

Analyse af gener relevante ved mistanke om arvelig muskelsygdom (udvidet panel)

Panelbeskrivelse

Navn: Analyse af gener relevante ved mistanke om arvelig muskelsygdom (udvidet panel)

Antal gener: 678

version: 2.1

Ibrugtagningsdato: 2023-06-01

Metodebeskrivelse: Prøveforberedelse og sekventering: Der udføres helgenomsekventering (WGS) med Illumina PCR free library prep (tagmentation) og Illumina sekventering (NovaSeq). Middelsekventeringsdybden for analysen er minimum 30X og minimumsandelen af genomet, der er dækket minimum 15X, er 95 %. Middelsekventeringsdybden og andelen, der i gennemsnit er dækket minimum 15X, for de enkelte gener kan ses i nedenstående tabel.

Dataanalyse: Referencegenom: hg38. Alignment og variantkald foretages med hhv. BWA og GATK. Data analyseres for strukturelle varianter vha. Manta og GATK-gCNV. Der foretages *in silico* filtrering af data til relevante genregioner baseret på nedenstående tabel. Varianter med allelfrekvens mindre end 15% filtreres som udgangspunkt fra. For de anførte gener undersøges der for varianter i de proteinkodende regioner og de nærmeste 10 bp i de tilstødende ikke-proteinkodende regioner, samt varianter i ikke-proteinkodende regioner indberettet som sandsynlig patogene (C4) eller patogene (C5) i ClinVar. Der er undersøgt for short tandem repeat ekspansioner i relevante gener ved brug af Expansion Hunter-softwaren. Metoden er beskrevet i følgende publikationer: PMID: 28887402 og 31134279. Expansion Hunter er et screeningsværktøj, og alle patogene ekspansioner skal bekræftes med anden metode. For generne *SMN1* og *SMN2* er der udelukkende undersøgt for kopitalsændringer ved brug af *SMN Caller* softwaren. Metoden er beskrevet i følgende publikation: PMID: 32066871. *SMN Caller* softwaren er et screeningsværktøj, og alle patogene kopitalsændringer skal bekræftes med anden metode. Varianter klassificeres iht. ACMGs klassifikationsguideline (PMID: 25741868), og hvis tilgængelig og relevant benyttes ClinGens genspecifikke guideline. Varianter af ukendt klinisk betydning (C3) anføres kun i svaret, hvis de vurderes relevante i forhold til sygdomsbilledet. Anlægsbærerstatus for recessiv sygdom rapporteres ikke nødvendigvis. Genomsekventering er en screeningsmetode, og ikke alle varianter kan med sikkerhed identificeres. Den udførte analyse har ikke samme sensitivitet som DNA-microarrayanalyse ift. strukturelle varianter.

Genliste

Gener, hvor middelsekventeringsdybden er < 30X, er markeret med¹. Gener, hvor andelen af de kodede regioner, der dækket minimum 15X, er < 95 % er markeret med². Gener, der derudover vides at være suboptimalt dækket, er markeret med³. Værdier er angivet med +/- standardafvigelse.

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 15x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
AARS1	52.22 +/- 8.24	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.09	98.83 +/- 2.63
AARS2	51.27 +/- 8.69	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.36	98.37 +/- 5.16
ABCC9	55.36 +/- 7.4	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.13	98.98 +/- 1.65
ABHD5	55.97 +/- 7.85	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	99.6 +/- 1.04
ACAD9	53.83 +/- 8.75	99.99 +/- 0.03	99.99 +/- 0.03	98.88 +/- 4.15
ACADM	54.21 +/- 7.42	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.39	99.28 +/- 1.54
ACADS	53.91 +/- 8.89	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	98.89 +/- 3.44
ACADVL	49.39 +/- 7.84	100.0 +/- 0.0	99.73 +/- 0.48	96.66 +/- 5.99
ACTA1	48.02 +/- 8.99	100.0 +/- 0.0	99.7 +/- 1.98	95.34 +/- 9.73
ACTC1	52.43 +/- 7.74	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.14 +/- 2.95
ACTN2	54.14 +/- 7.9	100.0 +/- 0.0	99.86 +/- 0.66	98.63 +/- 2.76
ACTN3	50.74 +/- 8.17	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.26	97.69 +/- 7.55
ACVR1	52.36 +/- 7.36	99.95 +/- 0.31	99.14 +/- 1.99	94.97 +/- 6.16
ADCY6	51.51 +/- 8.55	99.93 +/- 0.32	99.39 +/- 0.99	96.9 +/- 4.77
ADGRG6	54.56 +/- 7.37	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.11	99.43 +/- 1.34
ADPRS	53.85 +/- 9.18	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	98.8 +/- 4.56
ADSS1	51.5 +/- 8.76	100.0 +/- 0.0	99.72 +/- 0.97	96.33 +/- 6.09

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 15x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
AFG3L2	54.26 +/- 7.85	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.25	98.97 +/- 2.49
AGK	54.18 +/- 7.97	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.5 +/- 1.18
AGL	55.5 +/- 7.31	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.4 +/- 1.39
AGRN	52.7 +/- 9.09	100.0 +/- 0.0	99.62 +/- 1.36	96.88 +/- 7.28
AHNAK2	50.29 +/- 7.96	98.27 +/- 3.15	97.0 +/- 3.61	91.89 +/- 5.75
AIFM1	40.89 +/- 15.81	99.86 +/- 0.59	91.64 +/- 13.41	65.89 +/- 38.83
AKAP9	54.78 +/- 7.26	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	99.54 +/- 1.01
ALDH18A1	54.07 +/- 7.8	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.28	99.09 +/- 2.87
ALDH3A2	52.74 +/- 7.61	100.0 +/- 0.02	99.99 +/- 0.03	98.94 +/- 1.83
ALDOA	50.89 +/- 8.45	100.0 +/- 0.0	99.73 +/- 1.05	97.68 +/- 6.91
ALG13	42.18 +/- 15.57	99.92 +/- 0.25	93.61 +/- 9.57	68.82 +/- 34.14
ALG14	53.71 +/- 7.77	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.05	99.37 +/- 1.7
ALG2	55.37 +/- 8.44	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.49 +/- 1.63
ALPK3	52.16 +/- 8.54	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.11	98.25 +/- 3.68
ALS2	54.23 +/- 7.53	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	99.49 +/- 1.44
AMPD1	52.34 +/- 7.72	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.88 +/- 2.14
AMPD2	51.27 +/- 8.22	100.0 +/- 0.0	99.88 +/- 0.59	98.16 +/- 4.33
ANG	52.31 +/- 9.64	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.76 +/- 1.25
ANK2	54.32 +/- 7.66	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.3 +/- 2.01
ANKRD1	51.79 +/- 7.4	99.99 +/- 0.06	99.94 +/- 0.22	97.8 +/- 3.99
ANO10	53.61 +/- 7.6	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	99.2 +/- 3.18
ANOS	54.74 +/- 7.51	99.97 +/- 0.05	99.96 +/- 0.05	99.22 +/- 1.81
ANXA11	53.07 +/- 8.09	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.17	98.77 +/- 2.82
AP4B1	54.44 +/- 8.15	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.4 +/- 2.46
AP4E1	55.73 +/- 7.25	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.69 +/- 0.65
AP4M1	50.12 +/- 8.82	100.0 +/- 0.0	99.87 +/- 0.78	97.77 +/- 7.54
AP4S1	54.2 +/- 7.87	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.09	99.38 +/- 1.18
AP5Z1	54.6 +/- 8.9	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.43	98.57 +/- 4.88
APT-X	53.55 +/- 8.23	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.62 +/- 0.82
AR	40.11 +/- 15.31	99.38 +/- 1.25	89.79 +/- 14.04	64.78 +/- 37.42
ARHGEF10	54.24 +/- 8.13	100.0 +/- 0.02	99.76 +/- 0.61	98.04 +/- 3.28
ARL6IP1	57.22 +/- 8.33	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.64 +/- 0.79
ASAH1	55.58 +/- 7.86	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.73 +/- 0.81
ASCC1	54.31 +/- 7.92	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.18	99.2 +/- 2.21
ASCC3	55.26 +/- 7.35	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.62 +/- 0.97
ATG5	55.72 +/- 8.04	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.31 +/- 2.01
ATL1	54.36 +/- 7.58	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.42 +/- 1.26
ATL3	55.1 +/- 7.5	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.03	99.52 +/- 1.03
ATM	55.4 +/- 7.19	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.03	99.49 +/- 0.98
ATP13A2	51.75 +/- 8.62	100.0 +/- 0.0	99.88 +/- 0.45	97.48 +/- 6.81
ATP1A1	52.97 +/- 7.68	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.25	98.32 +/- 3.65
ATP1A2	51.77 +/- 7.93	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	98.68 +/- 5.18
ATP2A1	49.47 +/- 8.7	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.11	96.84 +/- 7.8
ATP7A	43.33 +/- 15.52	99.96 +/- 0.18	95.79 +/- 8.35	72.22 +/- 33.03
ATXN1	54.83 +/- 7.83	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.14	98.95 +/- 3.57
ATXN10	54.25 +/- 7.49	100.0 +/- 0.0	99.88 +/- 0.45	98.3 +/- 2.98

