

Mistanke om arvelig muskelsygdom basis panel

Panelbeskrivelse

Navn: Mistanke om arvelig muskelsygdom basis panel

version: 2.0

Ibrugtagningsdato: 01/06-2023

Metodebeskrivelse: Analysen udføres ved helgenomsekventering (WGS) med Illumina PCR free library prep (tagmentation) og Illumina sekventering (Novaseq). Efterfølgende foretages in silico filtrering af data til relevante genregioner baseret på nedenstående tabel. Middelsekventeringsdybden er minimum 30X, og minimumsandelens af de kodede regioner der dækket minimum 10X er 90 %.

Genliste

Gener hvor middelsekventeringsdybden er < 30X er markeret med¹. Gener, hvor andelen af de kodede regioner der dækket minimum 10X er < 90 % er markeret med². Værdier er angivet med +/- standardafvigelse.

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 10x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
AARS1	52.2 +/- 8.16	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.09	98.83 +/- 2.63
ABHD5	55.92 +/- 7.62	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	99.61 +/- 1.0
ACAD9	53.77 +/- 8.53	99.99 +/- 0.03	99.99 +/- 0.03	98.88 +/- 4.14
ACADM	54.18 +/- 7.33	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.39	99.28 +/- 1.54
ACADVL	49.39 +/- 7.82	100.0 +/- 0.0	99.73 +/- 0.48	96.66 +/- 5.99
ACTA1	48.02 +/- 8.93	100.0 +/- 0.0	99.7 +/- 1.98	95.37 +/- 9.7
ACTN2	54.11 +/- 7.78	100.0 +/- 0.0	99.86 +/- 0.66	98.63 +/- 2.76
ACVR1	52.34 +/- 7.27	99.95 +/- 0.31	99.14 +/- 1.99	94.99 +/- 6.16
ADCY6	51.48 +/- 8.42	99.93 +/- 0.3	99.39 +/- 0.99	96.93 +/- 4.78
ADGRG6	54.54 +/- 7.29	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.11	99.43 +/- 1.34
ADPRS	53.74 +/- 8.68	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	98.8 +/- 4.56
ADSS1	51.45 +/- 8.52	100.0 +/- 0.0	99.72 +/- 0.97	96.33 +/- 6.09
AGL	55.49 +/- 7.25	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.4 +/- 1.39
AGRN	52.68 +/- 9.04	100.0 +/- 0.0	99.63 +/- 1.34	96.88 +/- 7.28
ALDOA	50.89 +/- 8.42	100.0 +/- 0.0	99.73 +/- 1.05	97.7 +/- 6.91
ALG14	53.82 +/- 7.65	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.05	99.38 +/- 1.67
ALG2	55.34 +/- 8.31	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.49 +/- 1.63
ALS2	54.21 +/- 7.46	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	99.49 +/- 1.44
ANG	52.21 +/- 9.19	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.76 +/- 1.25
ANOS	54.7 +/- 7.3	99.97 +/- 0.05	99.96 +/- 0.05	99.22 +/- 1.81
ANXA11	53.06 +/- 7.97	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.17	98.77 +/- 2.81
AR	40.16 +/- 15.24	99.42 +/- 1.2	89.92 +/- 13.95	64.93 +/- 37.41
ASAH1	55.57 +/- 7.78	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.73 +/- 0.81
ASCC1	54.28 +/- 7.77	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.18	99.2 +/- 2.21
ASCC3	55.24 +/- 7.28	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.62 +/- 0.97
ATP1A2	51.76 +/- 7.84	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	98.68 +/- 5.18
ATP2A1	49.43 +/- 8.48	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.11	96.84 +/- 7.8
ATP7A	43.34 +/- 15.44	99.96 +/- 0.18	95.8 +/- 8.34	72.24 +/- 33.0
ATXN2	52.9 +/- 7.39	99.93 +/- 0.05	99.51 +/- 0.81	96.45 +/- 4.74
B3GALNT2	54.45 +/- 7.63	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.2	99.41 +/- 1.46
B4GAT1	51.38 +/- 8.41	100.0 +/- 0.0	99.84 +/- 1.09	97.88 +/- 8.35

