

## Hereditær ataksi og spastisk paraplegi basis panel

### Panelbeskrivelse

**Navn:** Hereditær ataksi og spastisk paraplegi basis panel

**version:** 2.0

**Ibrugtagningsdato:** 01/06-2023

**Metodebeskrivelse:** Analysen udføres ved helgenomsekventering (WGS) med Illumina PCR free library prep (tagmentation) og Illumina sekventering (Novaseq). Efterfølgende foretages in silico filtrering af data til relevante genregioner baseret på nedenstående tabel. Middelsekventeringsdybden er minimum 30X, og minimumsandelens af de kodede regioner der dækket minimum 10X er 90 %.

### Genliste

Gener hvor middelsekventeringsdybden er < 30X er markeret med<sup>1</sup>. Gener, hvor andelen af de kodede regioner der dækket minimum 10X er < 90 % er markeret med<sup>2</sup>. Værdier er angivet med +/- standardafvigelse.

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 10x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
AAAS	52.61 +/- 7.91	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.25	98.84 +/- 5.06
AARS1	52.2 +/- 8.16	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.09	98.83 +/- 2.63
ABCA2	51.49 +/- 8.9	99.99 +/- 0.05	99.51 +/- 1.09	95.66 +/- 6.11
ABCB7	44.21 +/- 16.0	99.99 +/- 0.03	96.24 +/- 8.13	73.34 +/- 32.81
ABCD1	40.71 +/- 15.58	99.84 +/- 0.77	90.95 +/- 14.95	66.22 +/- 38.7
ABHD12	50.52 +/- 8.43	100.0 +/- 0.01	99.74 +/- 0.8	96.96 +/- 6.38
ABHD16A	49.95 +/- 8.2	100.0 +/- 0.0	99.84 +/- 0.52	97.32 +/- 6.12
ACER3	54.61 +/- 7.52	99.89 +/- 0.1	99.85 +/- 0.13	99.01 +/- 1.52
ACO2	52.74 +/- 8.86	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.21	98.21 +/- 6.91
ADAR	52.72 +/- 8.08	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.2	98.73 +/- 3.46
ADCY5	51.83 +/- 8.34	100.0 +/- 0.0	99.86 +/- 0.44	97.15 +/- 7.11
ADGRG1	50.8 +/- 8.27	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.09	97.85 +/- 5.27
ADPRS	53.74 +/- 8.68	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	98.8 +/- 4.56
AFG2B	53.16 +/- 8.02	100.0 +/- 0.0	99.87 +/- 0.64	98.07 +/- 6.1
AFG3L2	54.23 +/- 7.73	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.25	98.97 +/- 2.49
AHI1	55.17 +/- 7.18	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.54 +/- 0.81
AIMP1	54.16 +/- 7.11	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.37 +/- 1.46
ALDH18A1	54.06 +/- 7.76	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.28	99.09 +/- 2.87
ALDH3A2	52.72 +/- 7.49	100.0 +/- 0.02	99.99 +/- 0.03	98.94 +/- 1.83
ALDH5A1	53.78 +/- 7.32	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.22	99.19 +/- 2.72
ALG1	52.57 +/- 8.23	99.96 +/- 0.05	99.95 +/- 0.06	99.08 +/- 3.91
ALG11	54.73 +/- 7.62	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	99.53 +/- 1.15
ALG12	57.25 +/- 8.9	100.0 +/- 0.03	99.94 +/- 0.22	98.84 +/- 3.69
ALG14	53.82 +/- 7.65	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.05	99.38 +/- 1.67
ALG3	50.28 +/- 8.39	100.0 +/- 0.0	99.87 +/- 0.54	97.91 +/- 7.37
ALG6	54.43 +/- 7.45	100.0 +/- 0.03	100.0 +/- 0.03	99.47 +/- 1.23
ALG8	55.41 +/- 7.63	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.31	99.55 +/- 1.3
ALG9	54.77 +/- 8.08	99.99 +/- 0.05	99.99 +/- 0.05	99.35 +/- 1.8
ALS2	54.21 +/- 7.46	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	99.49 +/- 1.44
AMPD2	51.25 +/- 8.11	100.0 +/- 0.0	99.88 +/- 0.59	98.17 +/- 4.29
ANO10	53.58 +/- 7.47	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	99.2 +/- 3.18