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 15x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>ATXN2</i>	52.92 +/- 7.5	99.93 +/- 0.05	99.51 +/- 0.81	96.45 +/- 4.75
<i>ATXN3</i>	54.36 +/- 7.44	100.0 +/- 0.01	99.87 +/- 0.3	98.21 +/- 2.29
<i>ATXN7</i>	50.36 +/- 7.01	99.85 +/- 0.18	97.84 +/- 1.94	92.92 +/- 4.38
<i>ATXN8OS</i>	54.36 +/- 7.64	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.23 +/- 2.31
<i>B3GALNT2</i>	54.46 +/- 7.74	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.2	99.41 +/- 1.46
<i>B4GALNT1</i>	49.58 +/- 8.27	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.46	97.44 +/- 7.28
<i>B4GAT1</i>	51.39 +/- 8.44	100.0 +/- 0.0	99.84 +/- 1.09	97.87 +/- 8.35
<i>BAG3</i>	49.59 +/- 8.11	99.95 +/- 0.05	99.68 +/- 1.08	96.74 +/- 7.05
<i>BEAN1</i>	52.97 +/- 8.14	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.32	98.42 +/- 3.17
<i>BET1</i>	55.6 +/- 8.96	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.33 +/- 2.23
<i>BICD2</i>	54.92 +/- 8.11	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.36	98.74 +/- 3.24
<i>BIN1</i>	52.11 +/- 8.65	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.47	98.09 +/- 5.43
<i>BSCL2</i>	52.38 +/- 8.46	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	98.79 +/- 6.57
<i>C19ORF12</i>	53.52 +/- 7.82	99.95 +/- 0.05	99.88 +/- 0.3	98.47 +/- 3.97
<i>C9ORF72</i>	57.1 +/- 7.77	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.19	99.5 +/- 1.54
<i>CACNA1A</i>	49.1 +/- 7.77	99.98 +/- 0.05	99.52 +/- 1.75	95.06 +/- 8.13
<i>CACNA1C</i>	51.85 +/- 7.82	100.0 +/- 0.0	99.82 +/- 0.82	98.29 +/- 3.77
<i>CACNA1G</i>	49.87 +/- 8.16	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.41	96.71 +/- 6.9
<i>CACNA1H</i>	52.09 +/- 9.25	99.93 +/- 0.33	98.6 +/- 2.02	94.0 +/- 6.67
<i>CACNA1S</i>	51.69 +/- 8.47	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.46	98.17 +/- 6.07
<i>CACNB2</i>	54.16 +/- 7.67	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	98.89 +/- 2.61
<i>CACNB4</i>	55.4 +/- 7.13	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.09	99.42 +/- 1.14
<i>CALM1</i>	53.25 +/- 8.22	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.08 +/- 3.01
<i>CALM2</i>	53.59 +/- 8.08	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.86 +/- 2.99
<i>CALM3</i>	45.09 +/- 8.14	100.0 +/- 0.01	99.34 +/- 1.51	92.63 +/- 10.4
<i>CALR3</i>	52.38 +/- 8.6	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.72 +/- 5.23
<i>CAPN1</i>	51.1 +/- 8.17	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.35	98.39 +/- 4.69
<i>CAPN3</i>	50.58 +/- 8.62	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.26	98.07 +/- 4.32
<i>CASQ1</i>	47.2 +/- 8.67	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.44	95.93 +/- 7.34
<i>CASQ2</i>	52.52 +/- 8.45	100.0 +/- 0.02	99.99 +/- 0.03	99.05 +/- 2.64
<i>CAV3</i>	50.31 +/- 8.29	100.0 +/- 0.01	99.75 +/- 1.61	98.3 +/- 6.89
<i>CAVIN1</i>	51.68 +/- 8.89	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.42	97.69 +/- 7.11
<i>CAVIN4</i>	54.02 +/- 8.14	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.12	99.25 +/- 2.67
<i>CCDC78</i>	52.47 +/- 9.05	100.0 +/- 0.0	99.63 +/- 0.85	96.88 +/- 6.03
<i>CCDC88C</i>	52.15 +/- 8.34	100.0 +/- 0.0	99.87 +/- 0.54	98.18 +/- 4.86
<i>CCT5</i>	54.77 +/- 7.56	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.21	99.48 +/- 1.06
<i>CFAP276</i>	51.92 +/- 9.14	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.57 +/- 4.92
<i>CFL2</i>	55.41 +/- 8.05	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.51 +/- 1.38
<i>CHAT</i>	49.78 +/- 7.8	99.99 +/- 0.09	99.78 +/- 0.94	97.18 +/- 7.32
<i>CHCHD10</i>	44.99 +/- 7.99	100.0 +/- 0.0	99.88 +/- 0.44	92.25 +/- 13.13
<i>CHD8</i>	52.96 +/- 7.86	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.11	98.76 +/- 2.52
<i>CHKB</i>	49.98 +/- 8.2	99.98 +/- 0.13	99.96 +/- 0.19	98.52 +/- 3.29
<i>CHMP2B</i>	53.95 +/- 7.34	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.22 +/- 1.94
<i>CHP1</i>	52.34 +/- 8.23	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.12	98.95 +/- 2.77
<i>CHRNA1</i>	51.93 +/- 7.79	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.82 +/- 4.1
<i>CHRNB1</i>	50.57 +/- 8.61	100.0 +/- 0.0	99.74 +/- 1.77	97.81 +/- 7.69
<i>CHRNA1</i>	50.88 +/- 8.87	100.0 +/- 0.0	99.81 +/- 1.14	97.57 +/- 7.93

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 15x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>CHRNE</i>	47.49 +/- 8.16	99.97 +/- 0.13	98.82 +/- 2.85	92.81 +/- 10.4
<i>CHRNA7</i>	51.24 +/- 8.59	99.99 +/- 0.04	99.9 +/- 0.4	98.35 +/- 4.75
<i>CLCN1</i>	50.47 +/- 7.96	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.15	98.21 +/- 4.84
<i>CLN3</i>	49.41 +/- 8.56	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.41	97.49 +/- 6.6
<i>CLTCL1</i>	53.31 +/- 7.98	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.46	98.72 +/- 3.72
<i>CNBP</i>	54.19 +/- 8.18	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.02	99.04 +/- 2.43
<i>CNTN1</i>	55.28 +/- 7.68	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.53 +/- 1.5
<i>CNTNAP1</i>	49.71 +/- 8.15	100.0 +/- 0.0	99.83 +/- 0.52	96.54 +/- 6.12
<i>COA7</i>	53.37 +/- 7.66	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.15 +/- 2.42
<i>COL12A1</i>	55.58 +/- 7.62	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	99.48 +/- 1.53
<i>COL13A1</i>	51.75 +/- 7.95	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.03	98.34 +/- 4.42
<i>COL25A1</i>	56.24 +/- 7.29	99.97 +/- 0.05	99.96 +/- 0.08	99.62 +/- 1.11
<i>COL4A1</i>	53.49 +/- 7.61	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	98.83 +/- 3.9
<i>COL4A2</i>	52.8 +/- 8.01	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.21	98.58 +/- 4.41
<i>COL6A1</i>	56.0 +/- 9.96	99.97 +/- 0.11	99.21 +/- 0.98	96.67 +/- 3.93
<i>COL6A2</i>	54.77 +/- 9.46	100.0 +/- 0.0	99.86 +/- 0.58	98.07 +/- 5.69
<i>COL6A3</i>	53.32 +/- 7.77	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.14	99.23 +/- 2.92
<i>COL9A3</i>	52.14 +/- 8.66	100.0 +/- 0.0	99.84 +/- 0.59	97.26 +/- 5.17
<i>COLQ</i>	52.15 +/- 8.97	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.07	98.2 +/- 5.94
<i>COQ2</i>	55.89 +/- 7.92	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.01 +/- 3.42
<i>COQ4</i>	51.78 +/- 8.16	100.0 +/- 0.0	99.65 +/- 2.12	97.65 +/- 8.57
<i>COQ6</i>	53.85 +/- 8.14	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.22	99.15 +/- 3.1
<i>COQ7</i>	53.66 +/- 7.64	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.09 +/- 3.75
<i>COQ8A</i>	55.02 +/- 9.11	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.28 +/- 2.55
<i>COQ9</i>	51.79 +/- 8.9	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.97 +/- 2.62
<i>COX15</i>	54.03 +/- 7.18	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.61 +/- 0.85
<i>COX20</i>	53.46 +/- 7.67	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.69	99.04 +/- 3.19
<i>COX6A1</i>	54.15 +/- 7.89	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.57 +/- 1.29
<i>COX6A2</i>	46.04 +/- 10.05	99.93 +/- 0.45	97.43 +/- 6.71	89.64 +/- 19.43
<i>CPT1B</i>	51.89 +/- 8.93	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.61	98.16 +/- 7.75
<i>CPT1C</i>	47.62 +/- 8.44	100.0 +/- 0.0	99.76 +/- 1.26	95.56 +/- 11.14
<i>CPT2</i>	52.9 +/- 8.76	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	98.76 +/- 4.32
<i>CRPPA</i>	54.79 +/- 7.38	99.99 +/- 0.03	99.89 +/- 0.48	99.09 +/- 2.38
<i>CRYAB</i>	51.85 +/- 7.61	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.16 +/- 3.52
<i>CSRP3</i>	55.56 +/- 7.24	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.74 +/- 0.84
<i>CTDP1</i>	56.35 +/- 8.46	100.0 +/- 0.03	99.78 +/- 0.7	98.42 +/- 3.29
<i>CTNNA3</i>	55.0 +/- 7.3	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.56 +/- 1.21
<i>CWF19L1</i>	53.45 +/- 8.56	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.97 +/- 3.34
<i>CYP2C8</i>	55.08 +/- 7.81	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.69 +/- 1.28
<i>CYP2U1</i>	53.26 +/- 7.53	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.05	98.78 +/- 3.06
<i>CYP7B1</i>	54.37 +/- 7.69	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.36 +/- 1.84
<i>DAG1</i>	54.41 +/- 8.0	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.27 +/- 2.62
<i>DCAF8</i>	52.2 +/- 7.98	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	98.73 +/- 2.59
<i>DCTN1</i>	51.51 +/- 8.38	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.39	98.03 +/- 6.63
<i>DDHD1</i>	54.01 +/- 7.84	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.24	98.89 +/- 2.15
<i>DDHD2</i>	55.06 +/- 7.7	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.18	99.32 +/- 1.64
<i>DES</i>	49.28 +/- 8.63	100.0 +/- 0.0	99.84 +/- 0.81	97.12 +/- 6.83

