.82 +/- 3.62
<i>GCM2</i>	53.62 +/- 7.92	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.09	99.23 +/- 2.9
<i>GDF3</i>	51.68 +/- 9.7	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.4	99.02 +/- 4.27
<i>GDF5</i>	49.65 +/- 7.72	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.12	97.69 +/- 5.12
<i>GDF6</i>	51.23 +/- 7.45	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.29	97.75 +/- 5.85
<i>GH1</i>	52.76 +/- 8.45	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.86 +/- 6.48
<i>GHR</i>	55.05 +/- 7.73	99.79 +/- 0.43	99.68 +/- 0.45	98.59 +/- 2.88
<i>GHSR</i>	53.26 +/- 7.22	99.99 +/- 0.06	99.98 +/- 0.08	99.16 +/- 2.01
<i>GINS2</i>	54.92 +/- 8.33	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.09	99.4 +/- 1.85
<i>GJA1</i>	53.43 +/- 7.59	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.03	99.14 +/- 1.51
<i>GLB1</i>	53.66 +/- 8.07	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.1	99.15 +/- 2.5
<i>GLI1</i>	49.05 +/- 8.43	99.85 +/- 0.28	98.71 +/- 1.32	94.25 +/- 7.74
<i>GLI2</i>	54.49 +/- 8.68	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.29	98.24 +/- 5.05
<i>GLI3</i>	54.82 +/- 7.78	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	99.24 +/- 2.65
<i>GMNN</i>	55.58 +/- 7.44	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.21 +/- 3.28
<i>GNAI2</i>	49.57 +/- 7.86	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.1	97.24 +/- 7.51
<i>GNAI3</i>	55.06 +/- 7.85	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.54 +/- 0.91
<i>GNAS</i>	47.03 +/- 7.06	99.83 +/- 0.62	94.78 +/- 6.99	83.4 +/- 8.94
<i>GNPAT</i>	54.85 +/- 7.82	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.57 +/- 1.07
<i>GNPNAT1</i>	53.86 +/- 7.42	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.02	98.74 +/- 3.23
<i>GNPTAB</i>	55.29 +/- 7.74	99.99 +/- 0.03	99.71 +/- 0.63	98.17 +/- 2.37
<i>GNPTG</i>	52.91 +/- 8.59	100.0 +/- 0.0	99.77 +/- 1.05	98.06 +/- 4.33
<i>GNS</i>	53.45 +/- 8.11	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	99.26 +/- 2.41
<i>GORAB</i>	55.03 +/- 7.75	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.42 +/- 1.39
<i>GPC3</i>	40.46 +/- 15.32	99.98 +/- 0.09	90.13 +/- 14.69	65.62 +/- 39.14
<i>GPC4</i>	42.81 +/- 16.17	99.84 +/- 0.66	93.82 +/- 11.45	70.15 +/- 35.14
<i>GPC5</i>	54.57 +/- 7.99	99.88 +/- 0.19	99.76 +/- 0.25	98.93 +/- 1.61
<i>GPC6</i>	55.62 +/- 7.54	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.27	99.38 +/- 2.27
<i>GPX4</i>	51.05 +/- 10.03	100.0 +/- 0.0	99.77 +/- 0.89	95.52 +/- 9.61
<i>GREM1</i>	53.02 +/- 7.66	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.13	98.82 +/- 2.27
<i>GRK2</i>	50.53 +/- 8.74	99.88 +/- 0.49	98.41 +/- 2.52	92.81 +/- 9.33
<i>GSC</i>	51.2 +/- 8.98	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.15	97.74 +/- 5.19
<i>GUSB</i>	51.2 +/- 8.77	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.17	97.88 +/- 4.9
<i>GZF1</i>	57.55 +/- 8.02	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.47 +/- 1.68
<i>HAAO</i>	51.38 +/- 8.59	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.04 +/- 7.04
<i>HAGLR</i>	53.03 +/- 8.09	99.99 +/- 0.03	99.96 +/- 0.16	98.52 +/- 3.97
<i>HDAC4</i>	56.11 +/- 7.99	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.12	99.17 +/- 2.16
<i>HDAC6</i>	39.96 +/- 15.83	99.81 +/- 1.03	89.87 +/- 16.8	64.96 +/- 40.22
<i>HDAC8</i>	40.43 +/- 15.06	99.86 +/- 0.74	92.95 +/- 12.03	66.34 +/- 37.72
<i>HES7</i>	46.39 +/- 7.53	100.0 +/- 0.0	99.7 +/- 1.44	94.74 +/- 10.67
<i>HGSNAT</i>	53.32 +/- 7.96	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	99.0 +/- 2.22
<i>HHAT</i>	52.81 +/- 7.82	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	98.97 +/- 3.1
<i>HMGA2</i>	49.93 +/- 7.16	100.0 +/- 0.0	98.86 +/- 2.49	93.04 +/- 7.64

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 15x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>HNRNPC</i>	54.32 +/- 7.68	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.3	99.04 +/- 1.54
<i>HNRNPK</i>	54.36 +/- 7.51	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.49 +/- 1.45
<i>HOXA11</i>	52.32 +/- 8.8	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.15	98.37 +/- 5.12
<i>HOXA13</i>	52.43 +/- 7.49	99.92 +/- 0.34	98.79 +/- 2.34	94.44 +/- 4.39
<i>HOXD13</i>	53.02 +/- 8.49	99.99 +/- 0.06	99.81 +/- 1.06	97.82 +/- 5.61
<i>HPGD</i>	55.43 +/- 7.72	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.64 +/- 0.99
<i>HRAS</i>	49.95 +/- 9.48	99.95 +/- 0.17	99.17 +/- 2.84	94.67 +/- 10.68
<i>HS2ST1</i>	54.99 +/- 8.03	99.96 +/- 0.05	99.9 +/- 0.21	98.97 +/- 2.07
<i>HSPA9</i>	54.78 +/- 8.01	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.09	99.43 +/- 1.32
<i>HSPG2</i>	51.6 +/- 8.45	100.0 +/- 0.0	99.77 +/- 0.57	97.6 +/- 6.36
<i>HYAL1</i>	51.82 +/- 8.95	100.0 +/- 0.0	99.84 +/- 0.74	97.57 +/- 6.99
<i>HYLS1</i>	55.02 +/- 8.28	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.51 +/- 1.84
<i>IARS2</i>	55.78 +/- 7.27	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.07	99.38 +/- 1.42
<i>ID4</i>	53.76 +/- 7.36	100.0 +/- 0.02	99.87 +/- 0.67	98.47 +/- 3.18
<i>IDH1</i>	55.33 +/- 8.18	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.71 +/- 0.72
<i>IDH2</i>	51.69 +/- 8.89	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.43	98.34 +/- 5.49
<i>IDS</i>	42.84 +/- 15.64	99.95 +/- 0.34	94.77 +/- 9.21	70.78 +/- 33.81
<i>IDUA</i>	50.12 +/- 9.17	100.0 +/- 0.0	99.59 +/- 1.62	95.77 +/- 9.73