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 10x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>AP1S2</i>	43.33 +/- 16.14	99.77 +/- 0.96	94.4 +/- 11.38	72.06 +/- 33.12
<i>AP4B1</i>	54.4 +/- 8.0	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.4 +/- 2.46
<i>AP4E1</i>	55.74 +/- 7.19	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.69 +/- 0.65
<i>AP4M1</i>	50.08 +/- 8.57	100.0 +/- 0.0	99.87 +/- 0.78	97.77 +/- 7.54
<i>AP4S1</i>	54.22 +/- 7.75	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.09	99.38 +/- 1.18
<i>AP5Z1</i>	54.6 +/- 8.87	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.43	98.57 +/- 4.88
<i>APTX</i>	53.48 +/- 7.91	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.62 +/- 0.82
<i>ARG1</i>	57.73 +/- 7.25	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.88 +/- 0.46
<i>ARL13B</i>	55.43 +/- 6.94	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.65 +/- 0.82
<i>ARL3</i>	51.12 +/- 7.88	100.0 +/- 0.0	99.89 +/- 0.29	98.11 +/- 3.81
<i>ARL6IP1</i>	57.15 +/- 8.04	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.64 +/- 0.78
<i>ARMC9</i>	53.06 +/- 8.02	100.0 +/- 0.01	99.98 +/- 0.09	99.01 +/- 3.44
<i>ARSA</i>	49.07 +/- 7.79	100.0 +/- 0.01	99.77 +/- 0.84	96.75 +/- 5.82
<i>ATAD3A</i>	51.37 +/- 8.6	99.97 +/- 0.21	99.67 +/- 0.92	96.16 +/- 5.99
<i>ATCAY</i>	52.21 +/- 8.04	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.33	98.74 +/- 3.93
<i>ATG7</i>	53.48 +/- 8.0	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.16	98.52 +/- 4.62
<i>ATL1</i>	54.35 +/- 7.55	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.42 +/- 1.26
<i>ATM</i>	55.39 +/- 7.08	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.03	99.5 +/- 0.98
<i>ATP13A2</i>	51.73 +/- 8.54	100.0 +/- 0.0	99.88 +/- 0.45	97.48 +/- 6.82
<i>ATP1A2</i>	51.76 +/- 7.84	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	98.68 +/- 5.18
<i>ATP1A3</i>	48.22 +/- 8.25	100.0 +/- 0.0	99.67 +/- 0.84	95.23 +/- 8.09
<i>ATP2B3</i>	41.61 +/- 15.95	99.74 +/- 1.21	92.55 +/- 13.04	67.44 +/- 37.09
<i>ATP6AP1</i>	39.34 +/- 15.06	99.76 +/- 1.1	90.65 +/- 16.23	64.68 +/- 40.71
<i>ATP6V0A1</i>	52.06 +/- 7.5	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.89 +/- 3.11
<i>ATP6V0A2</i>	53.58 +/- 7.51	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.07	99.26 +/- 1.69
<i>ATP7B</i>	53.2 +/- 7.43	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.16 +/- 2.06
<i>ATP8A2</i>	53.92 +/- 7.21	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.15 +/- 1.76
<i>AUH</i>	54.66 +/- 7.48	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.27 +/- 2.11
<i>B3GALNT2</i>	54.45 +/- 7.63	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.2	99.41 +/- 1.46
<i>B3GALT6</i>	54.1 +/- 9.34	100.0 +/- 0.0	99.68 +/- 1.64	97.2 +/- 6.81
<i>B3GAT3</i>	50.47 +/- 8.04	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.24	98.5 +/- 3.88
<i>B3GLCT</i>	54.5 +/- 7.44	99.86 +/- 0.09	99.86 +/- 0.09	99.11 +/- 1.48
<i>B4GALNT1</i>	49.56 +/- 8.18	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.46	97.45 +/- 7.28
<i>B4GALT1</i>	52.13 +/- 7.79	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.58	98.39 +/- 4.93
<i>B4GALT7</i>	49.98 +/- 8.36	99.99 +/- 0.07	99.76 +/- 1.15	96.99 +/- 6.52
<i>B4GAT1</i>	51.38 +/- 8.41	100.0 +/- 0.0	99.84 +/- 1.09	97.88 +/- 8.35
<i>B9D2</i>	51.18 +/- 8.79	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.53 +/- 5.79
<i>BBS1</i>	52.32 +/- 8.21	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	98.98 +/- 3.48
<i>BCAS3</i>	52.52 +/- 7.73	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.4	98.24 +/- 4.54
<i>BLOC1S1</i>	48.84 +/- 8.76	100.0 +/- 0.0	99.86 +/- 0.95	96.06 +/- 10.09
<i>BRF1</i>	52.84 +/- 8.91	100.0 +/- 0.0	99.8 +/- 0.98	97.4 +/- 7.85
<i>BSCL2</i>	52.37 +/- 8.4	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	98.79 +/- 6.57
<i>C19orf12</i>	53.55 +/- 7.75	99.95 +/- 0.05	99.88 +/- 0.3	98.47 +/- 3.93
<i>C2CD3</i>	53.03 +/- 7.73	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.02 +/- 2.45
<i>CA8</i>	54.25 +/- 7.33	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.35 +/- 1.59
<i>CACNA1A</i>	49.17 +/- 7.67	99.98 +/- 0.05	99.52 +/- 1.75	95.08 +/- 8.11