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 10x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>BAG3</i>	49.59 +/- 8.1	99.95 +/- 0.05	99.68 +/- 1.08	96.74 +/- 7.05
<i>BET1</i>	55.58 +/- 8.89	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.33 +/- 2.22
<i>BICD2</i>	54.9 +/- 8.01	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.36	98.74 +/- 3.23
<i>BIN1</i>	52.1 +/- 8.6	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.47	98.09 +/- 5.43
<i>BSC12</i>	52.37 +/- 8.4	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	98.79 +/- 6.57
<i>BVES</i>	55.35 +/- 7.88	99.93 +/- 0.05	99.86 +/- 0.11	98.99 +/- 2.21
<i>C9orf72</i>	57.08 +/- 7.68	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.19	99.5 +/- 1.54
<i>CACNA1A</i>	49.17 +/- 7.67	99.98 +/- 0.05	99.52 +/- 1.75	95.08 +/- 8.11
<i>CACNA1H</i>	52.09 +/- 9.25	99.93 +/- 0.32	98.62 +/- 2.01	94.02 +/- 6.67
<i>CACNA1S</i>	51.66 +/- 8.34	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.46	98.17 +/- 6.07
<i>CAPN1</i>	51.09 +/- 8.13	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.35	98.39 +/- 4.69
<i>CAPN3</i>	50.55 +/- 8.47	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.26	98.07 +/- 4.32
<i>CASQ1</i>	47.18 +/- 8.56	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.44	95.93 +/- 7.34
<i>CAV3</i>	50.3 +/- 8.24	100.0 +/- 0.01	99.75 +/- 1.61	98.3 +/- 6.88
<i>CAVIN1</i>	51.66 +/- 8.78	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.42	97.71 +/- 7.07
<i>CCDC78</i>	52.47 +/- 9.04	100.0 +/- 0.0	99.63 +/- 0.85	96.89 +/- 6.03
<i>CFL2</i>	55.39 +/- 7.92	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.51 +/- 1.38
<i>CHAT</i>	49.76 +/- 7.71	99.99 +/- 0.09	99.78 +/- 0.94	97.18 +/- 7.32
<i>CHCHD10</i>	45.02 +/- 7.99	100.0 +/- 0.0	99.88 +/- 0.44	92.29 +/- 13.11
<i>CHD8</i>	52.94 +/- 7.72	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.1	98.77 +/- 2.52
<i>CHKB</i>	49.97 +/- 8.12	99.98 +/- 0.13	99.96 +/- 0.19	98.53 +/- 3.25
<i>CHMP2B</i>	53.93 +/- 7.23	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.22 +/- 1.94
<i>CHRNA1</i>	51.93 +/- 7.75	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.82 +/- 4.1
<i>CHRNB1</i>	50.59 +/- 8.55	100.0 +/- 0.0	99.74 +/- 1.77	97.84 +/- 7.67
<i>CHRND</i>	50.86 +/- 8.79	100.0 +/- 0.0	99.81 +/- 1.14	97.57 +/- 7.93
<i>CHRNE</i>	47.5 +/- 8.16	99.97 +/- 0.13	98.83 +/- 2.85	92.81 +/- 10.4
<i>CHRNA1</i>	51.24 +/- 8.28	99.99 +/- 0.04	99.9 +/- 0.4	98.38 +/- 4.68
<i>CLCN1</i>	50.45 +/- 7.88	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.15	98.21 +/- 4.84
<i>CLN3</i>	49.39 +/- 8.44	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.41	97.49 +/- 6.6
<i>CNBP</i>	54.31 +/- 8.08	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.02	99.09 +/- 2.34
<i>CNTN1</i>	55.23 +/- 7.49	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.53 +/- 1.5
<i>CNTNAP1</i>	49.7 +/- 8.08	100.0 +/- 0.0	99.83 +/- 0.52	96.55 +/- 6.11
<i>COL12A1</i>	55.55 +/- 7.52	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	99.48 +/- 1.53
<i>COL13A1</i>	51.74 +/- 7.9	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.03	98.34 +/- 4.42
<i>COL4A1</i>	53.48 +/- 7.53	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	98.83 +/- 3.9
<i>COL6A1</i>	55.94 +/- 9.84	99.97 +/- 0.11	99.21 +/- 0.98	96.67 +/- 3.93
<i>COL6A2</i>	54.75 +/- 9.39	100.0 +/- 0.0	99.86 +/- 0.58	98.08 +/- 5.66
<i>COL6A3</i>	53.29 +/- 7.65	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.14	99.23 +/- 2.92
<i>COLQ</i>	52.11 +/- 8.8	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.07	98.2 +/- 5.94
<i>COX20</i>	53.47 +/- 7.63	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.69	99.05 +/- 3.14
<i>COX6A2</i>	46.04 +/- 10.04	99.93 +/- 0.45	97.44 +/- 6.71	89.64 +/- 19.43
<i>CPT2</i>	52.85 +/- 8.49	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	98.76 +/- 4.32
<i>CRPPA</i>	54.83 +/- 7.34	99.99 +/- 0.03	99.9 +/- 0.48	99.1 +/- 2.37
<i>CRYAB</i>	51.81 +/- 7.45	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.16 +/- 3.52
<i>DAG1</i>	54.4 +/- 7.93	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.27 +/- 2.61
<i>DCTN1</i>	51.49 +/- 8.28	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.39	98.03 +/- 6.63