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 15x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>DGAT2</i>	51.13 +/- 7.94	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	98.38 +/- 4.66
<i>DGUOK</i>	52.3 +/- 7.53	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.43 +/- 1.77
<i>DHTKD1</i>	53.81 +/- 7.34	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.14	99.1 +/- 1.94
<i>DHX16</i>	51.73 +/- 8.62	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.12	98.5 +/- 6.44
<i>DMD</i>	43.26 +/- 15.85	99.96 +/- 0.14	94.99 +/- 8.6	71.25 +/- 33.8
<i>DMPK</i>	50.81 +/- 8.0	99.82 +/- 0.33	99.2 +/- 1.05	95.44 +/- 5.82
<i>DNA2</i>	54.38 +/- 7.02	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.55 +/- 1.15
<i>DNAJB2</i>	50.92 +/- 8.95	100.0 +/- 0.0	99.84 +/- 0.47	97.58 +/- 3.73
<i>DNAJB4</i>	54.17 +/- 7.46	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.58 +/- 1.24
<i>DNAJB6</i>	56.21 +/- 8.14	99.94 +/- 0.39	99.87 +/- 0.57	99.07 +/- 1.92
<i>DNM2</i>	50.5 +/- 8.3	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.46	98.07 +/- 5.14
<i>DNMT1</i>	54.52 +/- 8.27	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.11	99.37 +/- 1.94
<i>DOK7</i>	53.65 +/- 9.47	100.0 +/- 0.0	99.57 +/- 1.29	96.09 +/- 7.47
<i>DOLK</i>	47.05 +/- 8.6	100.0 +/- 0.0	99.57 +/- 2.64	95.74 +/- 10.02
<i>DPAGT1</i>	51.6 +/- 8.57	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.58	98.28 +/- 6.05
<i>DPM1</i>	55.3 +/- 8.03	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.73 +/- 1.26
<i>DPM2</i>	48.79 +/- 8.39	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.08	97.15 +/- 11.75
<i>DPM3</i>	50.7 +/- 8.09	100.0 +/- 0.0	99.82 +/- 1.21	98.89 +/- 3.95
<i>DSC2</i>	54.17 +/- 7.27	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.31 +/- 1.7
<i>DSG2</i>	55.04 +/- 8.11	100.0 +/- 0.01	99.97 +/- 0.17	99.04 +/- 2.66
<i>DSP</i>	53.11 +/- 7.87	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	98.73 +/- 2.87
<i>DST</i>	54.64 +/- 7.44	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	99.46 +/- 1.27
<i>DTNA</i>	53.93 +/- 7.86	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.42 +/- 1.61
<i>DUX4²</i>	70.3 +/- 30.43	68.63 +/- 12.7	60.39 +/- 15.16	52.4 +/- 15.53
<i>DUX4L1^{1,2}</i>	0.02 +/- 0.06	0.0 +/- 0.0	0.0 +/- 0.0	0.0 +/- 0.0
<i>DYNC1H1</i>	53.26 +/- 7.91	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.18	98.9 +/- 3.38
<i>DYSF</i>	50.73 +/- 8.32	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.08	97.89 +/- 4.52
<i>ECEL1</i>	52.84 +/- 9.31	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.37	97.61 +/- 5.43
<i>EEF2</i>	54.66 +/- 8.94	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	98.71 +/- 6.1
<i>EGR2</i>	51.83 +/- 8.48	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.3	97.17 +/- 7.48
<i>ELOVL4</i>	54.94 +/- 7.66	100.0 +/- 0.0	99.82 +/- 1.01	98.68 +/- 2.86
<i>ELOVL5</i>	55.02 +/- 7.65	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.71 +/- 0.97
<i>ELP1</i>	54.86 +/- 7.69	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.08	99.33 +/- 1.55
<i>EMD</i>	39.58 +/- 15.58	99.34 +/- 2.41	88.72 +/- 16.69	62.52 +/- 39.24
<i>ENO3</i>	52.43 +/- 8.28	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.09	98.58 +/- 3.87
<i>ENTPD1</i>	54.45 +/- 8.02	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.12	99.14 +/- 2.5
<i>EPG5</i>	54.72 +/- 7.78	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.09	99.28 +/- 2.18
<i>ERBB3</i>	50.85 +/- 8.25	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.24	98.1 +/- 5.59
<i>ERBB4</i>	55.4 +/- 7.58	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	99.45 +/- 1.15
<i>ERLIN1</i>	53.02 +/- 7.89	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.34	98.85 +/- 3.13
<i>ERLIN2</i>	52.79 +/- 8.04	99.99 +/- 0.07	99.69 +/- 0.54	97.65 +/- 3.24
<i>ETFA</i>	54.01 +/- 6.71	100.0 +/- 0.03	99.99 +/- 0.04	99.47 +/- 1.15
<i>ETFB</i>	49.53 +/- 9.19	100.0 +/- 0.0	99.88 +/- 0.78	96.98 +/- 8.4
<i>ETFDH</i>	55.85 +/- 7.84	99.95 +/- 0.11	99.79 +/- 0.25	99.09 +/- 1.77
<i>EXOSC3</i>	53.66 +/- 7.52	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.33 +/- 2.05
<i>EXOSC8</i>	55.21 +/- 7.44	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.56 +/- 1.26

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 15x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>EXOSC9</i>	54.6 +/- 7.36	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.61 +/- 1.17
<i>EYA4</i>	54.97 +/- 7.78	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.22	99.34 +/- 1.81
<i>FA2H</i>	49.37 +/- 8.86	100.0 +/- 0.0	99.78 +/- 1.27	97.02 +/- 6.84
<i>FAM111B</i>	54.95 +/- 7.9	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.7 +/- 0.71
<i>FARS2</i>	53.78 +/- 8.03	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.07	98.88 +/- 3.7
<i>FASTKD2</i>	54.34 +/- 7.88	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.06	99.21 +/- 2.06
<i>FAT2</i>	51.88 +/- 8.25	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.21	98.6 +/- 4.45
<i>FBLN5</i>	50.94 +/- 8.28	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.09	97.89 +/- 6.0
<i>FBN2</i>	55.2 +/- 7.49	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.26 +/- 1.87
<i>FBP2</i>	51.75 +/- 8.82	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	98.38 +/- 5.61
<i>FBXL4</i>	55.91 +/- 7.3	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.58 +/- 0.98
<i>FBXO38</i>	54.99 +/- 7.46	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.21 +/- 1.93
<i>FDX2</i>	49.31 +/- 9.21	100.0 +/- 0.0	99.82 +/- 1.15	96.32 +/- 11.6
<i>FGD4</i>	54.37 +/- 7.48	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.02	99.24 +/- 1.7
<i>FGF14</i>	55.05 +/- 7.82	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.43 +/- 1.27
<i>FHL1</i>	42.18 +/- 16.05	99.99 +/- 0.09	93.3 +/- 11.78	68.92 +/- 36.87
<i>FIG4</i>	55.99 +/- 7.29	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.21	99.19 +/- 3.24
<i>FKBP14</i>	55.68 +/- 7.66	100.0 +/- 0.01	99.99 +/- 0.05	99.63 +/- 1.01
<i>FKRP</i>	57.39 +/- 9.1	100.0 +/- 0.0	99.83 +/- 0.47	98.43 +/- 4.01
<i>FKTN</i>	54.54 +/- 7.94	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.4 +/- 1.72
<i>FLAD1</i>	51.18 +/- 8.53	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.48	98.62 +/- 4.98
<i>FLNA</i>	42.44 +/- 16.96	99.82 +/- 0.82	92.1 +/- 15.58	67.31 +/- 37.83
<i>FLNC</i>	52.53 +/- 8.91	100.0 +/- 0.01	99.94 +/- 0.25	97.94 +/- 6.75
<i>FLVCR1</i>	54.95 +/- 7.43	99.83 +/- 0.23	99.66 +/- 0.39	98.6 +/- 2.83
<i>FUS</i>	52.89 +/- 7.84	100.0 +/- 0.0	99.88 +/- 0.8	98.86 +/- 4.09
<i>FXN</i>	53.72 +/- 7.79	99.99 +/- 0.03	99.96 +/- 0.14	99.15 +/- 2.07
<i>FXR1</i>	55.69 +/- 7.37	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	99.52 +/- 0.99
<i>GAA</i>	51.67 +/- 8.38	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.27	98.28 +/- 5.14
<i>GAN</i>	54.66 +/- 7.53	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.36 +/- 1.66
<i>GARS1</i>	55.26 +/- 7.62	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.26 +/- 1.64
<i>GATAD1</i>	55.32 +/- 7.66	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	99.26 +/- 2.49
<i>GATM</i>	54.64 +/- 8.23	100.0 +/- 0.0	99.87 +/- 0.79	98.83 +/- 2.67
<i>GBA2</i>	50.09 +/- 8.82	100.0 +/- 0.0	99.77 +/- 1.07	96.91 +/- 7.5
<i>GBE1</i>	55.41 +/- 7.39	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.5 +/- 1.34
<i>GBF1</i>	51.55 +/- 8.22	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	98.23 +/- 4.97
<i>GDAP1</i>	55.33 +/- 7.92	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.52 +/- 1.58
<i>GDAP2</i>	55.34 +/- 7.62	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.12	99.54 +/- 1.27
<i>GFER</i>	50.38 +/- 8.93	100.0 +/- 0.02	99.66 +/- 0.66	95.48 +/- 8.08
<i>GFPT1</i>	55.31 +/- 7.17	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.05	99.52 +/- 1.12
<i>GGPS1</i>	53.42 +/- 7.76	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	99.03 +/- 2.33
<i>GIPC1</i>	49.48 +/- 8.62	99.99 +/- 0.04	99.95 +/- 0.13	96.49 +/- 8.04
<i>GJA5</i>	53.59 +/- 8.52	99.94 +/- 0.16	99.74 +/- 0.53	98.85 +/- 2.67
<i>GJB1</i>	38.69 +/- 14.76	99.93 +/- 0.41	88.54 +/- 19.21	64.23 +/- 40.09
<i>GJB3</i>	49.5 +/- 8.44	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.45	96.54 +/- 9.34
<i>GJC2</i>	51.68 +/- 10.29	100.0 +/- 0.0	99.85 +/- 0.35	95.11 +/- 7.27
<i>GLDN</i>	53.27 +/- 7.84	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.05 +/- 2.6