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 10x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>CACNA1G</i>	49.87 +/- 8.13	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.41	96.71 +/- 6.9
<i>CACNA2D2</i>	49.93 +/- 8.67	100.0 +/- 0.01	99.61 +/- 1.41	96.12 +/- 7.61
<i>CAD</i>	52.48 +/- 8.02	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.28	98.58 +/- 4.76
<i>CAMTA1</i>	53.38 +/- 7.69	100.0 +/- 0.0	99.75 +/- 0.45	98.54 +/- 2.78
<i>CAPN1</i>	51.09 +/- 8.13	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.35	98.39 +/- 4.69
<i>CAPRIN1</i>	54.58 +/- 7.67	100.0 +/- 0.0	99.89 +/- 0.38	98.67 +/- 2.34
<i>CASK</i>	42.26 +/- 15.55	99.79 +/- 0.76	93.76 +/- 10.69	69.36 +/- 34.73
<i>CC2D2A</i>	54.8 +/- 7.76	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.09	99.36 +/- 2.46
<i>CCDC115</i>	53.69 +/- 8.02	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.39	98.73 +/- 4.42
<i>CENPF</i>	54.18 +/- 7.37	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.6 +/- 1.06
<i>CEP104</i>	52.6 +/- 7.52	100.0 +/- 0.0	99.7 +/- 0.79	96.25 +/- 4.38
<i>CEP290</i>	54.7 +/- 7.29	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.48 +/- 1.25
<i>CEP41</i>	53.26 +/- 7.47	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.35 +/- 1.63
<i>CHMP1A</i>	52.67 +/- 8.98	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.21	98.41 +/- 3.19
<i>CHP1</i>	52.4 +/- 8.05	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.12	98.96 +/- 2.71
<i>CHST14</i>	46.39 +/- 8.35	99.99 +/- 0.04	98.75 +/- 3.5	91.69 +/- 12.61
<i>CHST3</i>	52.86 +/- 8.83	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.23	98.19 +/- 4.71
<i>CHST6</i>	52.54 +/- 8.36	100.0 +/- 0.03	99.61 +/- 0.88	96.68 +/- 5.9
<i>CHSY1</i>	52.65 +/- 7.02	99.93 +/- 0.38	99.26 +/- 2.56	96.98 +/- 5.41
<i>CILK1</i>	54.94 +/- 7.72	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.17	99.4 +/- 1.42
<i>CLCN2</i>	51.72 +/- 8.86	100.0 +/- 0.0	99.86 +/- 0.5	97.4 +/- 5.55
<i>CLN5</i>	55.94 +/- 7.3	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.7 +/- 0.68
<i>CLN6</i>	48.18 +/- 8.44	99.97 +/- 0.07	99.81 +/- 0.66	95.68 +/- 8.16
<i>CLP1</i>	52.77 +/- 8.53	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.35 +/- 2.66
<i>CLPP</i>	51.44 +/- 7.77	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.38	98.56 +/- 4.26
<i>COA7</i>	53.39 +/- 7.6	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.15 +/- 2.42
<i>COASY</i>	49.96 +/- 8.56	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.17	97.35 +/- 9.13
<i>COG1</i>	51.98 +/- 7.65	99.99 +/- 0.06	99.57 +/- 1.63	98.24 +/- 3.79
<i>COG4</i>	51.65 +/- 7.77	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.88 +/- 3.12
<i>COG5</i>	55.28 +/- 7.71	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	99.46 +/- 1.87
<i>COG6</i>	56.47 +/- 7.23	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.17	99.5 +/- 1.46
<i>COG7</i>	53.44 +/- 7.49	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.33 +/- 1.98
<i>COG8</i>	51.72 +/- 7.7	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.33	98.55 +/- 3.53
<i>COQ4</i>	51.77 +/- 8.12	100.0 +/- 0.0	99.65 +/- 2.12	97.65 +/- 8.57
<i>COQ8A</i>	55.01 +/- 9.03	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.28 +/- 2.55
<i>COX20</i>	53.47 +/- 7.63	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.69	99.05 +/- 3.14
<i>CP</i>	54.86 +/- 7.78	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	99.47 +/- 0.96
<i>CPLANE1</i>	55.17 +/- 7.39	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.08	99.5 +/- 0.87
<i>CPT1C</i>	47.6 +/- 8.36	100.0 +/- 0.0	99.76 +/- 1.26	95.56 +/- 11.14
<i>CRB2</i>	51.49 +/- 8.16	99.95 +/- 0.05	99.88 +/- 0.24	97.72 +/- 5.88
<i>CRPPA</i>	54.83 +/- 7.34	99.99 +/- 0.03	99.9 +/- 0.48	99.1 +/- 2.37
<i>CSGALNACT1</i>	53.48 +/- 7.99	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.16	98.81 +/- 2.6
<i>CSPP1</i>	54.75 +/- 7.26	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.43 +/- 0.86
<i>CSTB</i>	54.07 +/- 8.36	100.0 +/- 0.0	99.71 +/- 1.67	97.4 +/- 6.07
<i>CTBP1</i>	53.86 +/- 8.44	99.95 +/- 0.27	99.16 +/- 1.86	95.23 +/- 5.92
<i>CTNNB1</i>	55.01 +/- 7.47	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.1 +/- 1.44