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 10x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>DES</i>	49.24 +/- 8.46	100.0 +/- 0.0	99.84 +/- 0.81	97.13 +/- 6.8
<i>DHX16</i>	51.69 +/- 8.41	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.12	98.51 +/- 6.44
<i>DMD</i>	43.25 +/- 15.8	99.96 +/- 0.14	95.0 +/- 8.59	71.26 +/- 33.8
<i>DMPK</i>	50.98 +/- 8.0	99.93 +/- 0.22	99.46 +/- 1.01	95.83 +/- 5.77
<i>DNAJB2</i>	50.9 +/- 8.84	100.0 +/- 0.0	99.84 +/- 0.47	97.6 +/- 3.74
<i>DNAJB4</i>	54.13 +/- 7.27	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.58 +/- 1.24
<i>DNAJB6</i>	56.22 +/- 8.07	99.94 +/- 0.39	99.87 +/- 0.57	99.08 +/- 1.91
<i>DNM2</i>	50.48 +/- 8.2	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.46	98.07 +/- 5.13
<i>DOK7</i>	53.64 +/- 9.46	100.0 +/- 0.0	99.57 +/- 1.29	96.01 +/- 7.44
<i>DOLK</i>	47.02 +/- 8.47	100.0 +/- 0.0	99.57 +/- 2.64	95.74 +/- 10.02
<i>DPAGT1</i>	51.59 +/- 8.53	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.58	98.28 +/- 6.05
<i>DPM1</i>	55.25 +/- 7.82	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.73 +/- 1.26
<i>DPM2</i>	48.79 +/- 8.38	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.08	97.15 +/- 11.75
<i>DPM3</i>	50.7 +/- 8.09	100.0 +/- 0.0	99.82 +/- 1.21	98.89 +/- 3.95
<i>DUX4L1</i>	97.57 +/- 4.7	96.53 +/- 4.12	95.02 +/- 5.06	93.28 +/- 5.03
<i>DYNC1H1</i>	53.25 +/- 7.78	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.18	98.9 +/- 3.38
<i>DYSF</i>	50.7 +/- 8.18	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.08	97.89 +/- 4.52
<i>ECEL1</i>	52.84 +/- 9.3	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.37	97.61 +/- 5.43
<i>EMD</i>	39.57 +/- 15.55	99.34 +/- 2.41	88.72 +/- 16.69	62.54 +/- 39.24
<i>ENO3</i>	52.42 +/- 8.19	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.09	98.58 +/- 3.87
<i>EPG5</i>	54.69 +/- 7.62	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.09	99.28 +/- 2.18
<i>ERBB3</i>	50.83 +/- 8.15	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.24	98.1 +/- 5.59
<i>ERBB4</i>	55.37 +/- 7.46	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	99.45 +/- 1.15
<i>ETFA</i>	54.01 +/- 6.7	100.0 +/- 0.03	99.99 +/- 0.04	99.47 +/- 1.15
<i>ETFB</i>	49.53 +/- 9.0	100.0 +/- 0.0	99.88 +/- 0.78	97.06 +/- 8.26
<i>ETFDH</i>	55.85 +/- 7.78	99.95 +/- 0.11	99.79 +/- 0.25	99.09 +/- 1.77
<i>EXOSC3</i>	53.63 +/- 7.42	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.33 +/- 2.05
<i>EXOSC8</i>	55.18 +/- 7.3	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.56 +/- 1.26
<i>EXOSC9</i>	54.57 +/- 7.26	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.61 +/- 1.17
<i>FBXO38</i>	54.97 +/- 7.35	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.21 +/- 1.93
<i>FDX2</i>	49.3 +/- 9.15	100.0 +/- 0.0	99.82 +/- 1.15	96.32 +/- 11.6
<i>FHL1</i>	42.15 +/- 15.95	99.99 +/- 0.09	93.3 +/- 11.78	68.93 +/- 36.86
<i>FIG4</i>	55.98 +/- 7.24	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.21	99.19 +/- 3.24
<i>FKBP14</i>	55.69 +/- 7.48	100.0 +/- 0.01	99.99 +/- 0.05	99.64 +/- 1.0
<i>FKRP</i>	57.35 +/- 8.97	100.0 +/- 0.0	99.83 +/- 0.47	98.43 +/- 4.01
<i>FKTN</i>	54.52 +/- 7.84	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.4 +/- 1.72
<i>FLAD1</i>	51.15 +/- 8.44	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.48	98.62 +/- 4.98
<i>FLNC</i>	52.66 +/- 8.87	100.0 +/- 0.01	99.94 +/- 0.25	98.08 +/- 6.61
<i>FUS</i>	52.88 +/- 7.79	100.0 +/- 0.0	99.88 +/- 0.8	98.87 +/- 4.09
<i>FXR1</i>	55.67 +/- 7.22	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	99.52 +/- 0.99
<i>GAA</i>	51.65 +/- 8.31	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.27	98.28 +/- 5.14
<i>GARS1</i>	55.24 +/- 7.5	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.26 +/- 1.64
<i>GBE1</i>	55.38 +/- 7.26	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.5 +/- 1.34
<i>GBF1</i>	51.53 +/- 8.11	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	98.23 +/- 4.96
<i>GFER</i>	50.36 +/- 8.83	100.0 +/- 0.02	99.66 +/- 0.66	95.5 +/- 8.07
<i>GFPT1</i>	55.31 +/- 7.06	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.05	99.52 +/- 1.12