<i>IFIH1</i>	54.43 +/- 7.58	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.27	99.44 +/- 1.67
<i>IFITM5</i>	51.99 +/- 9.46	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.61	97.53 +/- 7.85
<i>IFT122</i>	52.88 +/- 7.76	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	99.08 +/- 3.38
<i>IFT140</i>	55.06 +/- 8.53	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.16 +/- 2.44
<i>IFT172</i>	51.73 +/- 7.98	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.09	98.92 +/- 3.1
<i>IFT43</i>	54.44 +/- 8.7	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.37	99.25 +/- 3.66
<i>IFT52</i>	53.35 +/- 7.86	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.36 +/- 1.78
<i>IFT54</i>	54.04 +/- 8.11	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.5	98.43 +/- 3.04
<i>IFT57</i>	55.19 +/- 7.47	99.99 +/- 0.03	99.98 +/- 0.04	99.61 +/- 0.88
<i>IFT74</i>	54.98 +/- 7.35	100.0 +/- 0.03	99.98 +/- 0.06	99.66 +/- 0.72
<i>IFT80</i>	56.56 +/- 7.61	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.68 +/- 0.94
<i>IFT81</i>	53.91 +/- 7.36	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.17	98.55 +/- 2.42
<i>IGF1</i>	55.24 +/- 7.21	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.47 +/- 1.51
<i>IGF1R</i>	53.14 +/- 7.59	99.99 +/- 0.03	99.7 +/- 0.81	98.02 +/- 3.28
<i>IGF2</i>	42.18 +/- 7.41	99.81 +/- 0.32	95.42 +/- 4.56	81.02 +/- 12.5
<i>IGFALS</i>	59.53 +/- 10.25	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.07	98.81 +/- 6.2
<i>IHH</i>	50.7 +/- 8.69	100.0 +/- 0.0	99.53 +/- 2.14	97.09 +/- 6.94
<i>IL11RA</i>	50.68 +/- 8.1	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.15	98.13 +/- 4.35
<i>IL1RN</i>	52.13 +/- 7.23	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.18 +/- 2.56
<i>IL6ST</i>	56.29 +/- 7.93	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.03	99.47 +/- 1.12
<i>INPP4B</i>	55.43 +/- 7.42	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.61 +/- 0.86
<i>INPPL1</i>	48.97 +/- 8.44	100.0 +/- 0.0	99.72 +/- 1.23	96.14 +/- 9.17
<i>INTU</i>	53.63 +/- 7.62	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.05	99.33 +/- 1.41
<i>KAT6A</i>	51.93 +/- 7.42	99.99 +/- 0.03	99.82 +/- 0.33	98.05 +/- 2.99
<i>KAT6B</i>	53.19 +/- 7.52	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.31	98.89 +/- 2.04
<i>KCNJ13</i>	54.45 +/- 7.97	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.48 +/- 1.52
<i>KCNJ2</i>	54.68 +/- 7.95	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.16	99.36 +/- 1.9
<i>KDELR2</i>	54.89 +/- 8.05	99.92 +/- 0.04	99.86 +/- 0.38	98.48 +/- 3.48

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 15x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>KDM6A</i>	41.98 +/- 15.75	99.88 +/- 0.7	93.58 +/- 9.68	68.64 +/- 35.84
<i>KIAA0586</i>	55.3 +/- 7.5	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.03	99.37 +/- 1.55
<i>KIAA0753</i>	55.17 +/- 7.94	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.57 +/- 0.99
<i>KIAA0825</i>	53.75 +/- 7.25	99.99 +/- 0.06	99.74 +/- 0.41	97.88 +/- 1.95
<i>KIF22</i>	51.74 +/- 8.52	100.0 +/- 0.0	99.87 +/- 0.61	98.32 +/- 3.38
<i>KIF5B</i>	54.96 +/- 7.43	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.38	98.91 +/- 2.25
<i>KIF7</i>	52.39 +/- 8.25	100.0 +/- 0.0	99.88 +/- 0.79	97.97 +/- 4.36
<i>KL</i>	54.04 +/- 7.38	99.96 +/- 0.13	99.32 +/- 0.93	97.64 +/- 3.43
<i>KMT2D</i>	49.24 +/- 8.18	100.0 +/- 0.01	99.7 +/- 0.9	95.92 +/- 7.53
<i>KYNU</i>	54.66 +/- 7.75	99.92 +/- 0.05	99.88 +/- 0.07	99.1 +/- 1.57
<i>LAMA5</i>	53.27 +/- 9.05	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.28	97.47 +/- 4.98
<i>LARP7</i>	54.24 +/- 7.46	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.5 +/- 0.98
<i>LBR</i>	55.99 +/- 7.49	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.17	99.43 +/- 1.09
<i>LEMD3</i>	54.69 +/- 7.77	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.05	98.85 +/- 2.97
<i>LFNG</i>	49.29 +/- 9.01	99.99 +/- 0.04	98.6 +/- 2.74	92.53 +/- 9.68
<i>LHX4</i>	51.44 +/- 8.61	99.84 +/- 0.06	99.77 +/- 0.39	98.04 +/- 3.37
<i>LIFR</i>	54.58 +/- 7.26	100.0 +/- 0.0	99.88 +/- 0.32	98.69 +/- 1.79
<i>LMBR1</i>	55.52 +/- 7.28	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.22	99.21 +/- 1.54
<i>LMNA</i>	49.82 +/- 8.35	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.16	97.29 +/- 6.96
<i>LMX1B</i>	48.87 +/- 8.42	99.88 +/- 0.42	97.96 +/- 2.69	93.1 +/- 7.22
<i>LONP1</i>	53.37 +/- 8.54	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	98.35 +/- 4.95
<i>LOXL3</i>	50.62 +/- 8.33	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.16	98.26 +/- 4.48
<i>LPIN2</i>	53.55 +/- 7.96	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.22	99.0 +/- 2.85
<i>LRP1</i>	51.6 +/- 8.39	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.22	97.84 +/- 5.48
<i>LRP2</i>	54.31 +/- 7.61	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.41 +/- 1.36
<i>LRP4</i>	51.39 +/- 8.21	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.26	98.26 +/- 4.32
<i>LRP5</i>	52.36 +/- 8.32	99.98 +/- 0.07	99.55 +/- 1.19	96.62 +/- 5.5
<i>LRP6</i>	55.02 +/- 7.4	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.21	99.14 +/- 1.78
<i>LRPAP1</i>	52.0 +/- 7.86	97.18 +/- 0.5	95.64 +/- 0.76	93.41 +/- 2.9
<i>LRRK1</i>	51.27 +/- 7.88	99.17 +/- 0.74	98.5 +/- 0.87	96.57 +/- 3.4
<i>LTBP1</i>	53.94 +/- 7.26	100.0 +/- 0.0	99.86 +/- 0.59	98.09 +/- 3.01