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 10x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>CWF19L1</i>	53.41 +/- 8.27	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.98 +/- 3.34
<i>CYP27A1</i>	51.96 +/- 8.62	100.0 +/- 0.0	99.86 +/- 0.92	98.15 +/- 6.72
<i>CYP2U1</i>	53.25 +/- 7.48	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.05	98.78 +/- 3.03
<i>CYP7B1</i>	54.34 +/- 7.51	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.37 +/- 1.84
<i>DAG1</i>	54.4 +/- 7.93	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.27 +/- 2.61
<i>DARS1</i>	54.8 +/- 7.17	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.74 +/- 0.79
<i>DARS2</i>	52.97 +/- 7.53	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.12	99.09 +/- 2.37
<i>DCC</i>	54.13 +/- 7.25	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.21	98.98 +/- 1.67
<i>DDHD1</i>	53.97 +/- 7.68	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.24	98.89 +/- 2.15
<i>DDHD2</i>	55.03 +/- 7.59	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.18	99.32 +/- 1.61
<i>DDX3X</i>	43.36 +/- 15.91	99.96 +/- 0.19	95.69 +/- 8.27	71.22 +/- 34.58
<i>DDX59</i>	52.36 +/- 7.24	100.0 +/- 0.0	99.84 +/- 0.68	98.55 +/- 2.77
<i>DHCR7</i>	53.76 +/- 8.94	99.97 +/- 0.12	99.79 +/- 0.86	98.57 +/- 5.94
<i>DHDDS</i>	51.91 +/- 8.25	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.47 +/- 4.24
<i>DKC1</i>	42.47 +/- 15.93	99.94 +/- 0.32	93.3 +/- 13.12	69.97 +/- 35.49
<i>DMXL2</i>	55.63 +/- 7.45	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.54 +/- 1.34
<i>DNAJC19</i>	54.84 +/- 7.22	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.86 +/- 2.88
<i>DNAJC5</i>	54.04 +/- 8.48	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.46	98.54 +/- 4.57
<i>DNMT1</i>	54.48 +/- 8.09	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.11	99.37 +/- 1.94
<i>DOCK3</i>	52.55 +/- 7.94	100.0 +/- 0.0	99.87 +/- 0.63	98.33 +/- 4.02
<i>DOLK</i>	47.02 +/- 8.47	100.0 +/- 0.0	99.57 +/- 2.64	95.74 +/- 10.02
<i>DPAGT1</i>	51.59 +/- 8.53	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.58	98.28 +/- 6.05
<i>DPM1</i>	55.25 +/- 7.82	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.73 +/- 1.26
<i>DPM2</i>	48.79 +/- 8.38	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.08	97.15 +/- 11.75
<i>DPM3</i>	50.7 +/- 8.09	100.0 +/- 0.0	99.82 +/- 1.21	98.89 +/- 3.95
<i>DPYSL5</i>	52.09 +/- 8.2	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	98.68 +/- 4.42
<i>DSTYK</i>	52.78 +/- 7.65	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	98.97 +/- 3.64
<i>DYNC1H1</i>	53.25 +/- 7.78	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.18	98.9 +/- 3.38
<i>EBF3</i>	54.43 +/- 8.07	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.67	98.31 +/- 3.95
<i>EDEM3</i>	55.19 +/- 7.3	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.06	99.08 +/- 1.26
<i>EEF2</i>	54.64 +/- 8.84	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	98.71 +/- 6.1
<i>EIF2B1</i>	51.34 +/- 7.4	99.83 +/- 0.32	99.35 +/- 0.81	96.48 +/- 4.13
<i>EIF2B2</i>	53.34 +/- 7.58	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.06	99.07 +/- 2.4
<i>EIF2B3</i>	51.29 +/- 7.65	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.69	98.38 +/- 4.44
<i>EIF2B4</i>	52.49 +/- 8.17	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.22	99.29 +/- 3.39
<i>EIF2B5</i>	51.44 +/- 8.03	99.97 +/- 0.05	99.94 +/- 0.14	99.03 +/- 3.31
<i>ELOVL1</i>	49.99 +/- 8.87	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.18	98.24 +/- 4.37
<i>ELOVL4</i>	54.92 +/- 7.56	100.0 +/- 0.0	99.82 +/- 1.01	98.68 +/- 2.86
<i>ELOVL5</i>	54.98 +/- 7.43	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.71 +/- 0.97
<i>ENTPD1</i>	54.43 +/- 7.9	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.12	99.15 +/- 2.51
<i>EOGT</i>	55.68 +/- 7.61	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.48 +/- 1.39
<i>EPM2A</i>	53.46 +/- 7.37	99.96 +/- 0.27	99.47 +/- 1.35	96.82 +/- 3.23
<i>ERCC4</i>	53.68 +/- 7.5	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	99.22 +/- 1.61
<i>ERLIN1</i>	52.97 +/- 7.69	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.34	98.85 +/- 3.13
<i>ERLIN2</i>	52.69 +/- 7.79	99.99 +/- 0.07	99.65 +/- 0.53	97.55 +/- 3.2
<i>EVC</i>	51.25 +/- 8.11	99.99 +/- 0.09	99.73 +/- 0.87	96.93 +/- 5.82