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 10x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>GGPS1</i>	53.45 +/- 7.7	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	99.03 +/- 2.33
<i>GIPC1</i>	49.47 +/- 8.55	99.99 +/- 0.04	99.95 +/- 0.13	96.5 +/- 8.04
<i>GLDN</i>	53.24 +/- 7.66	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.05 +/- 2.6
<i>GLE1</i>	53.07 +/- 8.23	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.23 +/- 2.0
<i>GMPPB</i>	51.48 +/- 8.41	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.69	98.18 +/- 6.13
<i>GNE</i>	54.84 +/- 7.57	99.98 +/- 0.04	99.98 +/- 0.04	99.41 +/- 1.23
<i>GOLGA2</i>	51.4 +/- 7.86	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.35	98.45 +/- 5.99
<i>GOSR2</i>	53.04 +/- 7.79	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.36	98.96 +/- 4.04
<i>GYG1</i>	55.47 +/- 7.95	99.99 +/- 0.03	99.99 +/- 0.03	99.31 +/- 1.61
<i>GYS1</i>	51.38 +/- 8.42	100.0 +/- 0.0	99.87 +/- 0.6	97.35 +/- 6.73
<i>HACD1</i>	52.55 +/- 7.76	100.0 +/- 0.0	99.89 +/- 0.54	98.24 +/- 3.53
<i>HADHA</i>	53.12 +/- 7.75	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.35	98.23 +/- 5.5
<i>HADHB</i>	55.78 +/- 7.5	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.73 +/- 0.95
<i>HEXB</i>	53.11 +/- 7.03	99.99 +/- 0.03	99.99 +/- 0.03	98.56 +/- 3.25
<i>HINT1</i>	54.88 +/- 8.13	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.14 +/- 3.44
<i>HNRNPA1</i>	52.99 +/- 7.81	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.34	98.28 +/- 2.89
<i>HNRNPA2B1</i>	54.47 +/- 7.44	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.13	99.51 +/- 1.52
<i>HNRNPDL</i>	52.26 +/- 6.91	99.63 +/- 0.26	99.09 +/- 1.73	96.62 +/- 6.06
<i>HRAS</i>	49.97 +/- 9.38	99.95 +/- 0.17	99.19 +/- 2.78	94.8 +/- 10.62
<i>HSPB1</i>	47.77 +/- 9.55	100.0 +/- 0.0	99.5 +/- 2.68	94.75 +/- 14.0
<i>HSPB3</i>	51.96 +/- 7.91	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.52 +/- 1.71
<i>HSPB8</i>	49.7 +/- 7.5	99.99 +/- 0.06	99.94 +/- 0.22	97.57 +/- 6.13
<i>HSPG2</i>	51.59 +/- 8.41	100.0 +/- 0.0	99.77 +/- 0.56	97.61 +/- 6.36
<i>IGHMBP2</i>	53.51 +/- 8.33	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.05	98.59 +/- 4.46
<i>INPP5K</i>	51.58 +/- 8.09	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.9 +/- 3.6
<i>ISCU</i>	54.08 +/- 8.22	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.4 +/- 1.72
<i>ITGA7</i>	48.75 +/- 8.42	99.99 +/- 0.09	99.67 +/- 0.63	96.05 +/- 8.02
<i>JAG2</i>	54.7 +/- 9.07	100.0 +/- 0.0	98.98 +/- 2.25	95.14 +/- 6.4
<i>KBTBD13</i>	57.59 +/- 9.06	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.25	99.12 +/- 3.56
<i>KCNA1</i>	52.12 +/- 7.67	100.0 +/- 0.0	99.87 +/- 0.71	98.16 +/- 4.67
<i>KCNE3</i>	49.86 +/- 8.47	99.97 +/- 0.08	99.86 +/- 0.29	96.47 +/- 4.54
<i>KCNJ18</i>	72.08 +/- 10.29	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.73 +/- 0.88
<i>KIF26B</i>	53.27 +/- 7.73	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.37	98.67 +/- 4.52
<i>KIF5A</i>	50.98 +/- 7.66	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.11	98.48 +/- 3.39
<i>KLHL40</i>	54.75 +/- 9.46	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.22	98.61 +/- 4.33
<i>KLHL41</i>	54.07 +/- 7.06	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.42 +/- 1.63
<i>KLHL9</i>	54.71 +/- 7.34	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.07	99.32 +/- 1.77
<i>KY</i>	52.18 +/- 7.48	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.24	99.12 +/- 3.01
<i>LAMA2</i>	54.93 +/- 7.32	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.56 +/- 1.56
<i>LAMA5</i>	53.26 +/- 9.01	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.28	97.47 +/- 4.97
<i>LAMC1</i>	52.99 +/- 7.65	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.33	98.55 +/- 3.1
<i>LAMP2</i>	43.1 +/- 15.62	99.97 +/- 0.17	95.18 +/- 8.14	71.27 +/- 34.02
<i>LARGE1</i>	51.79 +/- 7.5	100.0 +/- 0.0	99.84 +/- 0.6	97.9 +/- 4.14
<i>LAS1L</i>	40.28 +/- 15.37	99.91 +/- 0.39	91.1 +/- 15.36	65.53 +/- 39.9
<i>LDB3</i>	52.06 +/- 7.69	100.0 +/- 0.0	99.8 +/- 0.51	97.72 +/- 3.3
<i>LDHA</i>	55.12 +/- 8.03	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.18	99.37 +/- 1.72