<i>LTBP2</i>	53.42 +/- 8.22	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.02	98.78 +/- 4.42
<i>LTBP3</i>	50.55 +/- 8.85	100.0 +/- 0.0	99.31 +/- 1.94	93.54 +/- 9.28
<i>LYSET</i>	53.45 +/- 7.69	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.14	98.89 +/- 3.0
<i>MAB21L2</i>	55.3 +/- 8.15	99.98 +/- 0.12	98.89 +/- 0.99	95.92 +/- 4.08
<i>MAFB</i>	53.89 +/- 8.3	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.1	98.51 +/- 5.73
<i>MAML1</i>	53.26 +/- 7.69	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	98.74 +/- 2.49
<i>MAN2B1</i>	50.89 +/- 8.4	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.09	98.19 +/- 5.51
<i>MAN2C1</i>	52.35 +/- 8.7	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.09	98.54 +/- 4.24
<i>MANBA</i>	54.4 +/- 7.6	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.34 +/- 1.52
<i>MAP2K1</i>	51.3 +/- 8.2	100.0 +/- 0.0	99.8 +/- 0.72	97.54 +/- 4.52
<i>MAP3K20</i>	54.07 +/- 7.62	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.12	99.01 +/- 1.97
<i>MAP3K7</i>	55.2 +/- 7.26	99.97 +/- 0.07	99.93 +/- 0.1	99.48 +/- 1.01
<i>MAPKAPK5</i>	52.5 +/- 7.42	100.0 +/- 0.01	99.87 +/- 0.22	98.36 +/- 2.43
<i>MASP1</i>	53.27 +/- 8.14	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.29 +/- 1.78
<i>MATN3</i>	53.8 +/- 7.31	100.0 +/- 0.0	99.86 +/- 0.58	98.8 +/- 2.74

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 15x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
MBTPS1	54.26 +/- 7.78	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.08	99.07 +/- 2.88
MBTPS2	43.44 +/- 16.05	99.94 +/- 0.32	94.48 +/- 9.81	71.48 +/- 33.85
MCM3	53.69 +/- 7.97	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.39 +/- 2.73
MCM5	51.58 +/- 8.29	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.49	98.24 +/- 5.13
MCM7	52.55 +/- 8.4	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	98.86 +/- 4.28
MECOM	54.64 +/- 7.64	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.29	99.06 +/- 1.62
MEGF8	50.99 +/- 8.26	99.97 +/- 0.11	99.63 +/- 0.61	97.1 +/- 6.17
MEOX1	49.24 +/- 7.74	100.0 +/- 0.0	99.75 +/- 1.58	97.31 +/- 7.18
MESD	52.52 +/- 7.95	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.36	99.1 +/- 2.11
MESP2	53.62 +/- 9.32	100.0 +/- 0.0	99.81 +/- 0.45	97.41 +/- 5.83
MET	55.25 +/- 7.56	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.26	99.43 +/- 1.3
MGP	53.94 +/- 7.73	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.11 +/- 2.21
MID1	42.79 +/- 16.01	99.98 +/- 0.09	94.66 +/- 10.07	70.18 +/- 35.13
MIR140	49.4 +/- 9.98	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.16 +/- 4.32
MIR17HG	54.33 +/- 7.49	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.33	99.12 +/- 1.8
MKKS	55.12 +/- 7.37	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.57 +/- 1.06
MKS1	50.76 +/- 8.19	100.0 +/- 0.0	99.84 +/- 1.1	98.54 +/- 4.1
MMP13	55.16 +/- 8.39	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.66 +/- 1.0
MMP14	49.53 +/- 7.95	99.98 +/- 0.12	98.4 +/- 1.72	93.51 +/- 5.65
MMP2	51.22 +/- 8.19	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	98.32 +/- 4.36
MMP9	48.95 +/- 8.43	100.0 +/- 0.0	99.58 +/- 2.11	96.5 +/- 8.02
MNX1	45.23 +/- 8.83	99.86 +/- 0.72	98.08 +/- 4.45	88.68 +/- 16.75
MPDU1	46.09 +/- 8.79	100.0 +/- 0.0	99.73 +/- 1.27	93.79 +/- 10.9
MSX2	52.0 +/- 7.52	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.96 +/- 2.72
MTAP	54.36 +/- 7.71	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.02	99.45 +/- 1.26
MTX2	55.35 +/- 7.59	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.07	98.57 +/- 3.84
MYCN	51.6 +/- 8.59	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.31	96.18 +/- 6.41
MYH3	52.21 +/- 7.74	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.21	98.27 +/- 3.05
MYO18B	50.48 +/- 8.3	99.99 +/- 0.03	99.68 +/- 0.59	97.58 +/- 5.8
NADSYN1	54.24 +/- 8.35	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.29	99.02 +/- 2.89
NAGLU	53.56 +/- 8.47	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.3	98.55 +/- 4.21
NANS	52.27 +/- 8.77	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.38	98.42 +/- 5.31
NBAS	55.51 +/- 7.41	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.52 +/- 1.16
NEK1	54.4 +/- 7.35	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.14	99.32 +/- 1.62
NEK9	52.85 +/- 7.79	99.98 +/- 0.05	99.95 +/- 0.09	99.05 +/- 1.87
NEU1	51.09 +/- 8.34	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.11	98.09 +/- 5.5
NF1	54.62 +/- 7.56	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.24	98.77 +/- 1.81
NFIX	43.07 +/- 7.03	99.91 +/- 0.4	97.06 +/- 3.26	85.11 +/- 12.07
NIN	54.16 +/- 7.54	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.03	99.33 +/- 1.58
NIPBL	54.63 +/- 6.99	100.0 +/- 0.03	99.82 +/- 0.35	98.43 +/- 1.48
NKX3-2	52.71 +/- 8.16	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.08 +/- 3.06
NLRP3	53.25 +/- 8.44	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.4	98.69 +/- 5.25
NMNAT1	52.26 +/- 8.65	100.0 +/- 0.0	99.89 +/- 0.73	98.65 +/- 4.56
NOG	51.42 +/- 8.4	99.99 +/- 0.03	99.59 +/- 1.57	96.49 +/- 8.01
NOTCH1	56.37 +/- 8.98	100.0 +/- 0.0	99.89 +/- 0.3	98.31 +/- 4.08
NOTCH2	53.16 +/- 7.9	100.0 +/- 0.0	99.88 +/- 0.23	98.25 +/- 2.58
NOTUM	44.8 +/- 7.63	99.99 +/- 0.06	99.1 +/- 2.59	90.81 +/- 14.04

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 15x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>NPHP3</i>	55.11 +/- 7.4	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.33 +/- 1.56