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 15x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>GLE1</i>	53.1 +/- 8.36	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.23 +/- 2.0
<i>GMPPB</i>	51.47 +/- 8.43	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.69	98.18 +/- 6.13
<i>GNB4</i>	54.34 +/- 7.24	99.96 +/- 0.05	99.93 +/- 0.16	99.14 +/- 1.48
<i>GNE</i>	54.83 +/- 7.68	99.98 +/- 0.04	99.98 +/- 0.04	99.4 +/- 1.23
<i>GOLGA2</i>	51.39 +/- 7.9	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.35	98.45 +/- 5.99
<i>GOSR2</i>	53.05 +/- 7.86	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.36	98.96 +/- 4.05
<i>GPD1L</i>	54.31 +/- 7.92	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.5	98.77 +/- 3.19
<i>GRID2</i>	54.07 +/- 7.55	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.24 +/- 2.06
<i>GRM1</i>	54.15 +/- 7.82	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.12	98.9 +/- 3.2
<i>GYG1</i>	55.51 +/- 8.27	99.99 +/- 0.03	99.99 +/- 0.03	99.3 +/- 1.64
<i>GYS1</i>	51.4 +/- 8.53	100.0 +/- 0.0	99.87 +/- 0.6	97.35 +/- 6.73
<i>HACD1</i>	52.57 +/- 7.89	100.0 +/- 0.0	99.89 +/- 0.54	98.24 +/- 3.53
<i>HACE1</i>	55.4 +/- 7.36	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.46	99.24 +/- 2.12
<i>HADHA</i>	53.16 +/- 7.94	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.35	98.23 +/- 5.5
<i>HADHB</i>	55.8 +/- 7.59	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.73 +/- 0.95
<i>HARS1</i>	52.54 +/- 8.15	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.28	98.46 +/- 6.7
<i>HCN4</i>	49.55 +/- 8.05	100.0 +/- 0.0	99.82 +/- 0.92	96.09 +/- 8.54
<i>HEXB</i>	53.14 +/- 7.15	99.99 +/- 0.03	99.99 +/- 0.03	98.56 +/- 3.25
<i>HINT1</i>	54.91 +/- 8.24	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.14 +/- 3.44
<i>HK1</i>	52.77 +/- 8.71	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.39	98.5 +/- 5.51
<i>HNRNPA1</i>	52.5 +/- 7.77	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.34	98.15 +/- 3.08
<i>HNRNPA2B1</i>	54.48 +/- 7.48	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.13	99.51 +/- 1.52
<i>HNRNPDL</i>	52.27 +/- 6.94	99.63 +/- 0.26	99.09 +/- 1.73	96.62 +/- 6.06
<i>HOXD10</i>	50.46 +/- 7.99	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.41	97.56 +/- 5.14
<i>HRAS</i>	49.95 +/- 9.48	99.95 +/- 0.17	99.17 +/- 2.84	94.67 +/- 10.68
<i>HSPB1</i>	47.76 +/- 9.66	100.0 +/- 0.0	99.5 +/- 2.68	94.75 +/- 14.0
<i>HSPB3</i>	51.97 +/- 7.97	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.52 +/- 1.71
<i>HSPB8</i>	49.69 +/- 7.51	99.99 +/- 0.06	99.94 +/- 0.22	97.57 +/- 6.13
<i>HSPD1</i>	54.23 +/- 7.93	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.07	99.05 +/- 3.01
<i>HSPG2</i>	51.6 +/- 8.45	100.0 +/- 0.0	99.77 +/- 0.57	97.6 +/- 6.36
<i>HTRA2</i>	48.77 +/- 8.57	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.1	97.68 +/- 6.23
<i>IBA57</i>	52.76 +/- 7.84	99.99 +/- 0.03	99.96 +/- 0.12	98.77 +/- 3.74
<i>IFRD1</i>	53.53 +/- 7.88	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.43 +/- 1.47
<i>IGHMBP2</i>	53.53 +/- 8.4	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.05	98.58 +/- 4.51
<i>ILK</i>	51.64 +/- 9.11	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.11	98.05 +/- 6.09
<i>INF2</i>	47.8 +/- 8.29	99.14 +/- 0.92	95.63 +/- 3.04	87.46 +/- 8.73
<i>INPP5K</i>	51.63 +/- 8.33	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.9 +/- 3.6
<i>ISCU</i>	54.08 +/- 8.24	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.4 +/- 1.72
<i>ITGA7</i>	48.77 +/- 8.54	99.98 +/- 0.1	99.67 +/- 0.63	96.04 +/- 8.03
<i>ITPR1</i>	54.07 +/- 7.96	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.2	98.72 +/- 2.75
<i>ITPR3</i>	50.95 +/- 8.33	100.0 +/- 0.03	99.9 +/- 0.3	97.58 +/- 5.82
<i>JAG1</i>	54.24 +/- 7.78	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.37	98.84 +/- 2.65
<i>JAG2</i>	54.7 +/- 9.08	100.0 +/- 0.0	98.97 +/- 2.27	95.13 +/- 6.4
<i>JPH2</i>	51.52 +/- 8.0	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.44	98.08 +/- 5.91
<i>JUP</i>	49.95 +/- 8.81	100.0 +/- 0.0	99.87 +/- 0.83	97.71 +/- 6.07
<i>KARS1</i>	53.52 +/- 7.73	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.33	99.16 +/- 1.76
<i>KBTBD13</i>	57.62 +/- 9.14	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.25	99.12 +/- 3.56

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 15x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>KCNA1</i>	52.15 +/- 7.78	100.0 +/- 0.0	99.87 +/- 0.71	98.16 +/- 4.67
<i>KCNA5</i>	52.25 +/- 8.12	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.19	98.07 +/- 5.4
<i>KCNC3</i>	41.3 +/- 7.4	99.74 +/- 0.58	95.06 +/- 4.63	81.55 +/- 13.55
<i>KCND3</i>	51.86 +/- 8.09	100.0 +/- 0.0	99.88 +/- 0.3	98.01 +/- 4.26
<i>KCNE1</i>	53.64 +/- 8.87	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.15 +/- 4.37
<i>KCNE2</i>	54.11 +/- 7.6	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.48 +/- 1.71
<i>KCNE3</i>	49.9 +/- 8.75	99.97 +/- 0.08	99.86 +/- 0.29	96.42 +/- 4.56
<i>KCNH2</i>	47.81 +/- 8.0	99.91 +/- 0.41	98.87 +/- 2.77	92.83 +/- 9.95
<i>KCNJ12</i>	68.31 +/- 11.38	100.0 +/- 0.0	99.71 +/- 1.05	95.91 +/- 6.73
<i>KCNJ18</i>	68.78 +/- 11.18	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.49 +/- 1.39
<i>KCNJ2</i>	54.68 +/- 7.95	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.16	99.36 +/- 1.9
<i>KCNJ5</i>	52.59 +/- 8.61	99.99 +/- 0.04	99.81 +/- 0.34	98.42 +/- 4.17
<i>KCNQ1</i>	51.39 +/- 9.07	100.0 +/- 0.0	99.69 +/- 1.36	96.43 +/- 6.72
<i>KIDINS220</i>	55.9 +/- 7.62	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.41 +/- 1.56
<i>KIF1A</i>	51.48 +/- 8.49	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.19	98.05 +/- 5.34
<i>KIF1B</i>	53.76 +/- 7.89	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.23	98.96 +/- 2.69
<i>KIF1C</i>	51.33 +/- 7.68	99.98 +/- 0.1	99.84 +/- 0.57	97.72 +/- 4.89
<i>KIF21A</i>	54.77 +/- 7.2	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.22	99.36 +/- 1.35
<i>KIF26B</i>	53.29 +/- 7.81	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.37	98.66 +/- 4.52
<i>KIF5A</i>	50.99 +/- 7.72	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.11	98.48 +/- 3.42
<i>KLC2</i>	49.41 +/- 9.06	100.0 +/- 0.0	99.85 +/- 0.51	96.46 +/- 9.17
<i>KLHL40</i>	54.82 +/- 9.71	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.22	98.61 +/- 4.33
<i>KLHL41</i>	54.07 +/- 7.08	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.42 +/- 1.63
<i>KLHL9</i>	54.75 +/- 7.56	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.07	99.32 +/- 1.77
<i>KY</i>	52.19 +/- 7.57	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.24	99.12 +/- 3.01
<i>L1CAM</i>	39.15 +/- 15.32	99.72 +/- 1.05	89.66 +/- 16.26	63.97 +/- 39.82
<i>LAMA2</i>	54.96 +/- 7.47	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.56 +/- 1.56
<i>LAMA4</i>	55.18 +/- 7.59	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.54 +/- 1.58
<i>LAMA5</i>	53.27 +/- 9.05	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.28	97.47 +/- 4.98
<i>LAMB2</i>	53.76 +/- 8.87	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.16	98.94 +/- 4.73
<i>LAMC1</i>	53.02 +/- 7.77	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.33	98.55 +/- 3.1
<i>LAMP2</i>	43.14 +/- 15.76	99.97 +/- 0.17	95.17 +/- 8.15	71.26 +/- 34.03
<i>LARGE1</i>	51.83 +/- 7.71	100.0 +/- 0.0	99.84 +/- 0.6	97.9 +/- 4.14
<i>LAS1L</i>	40.31 +/- 15.47	99.91 +/- 0.39	91.1 +/- 15.36	65.53 +/- 39.9
<i>LDB3</i>	52.07 +/- 7.84	100.0 +/- 0.0	99.79 +/- 0.52	97.7 +/- 3.31
<i>LDHA</i>	55.1 +/- 8.19	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.18	99.35 +/- 1.76
<i>LDHB</i>	53.76 +/- 7.91	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.28 +/- 1.8
<i>LGI4</i>	51.71 +/- 9.0	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.3	98.52 +/- 3.3
<i>LIMS2</i>	45.44 +/- 7.95	99.86 +/- 0.44	94.74 +/- 4.08	85.44 +/- 8.51
<i>LITAF</i>	54.01 +/- 8.07	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.29	99.19 +/- 2.21
<i>LMNA</i>	49.82 +/- 8.35	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.16	97.29 +/- 6.96
<i>LMOD3</i>	52.91 +/- 7.54	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.18	99.11 +/- 1.42
<i>LPIN1</i>	54.47 +/- 8.05	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.09	99.49 +/- 1.2
<i>LRIF1</i>	55.06 +/- 7.97	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.48 +/- 1.34
<i>LRP10</i>	51.93 +/- 8.42	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.61	98.13 +/- 6.33
<i>LRP12</i>	52.92 +/- 7.37	99.99 +/- 0.06	99.71 +/- 1.04	98.25 +/- 3.66
<i>LRP4</i>	51.39 +/- 8.21	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.26	98.26 +/- 4.32