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 10x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>LIMS2</i>	45.46 +/- 7.94	99.86 +/- 0.42	94.86 +/- 4.12	85.5 +/- 8.54
<i>LMNA</i>	49.81 +/- 8.27	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.16	97.29 +/- 6.96
<i>LMOD3</i>	53.07 +/- 7.45	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.16	99.16 +/- 1.34
<i>LPIN1</i>	54.4 +/- 7.7	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.09	99.49 +/- 1.2
<i>LRIF1</i>	55.02 +/- 7.8	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.48 +/- 1.34
<i>LRP10</i>	51.91 +/- 8.27	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.58	98.13 +/- 6.31
<i>LRP12</i>	52.91 +/- 7.33	99.99 +/- 0.06	99.71 +/- 1.04	98.25 +/- 3.66
<i>LRP4</i>	51.36 +/- 8.09	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.26	98.26 +/- 4.32
<i>MAP3K20</i>	54.03 +/- 7.41	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.12	99.01 +/- 1.97
<i>MAPT</i>	49.89 +/- 7.9	100.0 +/- 0.01	99.77 +/- 0.53	96.7 +/- 4.88
<i>MATR3</i>	54.36 +/- 7.59	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.26 +/- 1.82
<i>MB</i>	50.83 +/- 9.13	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.76 +/- 3.5
<i>MCM3AP</i>	54.28 +/- 7.88	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.12	99.26 +/- 2.55
<i>MCOLN1</i>	51.39 +/- 8.3	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.3	98.12 +/- 7.82
<i>MEGF10</i>	54.84 +/- 7.63	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.09	99.47 +/- 1.3
<i>MICU1</i>	53.78 +/- 7.9	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.25	99.17 +/- 2.17
<i>MLIP</i>	53.46 +/- 7.54	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.1	99.36 +/- 2.06
<i>MPDU1</i>	46.06 +/- 8.62	100.0 +/- 0.0	99.73 +/- 1.27	93.79 +/- 10.9
<i>MSTN</i>	55.32 +/- 7.69	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.53 +/- 1.17
<i>MSTO1</i>	51.12 +/- 8.2	100.0 +/- 0.0	99.87 +/- 0.53	97.14 +/- 7.13
<i>MTM1</i>	42.56 +/- 15.67	99.97 +/- 0.1	93.77 +/- 11.56	70.82 +/- 34.7
<i>MTMR14</i>	50.77 +/- 8.13	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.46	98.46 +/- 5.22
<i>MUSK</i>	55.25 +/- 6.89	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.42 +/- 1.0
<i>MYBPC1</i>	54.03 +/- 7.67	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.51 +/- 1.38
<i>MYBPC3</i>	52.78 +/- 8.53	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.15	98.43 +/- 4.04
<i>MYF5</i>	53.85 +/- 7.5	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.5 +/- 1.27
<i>MYH14</i>	49.18 +/- 7.97	100.0 +/- 0.0	99.54 +/- 1.14	96.13 +/- 5.99
<i>MYH2</i>	52.99 +/- 7.44	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.04 +/- 2.13
<i>MYH3</i>	52.21 +/- 7.66	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.21	98.28 +/- 3.0
<i>MYH7</i>	51.53 +/- 8.15	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.33 +/- 4.96
<i>MYH8</i>	54.05 +/- 7.51	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.23 +/- 2.22
<i>MYL1</i>	54.17 +/- 7.45	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.47 +/- 2.1
<i>MYL2</i>	51.76 +/- 8.51	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.48	98.17 +/- 4.62
<i>MYMK</i>	49.34 +/- 9.23	100.0 +/- 0.0	99.55 +/- 2.83	96.69 +/- 11.97
<i>MYO18B</i>	50.46 +/- 8.18	99.99 +/- 0.03	99.68 +/- 0.59	97.58 +/- 5.8
<i>MYO9A</i>	54.97 +/- 7.3	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.11	99.38 +/- 1.88
<i>MYOD1</i>	53.24 +/- 9.04	100.0 +/- 0.0	99.86 +/- 0.95	98.5 +/- 5.01
<i>MYOT</i>	55.19 +/- 7.5	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.59 +/- 1.52
<i>MYPN</i>	53.41 +/- 7.67	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	99.42 +/- 2.08
<i>NEB</i>	54.16 +/- 7.31	99.81 +/- 0.32	99.38 +/- 0.68	97.81 +/- 2.35
<i>NEFH</i>	52.81 +/- 8.39	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.09	98.0 +/- 5.66
<i>NEFL</i>	53.52 +/- 7.38	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.4	98.91 +/- 2.98
<i>NEK1</i>	54.38 +/- 7.28	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.14	99.32 +/- 1.62
<i>NEK9</i>	52.85 +/- 7.67	99.98 +/- 0.05	99.95 +/- 0.09	99.06 +/- 1.87
<i>NOTCH2NLC</i>	53.66 +/- 10.56	100.0 +/- 0.0	99.58 +/- 1.09	95.81 +/- 8.61
<i>OPTN</i>	54.86 +/- 7.62	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.52	98.91 +/- 2.51
<i>PABPN1</i>	49.87 +/- 7.32	99.9 +/- 0.07	99.74 +/- 0.83	96.71 +/- 7.36