<i>NPPC</i>	53.07 +/- 7.78	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.09	98.71 +/- 4.41
<i>NPR2</i>	48.96 +/- 7.76	99.86 +/- 0.95	98.59 +/- 3.23	92.8 +/- 7.75
<i>NPR3</i>	54.05 +/- 7.38	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.08	99.36 +/- 1.62
<i>NRAS</i>	55.99 +/- 7.51	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.65 +/- 0.83
<i>NSD1</i>	52.17 +/- 8.07	100.0 +/- 0.0	99.78 +/- 0.59	98.12 +/- 3.26
<i>NSDHL</i>	43.21 +/- 16.51	99.85 +/- 0.66	94.42 +/- 10.41	70.96 +/- 35.22
<i>NSMCE2</i>	54.57 +/- 8.39	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.39	98.94 +/- 2.9
<i>NXN</i>	52.98 +/- 7.77	100.0 +/- 0.0	99.61 +/- 1.78	96.81 +/- 6.5
<i>OBSL1</i>	52.21 +/- 8.76	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.57	97.56 +/- 7.48
<i>OFD1</i>	42.18 +/- 15.83	99.93 +/- 0.36	93.98 +/- 9.99	68.58 +/- 36.59
<i>ORC1</i>	53.6 +/- 7.96	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.49 +/- 1.9
<i>ORC4</i>	54.8 +/- 7.74	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.19	99.03 +/- 1.62
<i>ORC6</i>	55.41 +/- 8.38	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.27 +/- 2.38
<i>OSTM1</i>	55.2 +/- 7.43	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.13	99.2 +/- 2.04
<i>OTX2</i>	52.15 +/- 8.58	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.91 +/- 2.84
<i>P3H1</i>	52.36 +/- 8.45	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.15	98.37 +/- 6.06
<i>P4HA2</i>	54.65 +/- 7.75	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.23 +/- 2.09
<i>P4HB</i>	52.83 +/- 8.58	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.38 +/- 6.59
<i>PAM16</i>	52.48 +/- 9.38	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.48 +/- 4.0
<i>PAN2</i>	53.2 +/- 8.16	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.05 +/- 2.83
<i>PAPSS2</i>	54.39 +/- 7.37	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.07	99.19 +/- 2.06
<i>PAX3</i>	53.44 +/- 7.57	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.16	98.96 +/- 2.35
<i>PCNT</i>	55.98 +/- 8.01	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.16	99.27 +/- 2.67
<i>PCSK5</i>	53.51 +/- 7.7	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.09	98.96 +/- 2.57
<i>PCYT1A</i>	53.31 +/- 8.04	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.1	99.23 +/- 2.6
<i>PDE3A</i>	54.02 +/- 7.41	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.37	98.87 +/- 2.53
<i>PDE4D</i>	54.51 +/- 7.74	99.98 +/- 0.15	99.84 +/- 0.82	98.77 +/- 1.99
<i>PDGFRB</i>	50.87 +/- 8.52	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.48	97.79 +/- 5.86
<i>PEX5</i>	51.67 +/- 7.99	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.44	98.66 +/- 4.0
<i>PEX7</i>	56.22 +/- 7.44	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.46 +/- 1.84
<i>PGAP3</i>	50.71 +/- 8.17	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.33	98.17 +/- 6.7
<i>PGM3</i>	54.72 +/- 7.6	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.12	99.51 +/- 0.98
<i>PHEX</i>	42.23 +/- 15.53	99.9 +/- 0.34	94.16 +/- 10.44	68.85 +/- 35.68
<i>PHF6</i>	44.03 +/- 16.05	99.98 +/- 0.08	95.48 +/- 8.69	72.36 +/- 32.74
<i>PHGDH</i>	52.27 +/- 8.44	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.5 +/- 6.02
<i>PIGQ</i>	53.19 +/- 9.42	100.0 +/- 0.0	99.84 +/- 0.8	97.21 +/- 7.05
<i>PIGT</i>	50.65 +/- 8.58	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.27	97.76 +/- 5.86
<i>PIGV</i>	53.84 +/- 7.7	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.29	99.36 +/- 2.0
<i>PIK3C2A</i>	55.51 +/- 7.46	99.99 +/- 0.03	99.99 +/- 0.03	99.46 +/- 1.05
<i>PIK3CA</i>	53.66 +/- 7.15	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.21	98.82 +/- 1.69
<i>PIK3R1</i>	52.65 +/- 7.75	99.97 +/- 0.1	99.48 +/- 0.65	97.31 +/- 2.35
<i>PIN1</i>	49.78 +/- 9.23	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.63	96.99 +/- 9.5
<i>PIR</i>	44.07 +/- 16.53	99.94 +/- 0.31	94.42 +/- 11.23	71.29 +/- 34.72
<i>PISD</i>	55.09 +/- 8.55	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.07	99.27 +/- 3.38
<i>PITX1</i>	51.13 +/- 9.29	99.98 +/- 0.1	99.5 +/- 1.37	94.38 +/- 9.27
<i>PKDCC</i>	44.86 +/- 7.93	99.6 +/- 1.85	96.33 +/- 6.38	85.75 +/- 12.77

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 15x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>PLAG1</i>	56.16 +/- 8.71	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.03	99.4 +/- 1.26
<i>PLCB3</i>	50.83 +/- 8.62	100.0 +/- 0.01	99.75 +/- 0.81	96.44 +/- 6.67
<i>PLCB4</i>	55.46 +/- 7.52	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.3	99.72 +/- 0.84
<i>PLEKHM1</i>	52.96 +/- 8.01	100.0 +/- 0.03	99.85 +/- 0.33	97.94 +/- 4.21
<i>PLK4</i>	55.66 +/- 7.66	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.56 +/- 0.99
<i>PLOD1</i>	46.68 +/- 8.0	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.13	95.59 +/- 8.98
<i>PLOD2</i>	53.89 +/- 7.19	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.18	98.68 +/- 2.42
<i>PLS3</i>	43.29 +/- 16.17	99.97 +/- 0.14	94.79 +/- 10.07	70.33 +/- 35.11
<i>POC1A</i>	53.79 +/- 8.86	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	98.95 +/- 4.26
<i>POLE</i>	52.94 +/- 8.39	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.27	98.51 +/- 5.65
<i>POLR1A</i>	53.61 +/- 8.02	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.16	99.16 +/- 2.65