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 15x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>LRSAM1</i>	51.14 +/- 7.89	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.22	97.72 +/- 5.2
<i>MACF1</i>	53.71 +/- 7.79	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.02	99.29 +/- 1.69
<i>MAG</i>	49.42 +/- 8.48	99.99 +/- 0.04	99.64 +/- 0.76	96.19 +/- 5.68
<i>MAP3K20</i>	54.07 +/- 7.62	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.12	99.01 +/- 1.97
<i>MAPT</i>	49.89 +/- 7.94	100.0 +/- 0.01	99.76 +/- 0.54	96.68 +/- 4.96
<i>MARS1</i>	52.63 +/- 8.08	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.09 +/- 3.13
<i>MARS2</i>	55.27 +/- 8.13	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.09	99.17 +/- 3.59
<i>MATR3</i>	54.37 +/- 7.69	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.26 +/- 1.83
<i>MB</i>	50.85 +/- 9.24	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.76 +/- 3.5
<i>MBNL1</i>	55.01 +/- 7.46	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.48 +/- 1.49
<i>MCM3AP</i>	54.32 +/- 8.07	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.12	99.26 +/- 2.56
<i>MCOLN1</i>	51.39 +/- 8.33	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.3	98.12 +/- 7.82
<i>MEG3</i>	49.37 +/- 7.94	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.19	97.16 +/- 6.14
<i>MEGF10</i>	54.87 +/- 7.77	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.09	99.47 +/- 1.3
<i>MET</i>	55.25 +/- 7.56	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.26	99.43 +/- 1.3
<i>MFN2</i>	52.59 +/- 8.41	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.22	98.5 +/- 3.53
<i>MGME1</i>	52.37 +/- 7.81	100.0 +/- 0.0	99.84 +/- 0.56	98.08 +/- 3.02
<i>MIB1</i>	54.44 +/- 7.41	100.0 +/- 0.03	99.89 +/- 0.42	98.92 +/- 2.07
<i>MICU1</i>	53.83 +/- 8.14	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.25	99.17 +/- 2.17
<i>MLIP</i>	53.47 +/- 7.6	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.1	99.36 +/- 2.06
<i>MME</i>	55.27 +/- 7.85	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	99.55 +/- 1.42
<i>MORC2</i>	50.96 +/- 7.72	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.09	98.41 +/- 3.48
<i>MPDU1</i>	46.09 +/- 8.79	100.0 +/- 0.0	99.73 +/- 1.27	93.79 +/- 10.9
<i>MPV17</i>	53.45 +/- 8.56	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.12	98.82 +/- 4.27
<i>MPZ</i>	45.17 +/- 7.93	100.0 +/- 0.0	99.28 +/- 2.83	91.09 +/- 12.79
<i>MRE11</i>	54.65 +/- 7.47	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.47 +/- 1.44
<i>MRPL3</i>	54.68 +/- 7.73	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.51 +/- 1.71
<i>MRPL44</i>	55.94 +/- 6.97	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.59 +/- 1.23
<i>MRPS25</i>	52.39 +/- 7.4	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.33	99.12 +/- 2.3
<i>MSTN</i>	55.33 +/- 7.75	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.53 +/- 1.17
<i>MSTO1</i>	40.98 +/- 6.05	99.91 +/- 0.26	94.8 +/- 5.32	77.79 +/- 12.42
<i>MTM1</i>	42.58 +/- 15.75	99.97 +/- 0.1	93.76 +/- 11.56	70.81 +/- 34.71
<i>MTMR14</i>	50.81 +/- 8.34	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.46	98.46 +/- 5.22
<i>MTMR2</i>	56.06 +/- 7.81	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.67 +/- 0.87
<i>MTO1</i>	54.49 +/- 7.52	99.95 +/- 0.05	99.92 +/- 0.18	99.18 +/- 1.88
<i>MTPAP</i>	54.43 +/- 7.45	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.17	99.03 +/- 2.33
<i>MTRFR</i>	54.41 +/- 8.59	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.12	99.3 +/- 1.67
<i>MTTP</i>	55.42 +/- 7.93	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.12	99.39 +/- 1.55
<i>MUSK</i>	55.26 +/- 6.95	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.42 +/- 1.0
<i>MYBPC1</i>	54.06 +/- 7.8	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.51 +/- 1.38
<i>MYBPC3</i>	52.81 +/- 8.63	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.15	98.43 +/- 4.04
<i>MYF5</i>	53.89 +/- 7.67	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.5 +/- 1.27
<i>MYF6</i>	50.86 +/- 8.14	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.22	98.56 +/- 4.65
<i>MYH14</i>	49.19 +/- 8.02	100.0 +/- 0.0	99.54 +/- 1.14	96.13 +/- 5.99
<i>MYH2</i>	52.78 +/- 7.43	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	98.98 +/- 2.44
<i>MYH3</i>	52.21 +/- 7.74	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.21	98.27 +/- 3.05

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 15x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>MYH6</i>	50.26 +/- 8.21	100.0 +/- 0.0	99.75 +/- 0.71	96.64 +/- 7.29
<i>MYH7</i>	51.0 +/- 8.09	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.14 +/- 5.3
<i>MYH8</i>	53.99 +/- 7.66	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.2 +/- 2.22
<i>MYL1</i>	54.17 +/- 7.46	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.47 +/- 2.1
<i>MYL2</i>	51.82 +/- 8.78	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.48	98.17 +/- 4.62
<i>MYL3</i>	49.83 +/- 8.78	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.09	97.32 +/- 9.92
<i>MYL4</i>	51.33 +/- 9.24	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	98.49 +/- 4.43
<i>MYLK2</i>	49.4 +/- 8.99	100.0 +/- 0.0	99.83 +/- 0.96	97.14 +/- 9.35
<i>MYMK</i>	49.39 +/- 9.43	100.0 +/- 0.0	99.55 +/- 2.83	96.69 +/- 11.97
<i>MYO18B</i>	50.48 +/- 8.3	99.99 +/- 0.03	99.68 +/- 0.59	97.58 +/- 5.8
<i>MYO9A</i>	54.95 +/- 7.4	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.11	99.38 +/- 1.88
<i>MYOD1</i>	53.24 +/- 9.05	100.0 +/- 0.0	99.86 +/- 0.95	98.5 +/- 5.01
<i>MYOT</i>	55.2 +/- 7.54	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.59 +/- 1.52
<i>MYOZ2</i>	54.78 +/- 7.37	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.82 +/- 0.64
<i>MYPN</i>	53.44 +/- 7.82	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	99.42 +/- 2.08
<i>NAGLU</i>	53.56 +/- 8.47	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.3	98.55 +/- 4.21
<i>NDRG1</i>	50.39 +/- 7.62	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.47	97.97 +/- 3.29
<i>NDUFAF1</i>	53.61 +/- 8.71	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.94 +/- 3.36
<i>NEB²</i>	48.11 +/- 6.55	91.21 +/- 1.61	87.6 +/- 0.95	85.59 +/- 1.57
<i>NEFH</i>	52.75 +/- 8.42	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.09	97.88 +/- 5.76
<i>NEFL</i>	53.54 +/- 7.49	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.4	98.91 +/- 2.98
<i>NEK1</i>	54.4 +/- 7.35	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.14	99.32 +/- 1.62
<i>NEK9</i>	52.85 +/- 7.79	99.98 +/- 0.05	99.95 +/- 0.09	99.05 +/- 1.87
<i>NEXN</i>	53.32 +/- 8.04	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.4	99.0 +/- 2.25
<i>NGF</i>	54.96 +/- 8.86	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.07	99.17 +/- 3.72
<i>NHERF1</i>	50.25 +/- 8.27	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.15	97.4 +/- 7.28
<i>NIPA1</i>	54.12 +/- 7.69	99.94 +/- 0.22	99.72 +/- 0.73	98.68 +/- 2.79
<i>NKX6-2</i>	49.95 +/- 8.84	99.72 +/- 0.87	96.98 +/- 4.2	89.96 +/- 9.52
<i>NMNAT2</i>	50.62 +/- 8.07	99.99 +/- 0.03	99.94 +/- 0.23	98.03 +/- 5.23
<i>NOP56</i>	51.09 +/- 8.25	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	98.4 +/- 4.18
<i>NOTCH2NLC²</i>	31.68 +/- 7.55	91.3 +/- 7.36	69.78 +/- 12.28	49.41 +/- 16.51
<i>NPPA</i>	50.03 +/- 8.43	100.0 +/- 0.0	99.82 +/- 0.84	98.18 +/- 9.14
<i>NT5C2</i>	55.17 +/- 8.33	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.08	99.24 +/- 2.4
<i>NTRK1</i>	48.9 +/- 8.23	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.08	97.0 +/- 7.44
<i>NUP155</i>	54.54 +/- 7.41	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.27	98.85 +/- 1.47
<i>NUP88</i>	54.59 +/- 8.06	99.98 +/- 0.04	99.97 +/- 0.05	99.51 +/- 1.66
<i>OBSCN</i>	53.36 +/- 8.77	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.33	98.37 +/- 4.66
<i>OPA1</i>	56.34 +/- 7.32	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.76 +/- 0.6
<i>OPTN</i>	54.88 +/- 7.73	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.52	98.91 +/- 2.51
<i>ORAI1</i>	50.58 +/- 8.47	99.76 +/- 0.3	99.63 +/- 0.95	96.28 +/- 7.88
<i>PABPN1</i>	49.79 +/- 7.36	99.89 +/- 0.07	99.74 +/- 0.83	96.68 +/- 7.41
<i>PAX7</i>	49.81 +/- 7.65	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.43	98.08 +/- 4.73
<i>PCNA</i>	54.95 +/- 8.03	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.37 +/- 2.53
<i>PKD3</i>	44.65 +/- 16.97	99.97 +/- 0.19	95.7 +/- 8.38	70.97 +/- 34.9
<i>PDYN</i>	51.47 +/- 8.85	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.61 +/- 4.33
<i>PEX7</i>	56.22 +/- 7.44	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.46 +/- 1.84