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 10x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>PAX7</i>	49.81 +/- 7.62	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.43	98.08 +/- 4.72
<i>PFKM</i>	52.45 +/- 8.24	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.18	98.81 +/- 4.15
<i>PFN1</i>	48.24 +/- 8.03	100.0 +/- 0.0	99.76 +/- 1.38	96.16 +/- 9.53
<i>PGAM2</i>	51.94 +/- 9.44	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.1	98.19 +/- 5.22
<i>PGK1</i>	43.92 +/- 15.87	99.94 +/- 0.2	96.31 +/- 7.81	73.02 +/- 33.01
<i>PGM1</i>	51.78 +/- 7.79	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.14	98.28 +/- 6.06
<i>PHKA1</i>	42.42 +/- 15.67	99.98 +/- 0.08	93.9 +/- 11.34	70.33 +/- 35.15
<i>PHKB</i>	54.67 +/- 7.22	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.66 +/- 0.7
<i>PIEZO2</i>	53.53 +/- 7.37	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.29	98.81 +/- 2.76
<i>PIP5K1C</i>	53.22 +/- 8.77	100.0 +/- 0.0	99.86 +/- 0.56	98.29 +/- 4.56
<i>PLEC</i>	59.4 +/- 9.89	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.27	98.86 +/- 4.31
<i>PLEKHG5</i>	52.65 +/- 8.97	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.25	97.87 +/- 6.59
<i>PLIN4</i>	54.92 +/- 8.72	99.9 +/- 0.54	99.54 +/- 1.46	97.73 +/- 5.14
<i>PNPLA2</i>	51.63 +/- 9.23	99.9 +/- 0.1	99.69 +/- 1.28	96.56 +/- 8.33
<i>PNPLA8</i>	55.46 +/- 7.4	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.56 +/- 0.85
<i>POGLUT1</i>	54.52 +/- 7.49	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.14	99.46 +/- 1.23
<i>POLG</i>	52.85 +/- 8.09	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.37	98.88 +/- 3.87
<i>POLG2</i>	52.32 +/- 7.62	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.11 +/- 2.1
<i>POMGNT1</i>	52.05 +/- 8.91	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.42	98.61 +/- 4.01
<i>POMGNT2</i>	54.16 +/- 8.26	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.49	98.39 +/- 3.97
<i>POMK</i>	53.28 +/- 8.73	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.07	98.67 +/- 5.37
<i>POMT1</i>	53.53 +/- 8.13	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.12	99.08 +/- 3.38
<i>POMT2</i>	49.84 +/- 8.28	99.99 +/- 0.07	99.7 +/- 0.83	96.75 +/- 6.31
<i>POPDC3</i>	53.6 +/- 7.04	99.84 +/- 0.08	99.68 +/- 0.82	98.23 +/- 2.94
<i>PPA2</i>	54.09 +/- 7.01	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.47 +/- 1.54
<i>PREPL</i>	56.38 +/- 7.27	100.0 +/- 0.01	99.99 +/- 0.04	99.67 +/- 0.62
<i>PRKAG2</i>	54.27 +/- 7.54	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.22	98.34 +/- 3.11
<i>PRPH</i>	51.51 +/- 8.45	100.0 +/- 0.0	99.88 +/- 0.53	97.6 +/- 5.59
<i>PRUNE1</i>	52.23 +/- 8.08	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.51	98.74 +/- 4.29
<i>PSAT1</i>	55.63 +/- 7.93	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	99.44 +/- 1.36
<i>PYGM</i>	50.7 +/- 9.01	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.49	98.18 +/- 6.75
<i>PYROXD1</i>	53.95 +/- 7.67	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.08	99.15 +/- 2.34
<i>RAPSN</i>	51.02 +/- 7.7	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.67 +/- 3.1
<i>RBCK1</i>	50.23 +/- 8.48	100.0 +/- 0.0	99.88 +/- 0.72	97.54 +/- 6.72
<i>RBM7</i>	54.67 +/- 7.88	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.39 +/- 1.86
<i>REEP1</i>	54.21 +/- 7.58	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.02	99.09 +/- 2.55
<i>RILPL1</i>	52.17 +/- 8.24	100.0 +/- 0.0	99.8 +/- 0.67	97.67 +/- 5.33
<i>RPH3A</i>	50.76 +/- 7.72	100.0 +/- 0.0	99.89 +/- 0.63	98.41 +/- 4.64
<i>RRM2B</i>	55.0 +/- 7.48	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	99.53 +/- 1.04
<i>RXYLT1</i>	55.95 +/- 7.73	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.39	98.8 +/- 2.54
<i>RYR1</i>	49.32 +/- 8.12	100.0 +/- 0.0	99.89 +/- 0.33	96.69 +/- 6.57
<i>RYR3</i>	53.3 +/- 7.42	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.31 +/- 1.9
<i>SCN4A</i>	50.48 +/- 8.27	100.0 +/- 0.03	99.82 +/- 0.75	97.23 +/- 6.44
<i>SELENON</i>	49.37 +/- 8.39	100.0 +/- 0.0	99.52 +/- 1.51	95.24 +/- 9.57
<i>SETX</i>	54.63 +/- 7.53	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.11	99.36 +/- 1.53
<i>SGCA</i>	50.87 +/- 8.84	100.0 +/- 0.0	99.84 +/- 0.87	97.37 +/- 10.05