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 10x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>EVC2</i>	52.49 +/- 7.77	100.0 +/- 0.0	99.89 +/- 0.54	98.29 +/- 5.23
<i>EXOSC3</i>	53.63 +/- 7.42	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.33 +/- 2.05
<i>EXOSC5</i>	52.0 +/- 8.01	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.08 +/- 6.23
<i>EXOSC8</i>	55.18 +/- 7.3	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.56 +/- 1.26
<i>EXOSC9</i>	54.57 +/- 7.26	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.61 +/- 1.17
<i>EXT1</i>	52.24 +/- 7.53	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.19	98.56 +/- 2.6
<i>EXT2</i>	54.14 +/- 7.95	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.06	99.22 +/- 2.38
<i>FA2H</i>	49.36 +/- 8.79	100.0 +/- 0.0	99.78 +/- 1.27	97.03 +/- 6.83
<i>FAM149B1</i>	54.75 +/- 7.41	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.02	99.31 +/- 1.59
<i>FAR1</i>	56.35 +/- 7.07	100.0 +/- 0.01	99.99 +/- 0.04	99.64 +/- 0.75
<i>FARS2</i>	53.76 +/- 7.91	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.07	98.88 +/- 3.7
<i>FBXL4</i>	55.91 +/- 7.24	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.58 +/- 0.98
<i>FBXO7</i>	52.31 +/- 7.9	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.42	98.82 +/- 2.4
<i>FCSK</i>	52.6 +/- 8.05	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.14	98.79 +/- 4.73
<i>FGF14</i>	55.03 +/- 7.69	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.43 +/- 1.27
<i>FKRP</i>	57.35 +/- 8.97	100.0 +/- 0.0	99.83 +/- 0.47	98.43 +/- 4.01
<i>FKTN</i>	54.52 +/- 7.84	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.4 +/- 1.72
<i>FLVCR1</i>	54.93 +/- 7.3	99.83 +/- 0.23	99.66 +/- 0.39	98.61 +/- 2.83
<i>FMR1</i>	42.22 +/- 15.08	99.74 +/- 0.93	94.18 +/- 10.4	70.21 +/- 33.93
<i>FOLR1</i>	50.61 +/- 8.93	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.91 +/- 4.71
<i>FRMD5</i>	54.26 +/- 7.91	99.99 +/- 0.04	99.47 +/- 0.92	97.46 +/- 3.18
<i>FUT8</i>	53.63 +/- 7.82	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.15	98.83 +/- 3.4
<i>FXN</i>	53.74 +/- 7.71	99.99 +/- 0.03	99.96 +/- 0.14	99.15 +/- 2.07
<i>G6PC3</i>	50.88 +/- 8.73	100.0 +/- 0.0	99.78 +/- 1.37	97.89 +/- 6.54
<i>GAD1</i>	53.14 +/- 7.51	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	98.98 +/- 2.05
<i>GALC</i>	56.72 +/- 7.98	99.97 +/- 0.05	99.96 +/- 0.05	99.54 +/- 1.38
<i>GALNT2</i>	51.99 +/- 7.97	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.48	98.0 +/- 3.83
<i>GALNT3</i>	55.32 +/- 7.4	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.36 +/- 1.49
<i>GBA2</i>	50.05 +/- 8.63	100.0 +/- 0.0	99.77 +/- 1.07	96.91 +/- 7.5
<i>GBE1</i>	55.38 +/- 7.26	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.5 +/- 1.34
<i>GCH1</i>	55.3 +/- 7.06	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.45 +/- 1.69
<i>GDAP2</i>	55.32 +/- 7.48	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.12	99.54 +/- 1.27
<i>GEMIN5</i>	54.69 +/- 7.61	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.33 +/- 2.15
<i>GFAP</i>	50.41 +/- 8.38	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.14	98.13 +/- 6.69
<i>GFPT1</i>	55.31 +/- 7.06	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.05	99.52 +/- 1.12
<i>GJA1</i>	53.43 +/- 7.32	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.03	99.14 +/- 1.51
<i>GJC2</i>	51.68 +/- 10.23	100.0 +/- 0.0	99.86 +/- 0.31	95.11 +/- 7.27
<i>GLI3</i>	54.8 +/- 7.68	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	99.24 +/- 2.65
<i>GLRA1</i>	50.55 +/- 8.57	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	98.39 +/- 4.72
<i>GLRB</i>	55.33 +/- 6.83	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.07	99.29 +/- 1.3
<i>GLRX5</i>	51.52 +/- 7.88	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.07	99.24 +/- 2.09
<i>GLS</i>	53.72 +/- 6.87	99.9 +/- 0.17	99.85 +/- 0.22	98.74 +/- 2.15
<i>GMPPA</i>	49.72 +/- 8.64	100.0 +/- 0.0	99.86 +/- 0.85	96.93 +/- 7.92
<i>GMPPB</i>	51.48 +/- 8.41	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.69	98.18 +/- 6.13
<i>GNE</i>	54.84 +/- 7.57	99.98 +/- 0.04	99.98 +/- 0.04	99.41 +/- 1.23
<i>GORAB</i>	55.01 +/- 7.67	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.42 +/- 1.39
<i>GOSR2</i>	53.04 +/- 7.79	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.36	98.96 +/- 4.04