<i>POLR1B</i>	55.37 +/- 7.83	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.04	99.42 +/- 1.28
<i>POLR1C</i>	52.06 +/- 8.08	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.44 +/- 2.51
<i>POLR1D</i>	51.83 +/- 8.47	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.34 +/- 5.63
<i>POLR3A</i>	54.13 +/- 7.99	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.19	99.29 +/- 2.62
<i>POLR3B</i>	54.38 +/- 7.41	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.09	99.52 +/- 1.92
<i>POLR3GL</i>	53.08 +/- 8.61	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.66 +/- 1.02
<i>POP1</i>	53.52 +/- 7.6	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.23 +/- 1.82
<i>POR</i>	55.16 +/- 8.86	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.49	99.15 +/- 2.89
<i>PORCN³</i>	38.12 +/- 15.18	99.86 +/- 0.53	87.69 +/- 18.17	61.91 +/- 41.01
<i>POU1F1</i>	55.33 +/- 7.88	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.03	99.19 +/- 2.4
<i>PIIB</i>	50.03 +/- 8.82	100.0 +/- 0.0	99.82 +/- 0.89	97.29 +/- 8.01
<i>PPP3CA</i>	54.53 +/- 7.45	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.32	98.17 +/- 3.89
<i>PRG4</i>	47.38 +/- 6.88	99.85 +/- 0.53	96.04 +/- 4.03	85.82 +/- 6.42
<i>PRIMPOL</i>	54.89 +/- 7.34	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.44 +/- 2.0
<i>PRKACA</i>	45.76 +/- 7.63	100.0 +/- 0.03	98.79 +/- 2.43	92.23 +/- 10.15
<i>PRKACB</i>	56.09 +/- 6.93	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.83 +/- 0.47
<i>PRKAR1A</i>	54.91 +/- 7.09	100.0 +/- 0.0	99.88 +/- 0.57	99.47 +/- 1.56
<i>PRKG2</i>	53.81 +/- 7.32	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.03	99.26 +/- 2.62
<i>PRMT7</i>	54.41 +/- 7.96	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	98.92 +/- 3.91
<i>PRRX1</i>	54.41 +/- 7.9	99.98 +/- 0.05	99.78 +/- 0.75	98.8 +/- 3.52
<i>PSAT1</i>	55.68 +/- 8.19	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	99.44 +/- 1.36
<i>PSPH</i>	54.07 +/- 8.17	100.0 +/- 0.01	99.96 +/- 0.18	99.11 +/- 3.81
<i>PTDSS1</i>	53.37 +/- 8.36	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.02	98.92 +/- 3.06
<i>PTH1R</i>	50.28 +/- 8.74	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.58	97.38 +/- 9.54
<i>PTHLH</i>	51.8 +/- 7.14	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.84 +/- 3.23
<i>PTPN11</i>	55.1 +/- 7.94	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.18	99.28 +/- 1.99
<i>PUF60</i>	48.41 +/- 8.66	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.43	96.0 +/- 6.95
<i>PYCR1</i>	53.28 +/- 9.31	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.32	98.62 +/- 3.25
<i>RAB23</i>	55.86 +/- 7.44	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.09	99.5 +/- 1.55
<i>RAB33B</i>	54.76 +/- 7.45	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.18 +/- 1.51
<i>RAB34</i>	50.4 +/- 8.29	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.33	97.99 +/- 6.2
<i>RAB3GAP2</i>	55.12 +/- 6.99	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.03	99.4 +/- 1.17
<i>RAC3</i>	44.13 +/- 8.4	99.81 +/- 1.25	97.43 +/- 4.14	85.22 +/- 14.15
<i>RAD21</i>	54.67 +/- 7.16	100.0 +/- 0.01	99.66 +/- 0.66	97.88 +/- 1.66
<i>RARG</i>	49.6 +/- 8.6	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.14	97.29 +/- 7.9

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 15x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>RASGRP2</i>	48.74 +/- 7.78	100.0 +/- 0.0	99.82 +/- 0.81	96.14 +/- 9.08
<i>RBBP8</i>	54.25 +/- 7.39	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.14	99.0 +/- 2.1
<i>RBM10</i>	40.12 +/- 15.92	99.82 +/- 0.97	89.03 +/- 17.37	64.5 +/- 39.49
<i>RBM8A</i>	49.63 +/- 7.3	99.84 +/- 0.73	97.63 +/- 3.07	91.52 +/- 4.42
<i>RBPI</i>	56.42 +/- 7.96	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.09	99.46 +/- 1.16
<i>RECQL4</i>	54.49 +/- 8.88	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.38	98.31 +/- 5.6
<i>RFLNA</i>	50.96 +/- 8.64	99.98 +/- 0.13	99.15 +/- 3.59	94.9 +/- 9.09
<i>RFT1</i>	52.22 +/- 8.12	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	98.85 +/- 3.38
<i>RIGI</i>	54.98 +/- 7.82	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.63 +/- 0.93
<i>RIN1</i>	52.4 +/- 8.82	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.61	98.05 +/- 7.56
<i>RINT1</i>	55.35 +/- 7.3	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.5 +/- 1.54
<i>RIPPLY2</i>	52.73 +/- 8.41	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.61 +/- 5.01
<i>RMP64</i>	54.75 +/- 7.96	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.47 +/- 1.3
<i>RMRP</i>	60.13 +/- 10.42	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.53 +/- 2.4
<i>RNU12</i>	52.3 +/- 9.97	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.19
<i>RNU4ATAC</i>	58.08 +/- 10.68	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.88 +/- 0.8
<i>ROR2</i>	53.88 +/- 7.85	99.97 +/- 0.05	99.93 +/- 0.19	98.7 +/- 4.19
<i>RPGRIP1L</i>	54.65 +/- 7.42	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.66 +/- 0.88
<i>RPL13</i>	52.89 +/- 8.14	100.0 +/- 0.02	99.99 +/- 0.04	98.66 +/- 6.0
<i>RSPO2</i>	56.71 +/- 7.53	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.63 +/- 1.61
<i>RSPRY1</i>	54.9 +/- 8.09	100.0 +/- 0.01	99.98 +/- 0.08	99.42 +/- 1.43
<i>RUNX2</i>	53.0 +/- 7.99	100.0 +/- 0.0	99.88 +/- 0.64	98.0 +/- 3.84
<i>SALL1</i>	52.18 +/- 8.0	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.29	98.14 +/- 4.76