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 10x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>SGCB</i>	56.0 +/- 7.65	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.35	99.15 +/- 1.34
<i>SGCD</i>	53.74 +/- 7.22	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.54 +/- 1.14
<i>SGCG</i>	55.93 +/- 7.75	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.58 +/- 1.69
<i>SIGMAR1</i>	52.09 +/- 8.66	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	98.76 +/- 3.44
<i>SIL1</i>	51.91 +/- 8.39	100.0 +/- 0.0	99.88 +/- 0.57	98.73 +/- 4.0
<i>SLC16A1</i>	55.85 +/- 7.13	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.22 +/- 1.72
<i>SLC18A3</i>	57.61 +/- 9.39	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	98.69 +/- 5.44
<i>SLC22A5</i>	52.47 +/- 7.96	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.16	98.46 +/- 4.08
<i>SLC25A1</i>	49.76 +/- 9.43	100.0 +/- 0.01	99.4 +/- 2.88	95.94 +/- 8.77
<i>SLC25A20</i>	53.23 +/- 8.06	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.27 +/- 2.76
<i>SLC25A4</i>	52.34 +/- 7.82	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.16	98.33 +/- 4.02
<i>SLC25A42</i>	51.56 +/- 8.99	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.28	97.74 +/- 7.79
<i>SLC25A46</i>	54.4 +/- 7.28	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.07	99.43 +/- 1.22
<i>SLC52A2</i>	53.88 +/- 9.82	99.99 +/- 0.04	99.72 +/- 1.85	97.97 +/- 7.75
<i>SLC52A3</i>	49.53 +/- 7.72	99.99 +/- 0.04	99.94 +/- 0.15	98.21 +/- 4.2
<i>SLC5A7</i>	55.8 +/- 7.58	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.23	99.0 +/- 2.04
<i>SMCHD1</i>	55.35 +/- 7.34	99.92 +/- 0.04	99.87 +/- 0.21	99.16 +/- 1.74
<i>SMN1</i>	52.69 +/- 11.54	100.0 +/- 0.0	99.81 +/- 0.88	95.69 +/- 7.64
<i>SMPX</i>	43.7 +/- 16.17	99.96 +/- 0.28	96.62 +/- 7.51	70.47 +/- 35.37
<i>SNAP25</i>	54.56 +/- 7.67	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.42	99.24 +/- 2.55
<i>SOD1</i>	53.77 +/- 8.44	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.97 +/- 4.55
<i>SPEG</i>	50.42 +/- 8.75	100.0 +/- 0.0	99.81 +/- 0.86	96.85 +/- 8.55
<i>SPG11</i>	54.82 +/- 7.58	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.05	99.49 +/- 1.56
<i>SPTAN1</i>	52.79 +/- 7.77	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.21	98.73 +/- 2.99
<i>SPTBN4</i>	51.0 +/- 8.07	100.0 +/- 0.0	99.88 +/- 0.45	97.11 +/- 6.92
<i>SPTLC1</i>	55.71 +/- 7.72	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.5 +/- 1.16
<i>SQSTM1</i>	53.29 +/- 8.51	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.74 +/- 3.55
<i>STAC3</i>	48.57 +/- 8.36	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.49	97.02 +/- 8.07
<i>STIM1</i>	49.63 +/- 7.38	99.99 +/- 0.03	99.91 +/- 0.3	97.61 +/- 5.11
<i>SUCLA2</i>	57.39 +/- 7.73	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.14
<i>SVIL</i>	53.96 +/- 7.19	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.46 +/- 1.26
<i>SYNE1</i>	54.62 +/- 7.31	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.5 +/- 1.52
<i>SYNE2</i>	54.23 +/- 7.38	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.1	99.32 +/- 1.45
<i>SYT2</i>	50.46 +/- 8.19	100.0 +/- 0.0	99.88 +/- 0.38	97.28 +/- 6.12
<i>TANGO2</i>	53.94 +/- 8.56	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.97 +/- 3.83
<i>TARDBP</i>	54.57 +/- 7.5	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.47 +/- 1.92
<i>TBK1</i>	55.67 +/- 7.12	99.98 +/- 0.04	99.95 +/- 0.21	99.56 +/- 0.85
<i>TCAP</i>	49.94 +/- 8.98	100.0 +/- 0.0	99.88 +/- 0.82	97.24 +/- 6.84
<i>TIA1</i>	54.76 +/- 7.26	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.36 +/- 1.25
<i>TK2</i>	53.42 +/- 8.37	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.2	98.79 +/- 3.67
<i>TMEM43</i>	53.08 +/- 7.35	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.28	98.86 +/- 4.44
<i>TNNC2</i>	45.98 +/- 7.7	100.0 +/- 0.0	99.87 +/- 0.49	95.86 +/- 7.81
<i>TNNI2</i>	51.53 +/- 10.21	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	97.47 +/- 9.61
<i>TNNT1</i>	47.48 +/- 8.28	100.0 +/- 0.0	99.57 +/- 1.74	93.97 +/- 9.78
<i>TNNT3</i>	55.04 +/- 9.03	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.8 +/- 3.61
<i>TNPO3</i>	54.61 +/- 7.78	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.23	98.7 +/- 3.08