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 15x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>PFKM</i>	52.51 +/- 8.5	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.18	98.81 +/- 4.15
<i>PFN1</i>	48.2 +/- 8.03	100.0 +/- 0.0	99.76 +/- 1.38	96.15 +/- 9.53
<i>PGAM2</i>	51.94 +/- 9.46	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.1	98.19 +/- 5.22
<i>PGK1</i>	43.93 +/- 16.0	99.94 +/- 0.2	96.29 +/- 7.81	72.91 +/- 33.11
<i>PGM1</i>	51.79 +/- 7.83	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.14	98.28 +/- 6.06
<i>PHKA1</i>	42.4 +/- 15.75	99.96 +/- 0.14	93.84 +/- 11.4	70.23 +/- 35.22
<i>PHKB</i>	54.68 +/- 7.31	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.66 +/- 0.7
<i>PHKG1</i>	52.81 +/- 8.75	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.28	98.4 +/- 5.83
<i>PHOX2A</i>	46.62 +/- 8.85	100.0 +/- 0.0	99.82 +/- 0.86	93.34 +/- 14.11
<i>PHYH</i>	55.25 +/- 7.86	99.96 +/- 0.05	99.95 +/- 0.05	99.45 +/- 1.74
<i>PIEZO2</i>	53.46 +/- 7.45	99.98 +/- 0.07	99.77 +/- 0.33	98.57 +/- 2.77
<i>PIP5K1C</i>	53.23 +/- 8.82	100.0 +/- 0.0	99.86 +/- 0.56	98.29 +/- 4.56
<i>PKP2</i>	54.9 +/- 7.37	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	99.04 +/- 3.01
<i>PLD3</i>	50.76 +/- 9.05	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	97.93 +/- 5.83
<i>PLEC</i>	59.47 +/- 10.01	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.27	98.86 +/- 4.31
<i>PLEKHG5</i>	52.66 +/- 9.0	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.25	97.87 +/- 6.59
<i>PLIN4</i>	54.33 +/- 8.98	99.79 +/- 0.82	99.19 +/- 1.63	96.42 +/- 5.23
<i>PLN</i>	54.41 +/- 7.27	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.58 +/- 1.05
<i>PLP1</i>	43.22 +/- 16.2	99.9 +/- 0.54	94.53 +/- 8.67	70.22 +/- 34.85
<i>PMP2</i>	56.22 +/- 8.06	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.03	99.65 +/- 0.91
<i>PMP22</i>	54.34 +/- 9.58	99.99 +/- 0.03	99.74 +/- 1.61	97.34 +/- 13.99
<i>PNKP</i>	51.37 +/- 8.13	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.05 +/- 3.57
<i>PNPLA2</i>	51.63 +/- 9.27	99.9 +/- 0.1	99.69 +/- 1.28	96.55 +/- 8.33
<i>PNPLA6</i>	52.2 +/- 8.63	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.24	97.88 +/- 5.9
<i>PNPLA8</i>	55.49 +/- 7.52	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.56 +/- 0.85
<i>POGLUT1</i>	54.53 +/- 7.55	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.14	99.45 +/- 1.26
<i>POLG</i>	52.88 +/- 8.23	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.37	98.88 +/- 3.87
<i>POLG2</i>	52.33 +/- 7.67	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.1 +/- 2.14
<i>POMGNT1</i>	52.11 +/- 9.18	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.42	98.61 +/- 4.01
<i>POMGNT2</i>	54.16 +/- 8.27	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.49	98.39 +/- 3.97
<i>POMK</i>	53.3 +/- 8.89	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.07	98.67 +/- 5.37
<i>POMT1</i>	53.59 +/- 8.44	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.12	99.07 +/- 3.38
<i>POMT2</i>	49.86 +/- 8.39	99.99 +/- 0.07	99.7 +/- 0.83	96.75 +/- 6.31
<i>POPDC1</i>	55.35 +/- 8.05	99.93 +/- 0.05	99.86 +/- 0.11	98.97 +/- 2.21
<i>POPDC3</i>	53.64 +/- 7.21	99.84 +/- 0.08	99.68 +/- 0.82	98.22 +/- 2.94
<i>PPA2</i>	54.11 +/- 7.07	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.51 +/- 1.51
<i>PPP2R2B</i>	52.78 +/- 7.79	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.03	99.1 +/- 2.44
<i>PRDM12</i>	46.65 +/- 7.81	99.99 +/- 0.07	99.54 +/- 1.29	93.36 +/- 11.25
<i>PRDM16</i>	53.96 +/- 8.27	100.0 +/- 0.0	99.8 +/- 0.5	97.91 +/- 4.55
<i>PREPL</i>	56.41 +/- 7.4	100.0 +/- 0.01	99.99 +/- 0.04	99.67 +/- 0.62
<i>PRKAG2</i>	54.31 +/- 7.74	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.22	98.33 +/- 3.12
<i>PRKCG</i>	45.14 +/- 7.86	100.0 +/- 0.01	99.46 +/- 2.64	93.32 +/- 12.08
<i>PRPH</i>	51.51 +/- 8.46	100.0 +/- 0.0	99.88 +/- 0.53	97.6 +/- 5.59
<i>PRPS1</i>	39.1 +/- 15.28	99.38 +/- 1.99	89.0 +/- 16.91	63.4 +/- 37.45
<i>PRUNE1</i>	52.25 +/- 8.18	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.51	98.74 +/- 4.29
<i>PRX</i>	51.85 +/- 8.8	100.0 +/- 0.0	99.82 +/- 1.19	98.08 +/- 7.42
<i>PSAT1</i>	55.68 +/- 8.19	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	99.44 +/- 1.36

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 15x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>PSEN1</i>	54.65 +/- 8.13	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.13	99.51 +/- 1.56
<i>PSEN2</i>	51.42 +/- 7.81	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.14	98.55 +/- 4.25
<i>PTRH2</i>	54.04 +/- 9.61	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.14 +/- 3.67
<i>PUM1</i>	53.23 +/- 7.59	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	99.06 +/- 1.97
<i>PUS1</i>	53.9 +/- 8.22	100.0 +/- 0.0	99.87 +/- 0.58	97.45 +/- 4.42
<i>PYGM</i>	50.71 +/- 9.1	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.49	98.18 +/- 6.75
<i>PYROXD1</i>	53.61 +/- 7.65	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.08	99.08 +/- 2.39
<i>RAB7A</i>	54.22 +/- 8.22	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.42 +/- 2.04
<i>RAF1</i>	54.46 +/- 7.88	100.0 +/- 0.01	99.97 +/- 0.19	98.64 +/- 4.74
<i>RAPSN</i>	51.01 +/- 7.7	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.67 +/- 3.1
<i>RBCK1</i>	50.24 +/- 8.54	100.0 +/- 0.0	99.88 +/- 0.72	97.53 +/- 6.72
<i>RBM20</i>	51.96 +/- 7.99	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.1	98.38 +/- 4.4
<i>RBM7</i>	54.46 +/- 7.9	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.38 +/- 1.87
<i>REEP1</i>	54.27 +/- 7.85	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.02	99.08 +/- 2.55
<i>REEP2</i>	48.19 +/- 9.49	99.99 +/- 0.07	99.43 +/- 2.03	93.82 +/- 11.93
<i>RETFEG1</i>	54.49 +/- 8.47	100.0 +/- 0.0	99.88 +/- 0.45	98.36 +/- 3.1
<i>RILPL1</i>	52.2 +/- 8.45	100.0 +/- 0.0	99.8 +/- 0.67	97.64 +/- 5.36
<i>RNASEH1</i>	53.89 +/- 8.26	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	99.07 +/- 2.64
<i>RNF216</i>	54.31 +/- 8.06	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.15	99.07 +/- 3.2
<i>RPH3A</i>	50.76 +/- 7.82	100.0 +/- 0.0	99.88 +/- 0.63	98.36 +/- 4.64
<i>RRM2B</i>	55.03 +/- 7.65	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	99.53 +/- 1.04
<i>RTN2</i>	49.43 +/- 8.23	99.98 +/- 0.07	99.73 +/- 0.94	96.16 +/- 7.13
<i>RUBCN</i>	52.53 +/- 7.86	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.33	98.34 +/- 4.35
<i>RXYLT1</i>	55.97 +/- 7.84	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.39	98.8 +/- 2.54
<i>RYR1</i>	49.32 +/- 8.17	100.0 +/- 0.0	99.89 +/- 0.33	96.68 +/- 6.58
<i>RYR2</i>	54.31 +/- 7.57	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.23	98.87 +/- 2.23
<i>RYR3</i>	53.32 +/- 7.53	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.31 +/- 1.9
<i>SACS</i>	54.72 +/- 7.62	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.12	99.5 +/- 1.27
<i>SBF1</i>	52.02 +/- 8.64	99.98 +/- 0.1	99.74 +/- 0.65	96.97 +/- 6.56
<i>SBF2</i>	54.56 +/- 7.48	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.05	99.16 +/- 1.87
<i>SCN11A</i>	53.76 +/- 7.4	100.0 +/- 0.0	99.72 +/- 0.43	98.28 +/- 2.54
<i>SCN1B</i>	45.33 +/- 7.64	99.9 +/- 0.64	98.74 +/- 4.7	90.01 +/- 13.8
<i>SCN2B</i>	51.46 +/- 8.26	100.0 +/- 0.01	99.94 +/- 0.19	98.13 +/- 5.62
<i>SCN3B</i>	51.74 +/- 8.08	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.35	98.66 +/- 3.7
<i>SCN4A</i>	50.5 +/- 8.35	100.0 +/- 0.03	99.82 +/- 0.75	97.23 +/- 6.44
<i>SCN4B</i>	48.74 +/- 8.52	100.0 +/- 0.0	99.81 +/- 1.13	96.08 +/- 8.49
<i>SCN5A</i>	51.21 +/- 8.03	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.17	98.18 +/- 3.72
<i>SCN9A</i>	53.76 +/- 7.52	99.98 +/- 0.04	99.97 +/- 0.05	98.87 +/- 1.69
<i>SCO2</i>	51.71 +/- 8.16	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.07	98.51 +/- 4.1
<i>SCYL1</i>	50.53 +/- 8.89	100.0 +/- 0.0	99.49 +/- 2.22	95.46 +/- 9.31
<i>SDHA</i>	54.85 +/- 7.73	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.2	99.11 +/- 2.34
<i>SELENON</i>	49.37 +/- 8.44	100.0 +/- 0.0	99.52 +/- 1.53	95.23 +/- 9.58
<i>SEPTIN9</i>	48.35 +/- 7.62	99.98 +/- 0.09	98.72 +/- 1.59	93.08 +/- 7.5
<i>SETX</i>	54.66 +/- 7.66	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.11	99.36 +/- 1.53
<i>SGCA</i>	50.87 +/- 8.86	100.0 +/- 0.0	99.84 +/- 0.87	97.37 +/- 10.05
<i>SGCB</i>	56.04 +/- 7.84	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.35	99.14 +/- 1.34
<i>SGCD</i>	53.75 +/- 7.31	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.54 +/- 1.14