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 10x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>GPAA1</i>	52.89 +/- 9.08	100.0 +/- 0.0	99.62 +/- 1.89	97.52 +/- 8.82
<i>GPT2</i>	53.51 +/- 7.75	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.15	98.74 +/- 4.24
<i>GRID2</i>	54.03 +/- 7.35	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.24 +/- 2.06
<i>GRM1</i>	54.11 +/- 7.64	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.12	98.9 +/- 3.2
<i>GRN</i>	53.72 +/- 8.47	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.96 +/- 3.52
<i>PRNP</i>	51.12 +/- 8.53	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.28	98.29 +/- 5.37
<i>HACE1</i>	55.39 +/- 7.3	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.46	99.24 +/- 2.12
<i>HARS1</i>	52.53 +/- 8.08	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.28	98.46 +/- 6.7
<i>HEATR5B</i>	55.43 +/- 7.43	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.49 +/- 1.42
<i>HEXA</i>	52.17 +/- 7.88	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.2	98.6 +/- 3.88
<i>HEXB</i>	53.11 +/- 7.03	99.99 +/- 0.03	99.99 +/- 0.03	98.56 +/- 3.25
<i>HIKESHI</i>	56.16 +/- 7.36	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.83 +/- 3.34
<i>HPDL</i>	53.8 +/- 8.59	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.15	98.98 +/- 5.39
<i>HSPD1</i>	54.62 +/- 7.85	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.08 +/- 2.95
<i>HYLS1</i>	55.02 +/- 8.26	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.51 +/- 1.84
<i>IBA57</i>	52.77 +/- 7.78	99.99 +/- 0.03	99.97 +/- 0.07	98.8 +/- 3.69
<i>IFIH1</i>	54.42 +/- 7.53	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.27	99.44 +/- 1.67
<i>PMPCA</i>	50.78 +/- 8.89	100.0 +/- 0.0	99.5 +/- 2.37	95.14 +/- 8.84
<i>IRF2BPL</i>	50.91 +/- 8.35	99.94 +/- 0.23	99.34 +/- 1.31	94.56 +/- 8.89
<i>ITPR1</i>	54.04 +/- 7.79	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.2	98.72 +/- 2.75
<i>KCNA1</i>	52.12 +/- 7.67	100.0 +/- 0.0	99.87 +/- 0.71	98.16 +/- 4.67
<i>KCNA2</i>	52.71 +/- 7.71	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.05	99.16 +/- 2.6