<i>SALL4</i>	53.1 +/- 8.04	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.33	98.85 +/- 3.95
<i>SATB2</i>	52.5 +/- 7.69	100.0 +/- 0.0	99.77 +/- 0.51	97.07 +/- 3.25
<i>SBDS</i>	53.48 +/- 7.44	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.52 +/- 1.86
<i>SCARF2</i>	49.54 +/- 9.37	100.0 +/- 0.0	99.47 +/- 1.94	92.95 +/- 12.72
<i>SCO2</i>	51.71 +/- 8.16	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.07	98.51 +/- 4.1
<i>SCUBE3</i>	52.11 +/- 7.93	99.98 +/- 0.04	99.81 +/- 0.81	98.11 +/- 5.14
<i>SEC23A</i>	55.51 +/- 7.08	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.39	98.94 +/- 2.23
<i>SEC24D</i>	54.36 +/- 7.66	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.55 +/- 1.52
<i>SEM1</i>	51.32 +/- 7.56	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.28 +/- 2.72
<i>SEMA3A</i>	55.81 +/- 7.8	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.09	99.48 +/- 1.43
<i>SERPINF1</i>	50.57 +/- 7.74	100.0 +/- 0.0	99.77 +/- 1.43	98.16 +/- 6.61
<i>SERPINH1</i>	54.11 +/- 8.51	100.0 +/- 0.0	99.89 +/- 0.66	98.21 +/- 6.19
<i>SETD2</i>	53.65 +/- 7.92	99.93 +/- 0.05	99.88 +/- 0.11	98.81 +/- 2.43
<i>SF3B4</i>	51.9 +/- 7.92	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.98 +/- 4.53
<i>SFRP4</i>	55.27 +/- 8.15	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.15	99.42 +/- 1.38
<i>SGK3</i>	55.88 +/- 7.79	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	99.59 +/- 0.83
<i>SGMS2</i>	55.03 +/- 7.45	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.19	99.1 +/- 1.73
<i>SGSH</i>	52.42 +/- 8.24	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.21	98.45 +/- 4.85
<i>SGSM2</i>	52.4 +/- 8.63	100.0 +/- 0.0	99.56 +/- 1.48	97.0 +/- 6.52
<i>SH3BP2</i>	51.79 +/- 8.22	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.24	98.31 +/- 4.4
<i>SH3PXD2B</i>	52.06 +/- 8.43	100.0 +/- 0.0	99.75 +/- 0.82	97.66 +/- 4.93
<i>SHH</i>	52.28 +/- 7.51	100.0 +/- 0.01	99.87 +/- 0.67	97.84 +/- 4.67
<i>SHOX2</i>	48.04 +/- 7.12	93.36 +/- 2.12	89.11 +/- 1.07	86.51 +/- 5.23

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 15x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>SIK3</i>	51.18 +/- 7.74	100.0 +/- 0.0	99.74 +/- 0.9	97.17 +/- 5.02
<i>SIX1</i>	52.44 +/- 7.62	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.31	98.61 +/- 4.0
<i>SIX2</i>	51.34 +/- 8.32	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.69	97.44 +/- 6.96
<i>SKI</i>	47.31 +/- 7.72	98.55 +/- 1.61	94.04 +/- 3.26	86.29 +/- 7.47
<i>SLC10A7</i>	55.14 +/- 7.67	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.65 +/- 1.18
<i>SLC13A1</i>	56.08 +/- 7.11	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.02	99.73 +/- 0.84
<i>SLC17A5</i>	54.45 +/- 7.94	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.41	98.91 +/- 1.97
<i>SLC25A12</i>	55.16 +/- 7.92	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.43 +/- 1.28
<i>SLC25A24</i>	54.12 +/- 7.15	99.99 +/- 0.04	99.88 +/- 0.45	98.86 +/- 2.12
<i>SLC26A2</i>	55.02 +/- 7.73	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.55 +/- 1.43
<i>SLC29A3</i>	51.68 +/- 8.97	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.3	98.33 +/- 3.82
<i>SLC34A1</i>	50.05 +/- 9.04	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.29	97.59 +/- 6.37
<i>SLC34A3</i>	48.19 +/- 8.4	100.0 +/- 0.0	99.69 +/- 0.89	95.3 +/- 8.21
<i>SLC35A2</i>	40.93 +/- 16.01	99.86 +/- 0.82	92.55 +/- 13.29	66.68 +/- 40.05
<i>SLC35B2</i>	52.29 +/- 8.43	100.0 +/- 0.0	99.83 +/- 0.81	98.37 +/- 5.02
<i>SLC35C1</i>	50.94 +/- 8.52	99.98 +/- 0.16	99.51 +/- 1.12	95.7 +/- 8.39
<i>SLC35D1</i>	54.24 +/- 8.12	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	99.11 +/- 3.06
<i>SLC39A13</i>	51.88 +/- 8.66	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.24	98.07 +/- 4.65
<i>SLC39A5</i>	50.71 +/- 8.15	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.49	98.14 +/- 3.39
<i>SLC4A2</i>	51.46 +/- 8.64	100.0 +/- 0.0	99.78 +/- 0.83	96.58 +/- 6.7
<i>SLCO2A1</i>	50.43 +/- 8.18	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.21	98.1 +/- 5.5
<i>SLCO5A1</i>	54.64 +/- 7.75	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.15	99.13 +/- 2.29
<i>SMAD2</i>	54.45 +/- 7.27	100.0 +/- 0.02	99.91 +/- 0.22	98.98 +/- 1.59
<i>SMAD3</i>	51.59 +/- 8.16	100.0 +/- 0.0	99.62 +/- 0.93	96.5 +/- 4.34
<i>SMAD4</i>	54.53 +/- 7.61	99.99 +/- 0.03	99.8 +/- 0.66	98.74 +/- 2.31
<i>SMAD6</i>	51.73 +/- 8.54	100.0 +/- 0.0	99.79 +/- 0.88	96.29 +/- 8.82
<i>SMARCA2</i>	54.21 +/- 8.21	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.2	99.15 +/- 2.54
<i>SMARCA4</i>	53.27 +/- 8.22	99.98 +/- 0.11	99.77 +/- 0.87	97.8 +/- 6.05
<i>SMARCAL1</i>	52.78 +/- 7.67	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.21	98.85 +/- 3.15
<i>SMARCB1</i>	52.13 +/- 9.19	99.99 +/- 0.07	99.58 +/- 0.74	97.54 +/- 4.35
<i>SMARCE1</i>	55.14 +/- 7.79	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.5 +/- 1.36
<i>SMC1A</i>	41.05 +/- 15.95	99.84 +/- 0.83	92.32 +/- 13.46	66.34 +/- 38.2
<i>SMC3</i>	55.91 +/- 7.51	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.72 +/- 0.77
<i>SMCHD1</i>	55.37 +/- 7.44	99.92 +/- 0.04	99.87 +/- 0.21	99.16 +/- 1.74
<i>SMO</i>	49.62 +/- 7.86	100.0 +/- 0.0	99.66 +/- 1.61	97.11 +/- 7.12
<i>SMOC1</i>	50.98 +/- 8.5	100.0 +/- 0.0	99.83 +/- 0.78	97.5 +/- 6.52
<i>SMOC2</i>	53.0 +/- 7.96	99.99 +/- 0.06	99.86 +/- 0.75	98.96 +/- 3.47
<i>SMS</i>	41.86 +/- 15.47	99.86 +/- 0.7	93.02 +/- 11.71	68.56 +/- 36.03