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 15x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>SGCE</i>	56.09 +/- 7.64	100.0 +/- 0.0	99.88 +/- 0.62	98.98 +/- 2.42
<i>SGCG</i>	55.97 +/- 7.92	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.58 +/- 1.69
<i>SGPL1</i>	53.7 +/- 7.8	100.0 +/- 0.0	99.86 +/- 0.55	98.4 +/- 3.17
<i>SH3TC2</i>	53.86 +/- 8.08	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.11	99.26 +/- 1.89
<i>SIGMAR1</i>	52.13 +/- 8.92	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	98.76 +/- 3.45
<i>SIL1</i>	51.94 +/- 8.51	100.0 +/- 0.0	99.88 +/- 0.57	98.73 +/- 4.0
<i>SLC12A6</i>	53.29 +/- 7.53	100.0 +/- 0.03	99.99 +/- 0.04	98.86 +/- 2.22
<i>SLC16A1</i>	55.85 +/- 7.17	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.22 +/- 1.72
<i>SLC18A3</i>	57.61 +/- 9.4	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	98.69 +/- 5.44
<i>SLC1A3</i>	54.45 +/- 7.92	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.62 +/- 1.16
<i>SLC22A12</i>	49.79 +/- 8.55	99.93 +/- 0.34	99.43 +/- 1.25	95.28 +/- 7.12
<i>SLC22A5</i>	52.51 +/- 8.16	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.16	98.43 +/- 4.25
<i>SLC25A1</i>	49.76 +/- 9.46	100.0 +/- 0.03	99.4 +/- 2.88	95.92 +/- 8.77
<i>SLC25A20</i>	53.26 +/- 8.15	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.27 +/- 2.76
<i>SLC25A4</i>	52.35 +/- 7.87	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.16	98.33 +/- 4.02
<i>SLC25A42</i>	51.58 +/- 9.08	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.28	97.74 +/- 7.79
<i>SLC25A46</i>	54.42 +/- 7.38	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.07	99.43 +/- 1.22
<i>SLC2A9</i>	53.6 +/- 8.25	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.3	98.9 +/- 4.28
<i>SLC33A1</i>	52.9 +/- 7.75	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.14	98.0 +/- 3.25
<i>SLC52A1</i>	51.85 +/- 8.54	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.21	98.41 +/- 4.5
<i>SLC52A2</i>	53.91 +/- 9.94	99.99 +/- 0.04	99.72 +/- 1.85	97.97 +/- 7.75
<i>SLC52A3</i>	49.53 +/- 7.75	99.99 +/- 0.04	99.94 +/- 0.15	98.21 +/- 4.2
<i>SLC5A7</i>	55.82 +/- 7.66	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.23	99.0 +/- 2.04
<i>SLC9A1</i>	49.05 +/- 8.09	100.0 +/- 0.0	99.86 +/- 0.91	97.27 +/- 8.44
<i>SMCHD1</i>	55.37 +/- 7.44	99.92 +/- 0.04	99.87 +/- 0.21	99.16 +/- 1.74
<i>SMN1^{1,2,3}</i>	10.73 +/- 2.39	39.45 +/- 8.02	19.85 +/- 6.67	9.9 +/- 5.05
<i>SMPD4</i>	51.71 +/- 8.32	100.0 +/- 0.0	99.88 +/- 0.58	98.0 +/- 4.18
<i>SMPX</i>	43.7 +/- 16.17	99.96 +/- 0.28	96.62 +/- 7.51	70.46 +/- 35.37
<i>SNAP25</i>	54.6 +/- 7.87	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.42	99.24 +/- 2.55
<i>SNRPN</i>	55.61 +/- 7.8	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.53 +/- 2.21
<i>SNTA1</i>	47.99 +/- 7.59	100.0 +/- 0.0	99.64 +/- 1.31	95.95 +/- 8.77
<i>SNX14</i>	55.65 +/- 7.31	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.57 +/- 1.12
<i>SOD1</i>	53.85 +/- 8.77	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.97 +/- 4.55
<i>SORD²</i>	32.86 +/- 6.09	86.06 +/- 4.43	67.84 +/- 7.7	50.97 +/- 9.48
<i>SPART</i>	54.81 +/- 7.63	99.99 +/- 0.03	99.91 +/- 0.27	99.09 +/- 1.96
<i>SPAST</i>	53.37 +/- 6.62	100.0 +/- 0.0	99.87 +/- 0.39	98.11 +/- 2.89
<i>SPEG</i>	50.43 +/- 8.78	100.0 +/- 0.0	99.81 +/- 0.86	96.85 +/- 8.55
<i>SPG11</i>	54.86 +/- 7.79	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.05	99.49 +/- 1.56
<i>SPG21</i>	53.43 +/- 7.54	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.45 +/- 2.71
<i>SPG7</i>	52.89 +/- 8.01	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.35	98.32 +/- 3.91
<i>SPTAN1</i>	52.82 +/- 7.92	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.21	98.73 +/- 2.99
<i>SPTBN2</i>	52.19 +/- 8.11	100.0 +/- 0.0	99.87 +/- 0.57	97.91 +/- 4.8
<i>SPTBN4</i>	51.01 +/- 8.1	100.0 +/- 0.0	99.88 +/- 0.45	97.11 +/- 6.92
<i>SPTLC1</i>	55.52 +/- 7.78	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.46 +/- 1.27
<i>SPTLC2</i>	54.75 +/- 7.86	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	99.62 +/- 0.99
<i>SQSTM1</i>	53.33 +/- 8.71	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.74 +/- 3.55