<i>KCNC3</i>	41.34 +/- 7.4	99.77 +/- 0.56	95.18 +/- 4.66	81.61 +/- 13.56
<i>KCND3</i>	51.83 +/- 7.94	100.0 +/- 0.0	99.88 +/- 0.3	98.02 +/- 4.24
<i>KCNJ10</i>	52.84 +/- 8.29	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.08	98.58 +/- 3.18
<i>KCNN2</i>	52.15 +/- 7.78	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	98.43 +/- 3.67
<i>KCNQ2</i>	52.17 +/- 9.01	99.99 +/- 0.06	99.75 +/- 0.93	96.65 +/- 7.32
<i>KCNQ3</i>	53.56 +/- 7.69	99.98 +/- 0.09	99.61 +/- 0.85	97.9 +/- 3.33
<i>KDM5C</i>	38.9 +/- 15.2	99.17 +/- 1.45	88.4 +/- 15.93	62.4 +/- 39.38
<i>KIAA0586</i>	55.28 +/- 7.35	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.03	99.37 +/- 1.55
<i>KIAA0753</i>	55.1 +/- 7.63	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.57 +/- 0.99
<i>KIDINS220</i>	55.88 +/- 7.49	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.41 +/- 1.56
<i>KIF1A</i>	51.47 +/- 8.41	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.19	98.05 +/- 5.33
<i>KIF1C</i>	51.33 +/- 7.56	99.98 +/- 0.1	99.84 +/- 0.57	97.72 +/- 4.89
<i>KIF5A</i>	50.98 +/- 7.66	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.11	98.48 +/- 3.39
<i>KIF7</i>	52.39 +/- 8.21	100.0 +/- 0.0	99.88 +/- 0.79	97.97 +/- 4.35
<i>KPNA3</i>	54.76 +/- 6.99	99.96 +/- 0.3	99.35 +/- 1.1	97.28 +/- 2.66
<i>L1CAM</i>	39.14 +/- 15.27	99.72 +/- 1.05	89.66 +/- 16.26	63.98 +/- 39.82
<i>LAMA1</i>	54.99 +/- 7.38	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.52 +/- 1.26
<i>LARGE1</i>	51.79 +/- 7.5	100.0 +/- 0.0	99.84 +/- 0.6	97.9 +/- 4.14
<i>LARS2</i>	52.79 +/- 8.05	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.02 +/- 2.91
<i>LIG3</i>	53.0 +/- 7.84	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.09	98.61 +/- 3.18
<i>LNPK</i>	54.46 +/- 7.87	100.0 +/- 0.03	100.0 +/- 0.03	99.26 +/- 1.48
<i>LYST</i>	55.53 +/- 7.3	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.59 +/- 1.01
<i>MAG</i>	49.41 +/- 8.43	99.99 +/- 0.04	99.64 +/- 0.76	96.19 +/- 5.68
<i>MAGT1</i>	43.42 +/- 16.5	99.94 +/- 0.22	94.09 +/- 10.56	71.06 +/- 34.25