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 10x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
TOR1AIP1	53.36 +/- 7.77	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.02	98.68 +/- 3.05
TPM2	49.59 +/- 8.15	100.0 +/- 0.0	99.7 +/- 2.0	97.35 +/- 9.01
TPM3	52.41 +/- 7.78	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.31	98.68 +/- 3.84
TRAPPC11	55.14 +/- 7.54	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.1	99.21 +/- 1.5
TRDN	55.82 +/- 7.25	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.67 +/- 0.73
TRIM32	54.97 +/- 7.88	100.0 +/- 0.0	99.83 +/- 0.45	98.45 +/- 2.54
TRIM54	53.52 +/- 9.4	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	98.79 +/- 4.83
TRIM63	50.87 +/- 8.59	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.6	98.31 +/- 3.63
TRIP4	54.79 +/- 7.46	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.17	99.19 +/- 2.22
TRPV4	49.83 +/- 8.64	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.31	97.87 +/- 5.65
TSEN54	49.16 +/- 8.24	100.0 +/- 0.0	99.78 +/- 1.19	97.5 +/- 6.82
TSFM	54.33 +/- 8.39	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.25 +/- 1.86
TTN	54.95 +/- 7.56	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.04	99.51 +/- 1.24
TUBA4A	51.47 +/- 8.12	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.18	98.51 +/- 5.92
TYMP	53.69 +/- 9.95	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.2	97.63 +/- 6.4
UBA1	40.68 +/- 15.67	99.91 +/- 0.51	92.43 +/- 13.24	65.9 +/- 39.05
UBQLN2	42.39 +/- 15.2	99.97 +/- 0.14	94.67 +/- 10.72	70.44 +/- 34.7
UNC13A	51.01 +/- 7.96	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.51	98.31 +/- 5.45
UNC45B	52.15 +/- 8.26	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.43	98.86 +/- 3.57
VAMP1	51.88 +/- 8.07	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.54 +/- 4.68
VAPB	53.73 +/- 8.1	99.98 +/- 0.04	99.88 +/- 0.15	98.56 +/- 3.61
VCP	53.01 +/- 7.83	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.09 +/- 2.71
VMA21	43.91 +/- 16.1	99.99 +/- 0.04	95.96 +/- 7.19	72.74 +/- 32.42
VRK1	55.99 +/- 7.79	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	99.47 +/- 1.23
VWA1	52.66 +/- 9.13	100.0 +/- 0.0	99.72 +/- 1.01	96.8 +/- 7.62
WARS1	52.98 +/- 8.35	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.98 +/- 3.14
ZBTB42	52.23 +/- 8.69	100.0 +/- 0.0	99.85 +/- 0.43	97.42 +/- 4.81
ZC4H2	39.58 +/- 15.34	99.94 +/- 0.39	90.18 +/- 17.24	64.04 +/- 40.96

For supplerende oplysninger vedrørende analysen kan afdelingen kontaktes på mail: mol-dia@rn.dk. Rapport genereret: 09/09-2024