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 15x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>SRPK3</i>	43.08 +/- 16.63	99.94 +/- 0.25	93.06 +/- 14.44	70.51 +/- 36.29
<i>STAC3</i>	48.58 +/- 8.46	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.49	97.0 +/- 8.13
<i>STIM1</i>	49.65 +/- 7.45	99.99 +/- 0.03	99.91 +/- 0.3	97.61 +/- 5.11
<i>STIM2</i>	54.12 +/- 7.45	100.0 +/- 0.01	99.87 +/- 0.67	98.79 +/- 2.73
<i>STUB1</i>	54.37 +/- 8.47	100.0 +/- 0.0	99.45 +/- 2.49	96.38 +/- 6.53
<i>SUCLA2</i>	57.42 +/- 7.89	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.14
<i>SUCLG1</i>	54.64 +/- 7.65	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.36	99.03 +/- 2.68
<i>SURF1</i>	51.24 +/- 8.42	100.0 +/- 0.0	99.78 +/- 1.21	97.56 +/- 4.81
<i>SVIL</i>	53.94 +/- 7.25	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.46 +/- 1.26
<i>SYNE1</i>	54.65 +/- 7.43	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.5 +/- 1.52
<i>SYNE2</i>	54.25 +/- 7.5	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.1	99.32 +/- 1.44
<i>SYT14</i>	55.16 +/- 7.2	99.99 +/- 0.03	99.98 +/- 0.07	99.47 +/- 1.01
<i>SYT15^{1,2}</i>	26.73 +/- 9.32	69.32 +/- 6.94	49.48 +/- 11.28	35.17 +/- 13.0
<i>SYT2</i>	50.49 +/- 8.39	100.0 +/- 0.0	99.88 +/- 0.38	97.28 +/- 6.12
<i>TAFAZZIN</i>	39.63 +/- 15.85	99.51 +/- 2.23	88.68 +/- 18.75	63.59 +/- 41.35
<i>TANGO2</i>	53.93 +/- 8.6	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.97 +/- 3.83
<i>TARDBP</i>	54.55 +/- 7.65	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.44 +/- 1.93
<i>TBK1</i>	55.69 +/- 7.2	99.98 +/- 0.04	99.95 +/- 0.21	99.56 +/- 0.85
<i>TBP</i>	53.72 +/- 7.82	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	99.03 +/- 2.34
<i>TCAP</i>	49.93 +/- 8.98	100.0 +/- 0.0	99.88 +/- 0.82	97.24 +/- 6.84
<i>TDP1</i>	55.15 +/- 7.65	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.24	99.6 +/- 1.76
<i>TDP2</i>	54.25 +/- 7.57	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.12	99.44 +/- 1.86
<i>TECPR2</i>	54.01 +/- 7.69	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	98.98 +/- 3.97
<i>TECRL</i>	57.49 +/- 7.82	99.98 +/- 0.04	99.98 +/- 0.04	99.61 +/- 1.32
<i>TFG</i>	52.99 +/- 7.52	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.44	97.85 +/- 3.81
<i>TGFB3</i>	51.27 +/- 8.32	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.05	98.79 +/- 4.24
<i>TGM6</i>	50.86 +/- 8.01	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	98.66 +/- 4.11
<i>THG1L</i>	53.52 +/- 7.41	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.42 +/- 1.35
<i>TIA1</i>	54.78 +/- 7.33	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.36 +/- 1.25
<i>TIMM22</i>	52.42 +/- 8.66	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	98.96 +/- 4.21
<i>TK2</i>	53.45 +/- 8.51	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.2	98.79 +/- 3.67
<i>TMEM168</i>	55.17 +/- 7.41	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.5 +/- 1.28
<i>TMEM240</i>	43.25 +/- 8.41	99.83 +/- 0.73	97.13 +/- 7.33	84.6 +/- 17.11
<i>TMEM43</i>	53.09 +/- 7.39	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.28	98.86 +/- 4.44
<i>TMEM65</i>	53.26 +/- 7.05	99.99 +/- 0.03	99.8 +/- 0.72	98.04 +/- 2.72
<i>TMPO</i>	55.24 +/- 7.54	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.54	99.12 +/- 3.01
<i>TNNC1</i>	47.47 +/- 9.49	100.0 +/- 0.0	99.86 +/- 0.91	95.73 +/- 13.22
<i>TNNC2</i>	45.98 +/- 7.71	100.0 +/- 0.0	99.87 +/- 0.49	95.86 +/- 7.81
<i>TNNI2</i>	51.53 +/- 10.21	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	97.47 +/- 9.61
<i>TNNI3</i>	47.53 +/- 8.64	100.0 +/- 0.0	99.48 +/- 3.4	95.8 +/- 11.48
<i>TNNT1</i>	47.49 +/- 8.3	100.0 +/- 0.0	99.57 +/- 1.74	93.96 +/- 9.78
<i>TNNT2</i>	48.97 +/- 8.98	100.0 +/- 0.0	99.89 +/- 0.53	97.36 +/- 8.88
<i>TNNT3</i>	55.1 +/- 9.24	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.8 +/- 3.61
<i>TNPO3</i>	54.65 +/- 7.97	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.23	98.69 +/- 3.08
<i>TOP3A</i>	52.87 +/- 8.09	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.12	98.96 +/- 2.87
<i>TOR1A</i>	52.72 +/- 7.51	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.15	97.57 +/- 4.67

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 15x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>TOR1AIP1</i>	53.34 +/- 7.84	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.02	98.68 +/- 3.06
<i>TPM1</i>	52.87 +/- 7.59	100.0 +/- 0.0	99.79 +/- 1.4	98.36 +/- 5.52
<i>TPM2</i>	49.59 +/- 8.19	100.0 +/- 0.0	99.7 +/- 2.0	97.35 +/- 9.01
<i>TPM3</i>	52.36 +/- 7.85	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.31	98.65 +/- 3.94
<i>TPP1</i>	50.74 +/- 8.83	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.62 +/- 3.99
<i>TRAPPC11</i>	55.17 +/- 7.68	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.1	99.21 +/- 1.5
<i>TRDN</i>	55.85 +/- 7.38	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.67 +/- 0.73
<i>TRIM2</i>	55.04 +/- 7.54	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.37 +/- 1.59
<i>TRIM32</i>	55.0 +/- 8.0	100.0 +/- 0.0	99.83 +/- 0.45	98.45 +/- 2.54
<i>TRIM54</i>	53.55 +/- 9.51	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	98.79 +/- 4.83
<i>TRIM63</i>	51.0 +/- 9.3	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.6	98.31 +/- 3.63
<i>TRIP4</i>	54.79 +/- 7.48	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.17	99.19 +/- 2.22
<i>TRPC3</i>	54.52 +/- 7.33	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	99.09 +/- 1.42
<i>TRPV4</i>	49.85 +/- 8.75	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.31	97.87 +/- 5.65
<i>TSEN54</i>	49.17 +/- 8.28	100.0 +/- 0.0	99.78 +/- 1.19	97.5 +/- 6.82
<i>TSFM</i>	54.37 +/- 8.59	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.25 +/- 1.86
<i>TTBK2</i>	54.59 +/- 7.39	99.99 +/- 0.06	99.94 +/- 0.25	99.17 +/- 1.87
<i>TTC19</i>	53.28 +/- 7.76	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.16	98.06 +/- 5.06
<i>TTN</i>	54.55 +/- 7.64	99.91 +/- 0.1	99.5 +/- 0.22	98.62 +/- 1.32
<i>TPPA</i>	54.78 +/- 7.23	99.98 +/- 0.04	99.97 +/- 0.05	99.0 +/- 3.25
<i>TTR</i>	55.5 +/- 8.45	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.52 +/- 1.77
<i>TUBA4A</i>	51.46 +/- 8.21	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.18	98.51 +/- 5.96
<i>TUBB3</i>	56.08 +/- 8.71	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.52	98.6 +/- 3.98
<i>TWNK</i>	52.49 +/- 9.07	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.44	98.51 +/- 5.9
<i>TYMP</i>	53.7 +/- 9.96	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.2	97.63 +/- 6.4
<i>UBA1</i>	40.7 +/- 15.74	99.91 +/- 0.51	92.43 +/- 13.24	65.9 +/- 39.05
<i>UBA5</i>	51.82 +/- 6.93	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.4	98.21 +/- 2.77
<i>UBAP1</i>	50.17 +/- 8.37	99.95 +/- 0.05	99.73 +/- 0.95	97.13 +/- 6.19
<i>UBQLN1</i>	54.23 +/- 7.34	100.0 +/- 0.01	99.83 +/- 0.45	97.85 +/- 3.39
<i>UBQLN2</i>	42.39 +/- 15.2	99.97 +/- 0.14	94.66 +/- 10.73	70.43 +/- 34.7
<i>UCHL1</i>	53.36 +/- 7.63	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.64	98.9 +/- 3.41
<i>UNC13A</i>	51.04 +/- 8.12	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.51	98.31 +/- 5.46
<i>UNC45B</i>	52.22 +/- 8.59	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.43	98.86 +/- 3.57
<i>VAMP1</i>	51.89 +/- 8.12	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.54 +/- 4.68
<i>VAPB</i>	53.76 +/- 8.28	99.98 +/- 0.04	99.88 +/- 0.15	98.56 +/- 3.61
<i>VCL</i>	52.06 +/- 7.88	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.09	98.68 +/- 3.15
<i>VCP</i>	53.03 +/- 7.94	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.09 +/- 2.71
<i>VMA21</i>	43.93 +/- 16.22	99.99 +/- 0.04	95.94 +/- 7.25	72.71 +/- 32.45
<i>VPS13D</i>	53.76 +/- 7.65	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	99.18 +/- 1.94
<i>VPS33B</i>	52.77 +/- 8.38	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.35	99.06 +/- 2.64
<i>VPS37A</i>	54.49 +/- 7.57	100.0 +/- 0.0	99.85 +/- 0.42	98.74 +/- 1.82
<i>VRK1</i>	56.03 +/- 7.99	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	99.47 +/- 1.23
<i>VWA1</i>	52.67 +/- 9.16	100.0 +/- 0.0	99.72 +/- 1.01	96.8 +/- 7.62
<i>VWA3B</i>	52.63 +/- 7.83	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.05	98.98 +/- 2.63
<i>WARS1</i>	53.04 +/- 8.64	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.98 +/- 3.14
<i>WASHC5</i>	53.52 +/- 7.48	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	99.38 +/- 2.07
<i>WDR73</i>	51.07 +/- 8.43	99.98 +/- 0.07	99.92 +/- 0.13	98.83 +/- 3.16

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 15x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
WNK1	51.73 +/- 7.56	99.99 +/- 0.04	99.78 +/- 0.51	97.83 +/- 3.27
WWOX	55.25 +/- 7.83	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.42 +/- 1.74
XRCC1	46.93 +/- 7.82	100.0 +/- 0.03	99.68 +/- 1.3	95.09 +/- 10.31
YARS1	50.57 +/- 8.12	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.05	98.46 +/- 5.15
YARS2	54.4 +/- 7.46	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.28 +/- 2.15
ZBTB42	52.23 +/- 8.72	100.0 +/- 0.0	99.84 +/- 0.45	97.41 +/- 4.81
ZC4H2	39.58 +/- 15.36	99.94 +/- 0.39	90.18 +/- 17.24	64.04 +/- 40.97
ZFHX2	48.96 +/- 8.25	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.66	97.09 +/- 6.87
ZFYVE26	52.88 +/- 7.91	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.29	98.83 +/- 3.35
ZFYVE27	51.28 +/- 8.49	100.0 +/- 0.0	99.87 +/- 0.78	98.2 +/- 5.31

For supplerende oplysninger vedrørende analysen kan afdelingen kontaktes på mail: mol-dia@rn.dk. Rapport genereret: 10/10-2025