<i>SNAPC5</i>	51.31 +/- 8.47	99.87 +/- 0.11	99.75 +/- 0.26	98.54 +/- 3.42
<i>SNRPB</i>	52.37 +/- 7.75	100.0 +/- 0.0	99.8 +/- 1.31	97.81 +/- 4.22
<i>SNX10</i>	55.55 +/- 7.88	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.3	98.88 +/- 2.33
<i>SON</i>	54.11 +/- 8.02	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.15	99.27 +/- 2.21
<i>SOST</i>	52.75 +/- 7.85	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.25	98.49 +/- 4.74
<i>SOX11</i>	50.59 +/- 7.32	99.98 +/- 0.04	99.47 +/- 1.41	94.82 +/- 6.56
<i>SOX9</i>	52.23 +/- 7.52	100.0 +/- 0.0	99.84 +/- 0.52	97.72 +/- 4.64
<i>SP7</i>	49.98 +/- 8.58	99.99 +/- 0.07	99.74 +/- 0.82	96.38 +/- 7.11
<i>SPAG17</i>	54.93 +/- 7.67	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.4 +/- 1.27

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 15x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>SPARC</i>	54.07 +/- 7.98	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.07	99.3 +/- 1.78
<i>SPECC1L</i>	54.65 +/- 7.94	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.14	99.35 +/- 2.79
<i>SPP1</i>	52.04 +/- 7.16	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.95 +/- 2.18
<i>SQSTM1</i>	53.33 +/- 8.71	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.74 +/- 3.55
<i>SRCAP</i>	50.57 +/- 8.06	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.31	97.99 +/- 5.68
<i>SRP54</i>	55.95 +/- 8.17	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.66 +/- 1.37
<i>STAT3</i>	51.79 +/- 8.07	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.21	98.59 +/- 4.03
<i>SUCO</i>	54.86 +/- 7.36	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.46 +/- 1.14
<i>SULF1</i>	55.45 +/- 7.71	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.09	99.62 +/- 1.73
<i>SUMF1</i>	55.13 +/- 8.04	99.96 +/- 0.08	99.83 +/- 0.86	99.09 +/- 3.01
<i>SUZ12</i>	52.62 +/- 7.14	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.2	98.13 +/- 3.01
<i>TAB2</i>	53.46 +/- 7.72	99.91 +/- 0.03	99.7 +/- 0.85	97.77 +/- 2.65
<i>TALDO1</i>	51.31 +/- 9.35	100.0 +/- 0.0	99.73 +/- 0.81	95.51 +/- 7.1
<i>TAPT1</i>	54.5 +/- 7.28	100.0 +/- 0.0	99.88 +/- 0.44	98.78 +/- 2.08
<i>TBC1D24</i>	54.38 +/- 8.59	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.29	98.65 +/- 3.4
<i>TBCE</i>	55.02 +/- 8.35	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.46 +/- 1.54
<i>TBX15</i>	52.3 +/- 8.17	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.48	98.71 +/- 3.89
<i>TBX3</i>	52.11 +/- 7.31	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.13	98.93 +/- 4.06
<i>TBX4</i>	50.4 +/- 7.85	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.12	97.99 +/- 4.68
<i>TBX5</i>	52.02 +/- 7.59	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.21	98.92 +/- 2.83
<i>TBX6</i>	48.44 +/- 8.76	100.0 +/- 0.0	99.4 +/- 1.24	93.62 +/- 10.93
<i>TBXAS1</i>	52.33 +/- 8.34	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.12	98.59 +/- 5.7
<i>TCF12</i>	54.98 +/- 7.72	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.24	99.33 +/- 1.99
<i>TCIRG1</i>	54.49 +/- 9.59	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	98.05 +/- 6.1
<i>TCOF1</i>	52.58 +/- 8.4	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.57 +/- 4.15
<i>TCTN2</i>	52.87 +/- 7.68	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.19	98.81 +/- 2.6
<i>TCTN3</i>	52.45 +/- 8.27	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	98.78 +/- 3.22
<i>TENT5A</i>	54.15 +/- 7.48	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.08	99.33 +/- 1.49
<i>TERT</i>	57.28 +/- 9.3	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.04 +/- 2.76
<i>TFAP2B</i>	53.11 +/- 7.55	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.15	98.83 +/- 3.89
<i>TGDS</i>	53.73 +/- 7.73	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.45 +/- 1.28
<i>TGFB1</i>	45.88 +/- 7.84	99.99 +/- 0.06	98.75 +/- 3.86	92.28 +/- 11.82
<i>TGFB2</i>	52.64 +/- 7.09	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.17	98.75 +/- 2.65
<i>TGFB3</i>	51.27 +/- 8.32	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.05	98.79 +/- 4.24
<i>TGFBR1</i>	54.83 +/- 7.94	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.18	98.85 +/- 1.81
<i>TGFBR2</i>	53.77 +/- 7.56	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.28 +/- 2.33
<i>THOC6</i>	52.03 +/- 8.58	99.97 +/- 0.05	99.9 +/- 0.31	97.35 +/- 7.71
<i>THPO</i>	48.84 +/- 8.4	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.07	97.43 +/- 5.75
<i>THRA</i>	46.22 +/- 8.16	100.0 +/- 0.0	99.52 +/- 1.46	93.29 +/- 10.12
<i>TICRR</i>	51.83 +/- 7.8	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.22	98.52 +/- 3.43
<i>TMCO1</i>	53.45 +/- 7.7	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.55 +/- 1.16
<i>TMEM165</i>	54.73 +/- 7.48	99.98 +/- 0.04	99.96 +/- 0.15	98.24 +/- 3.61
<i>TMEM216</i>	51.73 +/- 9.05	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.86 +/- 2.76
<i>TMEM231</i>	52.27 +/- 8.24	100.0 +/- 0.01	99.59 +/- 0.76	96.3 +/- 4.7
<i>TMEM263</i>	54.65 +/- 7.35	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.35 +/- 1.34
<i>TMEM38B</i>	55.0 +/- 7.68	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.12	99.24 +/- 1.67
<i>TMEM53</i>	53.72 +/- 8.97	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.27	99.1 +/- 3.4

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 15x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>TMEM67</i>	54.94 +/- 7.94	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.08 +/- 1.68
<i>TNFRSF11A</i>	52.94 +/- 7.8	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.2	98.72 +/- 2.89
<i>TNFRSF11B</i>	55.99 +/- 8.37	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.74 +/- 0.92
<i>TNFSF11</i>	54.51 +/- 7.37	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.56 +/- 0.97
<i>TOGARAM1</i>	53.88 +/- 7.7	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.29	99.16 +/- 2.14
<i>TOMM7</i>	52.79 +/- 8.38	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.53 +/- 4.67
<i>TONSL</i>	53.02 +/- 8.84	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.37	98.39 +/- 5.02
<i>TOP2B</i>	55.19 +/- 7.19	100.0 +/- 0.0	99.89 +/- 0.49	98.77 +/- 2.65
<i>TP63</i>	55.97 +/- 7.98	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.66 +/- 1.02
<i>TRAF7</i>	51.77 +/- 8.82	100.0 +/- 0.0	99.82 +/- 0.56	97.11 +/- 5.5
<i>TRAIIP</i>	53.94 +/- 8.71	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.51	99.16 +/- 3.75
<i>TRAPPC2</i>	43.87 +/- 15.89	100.0 +/- 0.01	95.71 +/- 8.03	72.62 +/- 32.63
<i>TREM2</i>	50.41 +/- 9.28	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.36 +/- 8.32
<i>TRHR</i>	52.7 +/- 7.77	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.22	99.14 +/- 2.63
<i>TRIM37</i>	56.1 +/- 7.64	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.21	99.52 +/- 1.68
<i>TRIP11</i>	54.22 +/- 7.13	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.02	99.51 +/- 1.32
<i>TRPS1</i>	53.42 +/- 7.37	99.94 +/- 0.05	99.87 +/- 0.35	98.92 +/- 1.79
<i>TRPV4</i>	49.85 +/- 8.75	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.31	97.87 +/- 5.65
<i>TRPV6</i>	50.64 +/- 8.84	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.15	97.71 +/- 7.6
<i>TSR2</i>	40.65 +/- 15.65	99.84 +/- 0.73	92.37 +/- 13.17	65.67 +/- 39.12
<i>TTC21B</i>	56.5 +/- 7.06	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.12	99.64 +/- 0.8
<i>TTC8</i>	55.08 +/- 7.81	100.0 +/- 0.0	99.87 +/- 0.7	99.14 +/- 2.09
<i>TWIST1</i>	47.56 +/- 7.9	100.0 +/- 0.0	99.15 +/- 2.8	93.83 +/- 10.15
<i>TXNL4A</i>	53.12 +/- 7.71	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.19	98.84 +/- 2.84
<i>TYROBP</i>	44.71 +/- 8.38	100.0 +/- 0.0	99.28 +/- 3.59	95.75 +/- 7.62
<i>UBA2</i>	54.2 +/- 8.14	100.0 +/- 0.0	99.89 +/- 0.66	98.53 +/- 2.91
<i>UFSP2</i>	55.84 +/- 7.71	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.78 +/- 0.59
<i>USP9X</i>	43.06 +/- 15.88	99.85 +/- 0.61	94.23 +/- 9.61	70.39 +/- 34.42
<i>VAC14</i>	52.17 +/- 8.57	100.0 +/- 0.02	99.93 +/- 0.15	97.34 +/- 6.22
<i>VCAN</i>	54.23 +/- 7.5	99.97 +/- 0.05	99.94 +/- 0.05	99.47 +/- 1.4
<i>VDR</i>	49.69 +/- 8.25	99.96 +/- 0.08	99.85 +/- 0.49	97.64 +/- 6.4
<i>VPS26C</i>	53.92 +/- 7.73	100.0 +/- 0.0	99.79 +/- 0.53	98.39 +/- 2.45
<i>VPS33A</i>	53.52 +/- 7.81	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.21 +/- 2.83
<i>VPS35L</i>	53.28 +/- 7.99	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.21	99.09 +/- 2.58
<i>WASHC4</i>	55.9 +/- 7.55	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.28 +/- 1.25
<i>WASHC5</i>	53.52 +/- 7.48	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	99.38 +/- 2.07
<i>WDPCP</i>	55.08 +/- 7.68	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.16	99.43 +/- 1.45
<i>WDR19</i>	55.29 +/- 7.59	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.13	99.6 +/- 1.17
<i>WDR35</i>	56.0 +/- 7.39	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	99.79 +/- 0.88
<i>WIF1</i>	57.51 +/- 7.7	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.68 +/- 0.87
<i>WLS</i>	52.92 +/- 8.14	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.7	99.11 +/- 3.66
<i>WNT1</i>	51.95 +/- 9.14	100.0 +/- 0.0	99.83 +/- 1.09	97.89 +/- 5.84
<i>WNT10B</i>	52.19 +/- 8.64	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.26	98.17 +/- 5.35
<i>WNT3</i>	51.6 +/- 8.02	99.99 +/- 0.04	99.82 +/- 0.43	97.61 +/- 5.03
<i>WNT3A</i>	51.07 +/- 8.59	100.0 +/- 0.0	99.86 +/- 0.76	96.78 +/- 6.77
<i>WNT5A</i>	55.15 +/- 7.6	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.24	98.96 +/- 2.18

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 15x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
WNT6	51.29 +/- 9.33	100.0 +/- 0.0	99.28 +/- 1.83	93.4 +/- 10.56
WNT7A	51.47 +/- 8.44	99.97 +/- 0.1	99.82 +/- 0.64	97.91 +/- 5.08
XRCC4	56.31 +/- 7.21	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.55 +/- 1.17
XYLT1	51.32 +/- 8.06	99.98 +/- 0.09	99.49 +/- 1.2	96.92 +/- 5.6
XYLT2	52.98 +/- 8.02	100.0 +/- 0.0	99.81 +/- 0.73	98.4 +/- 5.72
YY1	51.41 +/- 7.63	100.0 +/- 0.01	99.48 +/- 1.4	96.05 +/- 5.09
ZBTB16	51.15 +/- 8.25	99.99 +/- 0.03	99.91 +/- 0.3	97.69 +/- 6.16
ZIC1	51.0 +/- 7.45	99.88 +/- 0.26	98.7 +/- 0.85	94.9 +/- 3.86
ZIC3	42.58 +/- 16.07	99.76 +/- 0.73	92.74 +/- 11.66	69.4 +/- 35.52
ZMAT2	50.9 +/- 8.84	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.05	97.85 +/- 6.27
ZMPSTE24	55.06 +/- 6.99	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.61 +/- 1.18
ZNF462	52.33 +/- 8.08	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.25	98.79 +/- 2.83
ZNF644	55.38 +/- 7.7	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	99.52 +/- 1.22
ZSWIM6	51.36 +/- 7.39	99.43 +/- 0.48	97.42 +/- 1.64	92.62 +/- 4.02

For supplerende oplysninger vedrørende analysen kan afdelingen kontaktes på mail: mol-dia@rn.dk. Rapport genereret: 01/07-2026