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 10x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>MAN1B1</i>	54.94 +/- 8.97	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.45	98.81 +/- 5.33
<i>MAPK8IP3</i>	53.67 +/- 9.19	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.49	98.25 +/- 6.22
<i>MARS2</i>	55.24 +/- 8.02	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.09	99.17 +/- 3.59
<i>MFN2</i>	52.55 +/- 8.18	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.22	98.5 +/- 3.53
<i>MGAT2</i>	51.76 +/- 7.34	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.07	98.66 +/- 2.58
<i>MINPP1</i>	53.97 +/- 7.81	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.09	98.98 +/- 3.36
<i>MKS1</i>	50.74 +/- 8.08	100.0 +/- 0.0	99.84 +/- 1.1	98.55 +/- 4.1
<i>MMACHC</i>	49.2 +/- 8.64	100.0 +/- 0.0	99.82 +/- 0.84	96.32 +/- 8.15
<i>MOGS</i>	52.92 +/- 9.23	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.19	98.28 +/- 5.94
<i>MORC2</i>	50.99 +/- 7.63	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.09	98.45 +/- 3.48
<i>MPDU1</i>	46.06 +/- 8.62	100.0 +/- 0.0	99.73 +/- 1.27	93.79 +/- 10.9
<i>MPI</i>	54.13 +/- 8.33	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.19	98.98 +/- 4.16
<i>MRE11</i>	54.66 +/- 7.36	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.48 +/- 1.42
<i>MSTO1</i>	51.12 +/- 8.2	100.0 +/- 0.0	99.87 +/- 0.53	97.14 +/- 7.13
<i>MTCL1</i>	50.73 +/- 7.66	100.0 +/- 0.01	99.47 +/- 1.76	95.46 +/- 7.49
<i>MTFMT</i>	55.07 +/- 8.19	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.13	98.88 +/- 2.91
<i>MTPAP</i>	54.44 +/- 7.39	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.17	99.03 +/- 2.3
<i>MTRFR</i>	54.45 +/- 8.5	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.12	99.31 +/- 1.67
<i>MVK</i>	51.87 +/- 7.94	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.39	98.25 +/- 5.52
<i>NAXE</i>	50.96 +/- 8.33	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.22	97.5 +/- 6.27
<i>NDUFA12</i>	52.63 +/- 8.56	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.48	98.66 +/- 3.86
<i>NFASC</i>	51.9 +/- 8.53	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.26	98.62 +/- 4.52
<i>NGLY1</i>	56.27 +/- 7.18	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.12	98.99 +/- 2.4
<i>NHLRC1</i>	54.02 +/- 8.12	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.09	99.43 +/- 2.81
<i>NIPA1</i>	54.07 +/- 7.46	99.94 +/- 0.22	99.72 +/- 0.73	98.68 +/- 2.79
<i>NKX2-1</i>	51.82 +/- 7.67	99.99 +/- 0.04	99.97 +/- 0.07	98.01 +/- 5.4
<i>NKX6-2</i>	49.97 +/- 8.81	99.75 +/- 0.85	97.14 +/- 4.23	90.08 +/- 9.58
<i>NPC1</i>	53.64 +/- 7.56	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.27	98.96 +/- 3.09
<i>NPC2</i>	51.2 +/- 8.72	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.36	98.58 +/- 4.1
<i>NPHP1</i>	55.3 +/- 9.31	100.0 +/- 0.0	99.84 +/- 1.06	98.35 +/- 7.05
<i>NPHP3</i>	55.09 +/- 7.3	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.33 +/- 1.56
<i>NPTX1</i>	52.28 +/- 8.27	100.0 +/- 0.0	99.82 +/- 0.59	97.29 +/- 4.96
<i>NRCAM</i>	56.1 +/- 7.47	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.03	99.41 +/- 1.15
<i>NSRP1</i>	52.94 +/- 7.82	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.41 +/- 1.28
<i>NT5C2</i>	55.14 +/- 8.15	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.08	99.24 +/- 2.4
<i>OFD1</i>	42.17 +/- 15.78	99.93 +/- 0.36	93.98 +/- 9.99	68.61 +/- 36.55
<i>OGDHL</i>	51.18 +/- 8.18	100.0 +/- 0.0	99.88 +/- 0.71	97.89 +/- 6.21
<i>OPA1</i>	56.32 +/- 7.2	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.76 +/- 0.6
<i>OPA3</i>	51.76 +/- 8.25	99.98 +/- 0.04	99.96 +/- 0.06	98.68 +/- 3.1
<i>OPHN1</i>	43.0 +/- 15.61	99.97 +/- 0.12	94.58 +/- 9.1	70.19 +/- 34.46
<i>PACS2</i>	51.79 +/- 9.01	99.99 +/- 0.04	99.64 +/- 0.96	96.55 +/- 5.95
<i>PAX6</i>	52.35 +/- 7.1	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.13	98.35 +/- 3.15
<i>PCYT2</i>	53.5 +/- 8.86	100.0 +/- 0.0	99.88 +/- 0.44	98.0 +/- 4.93
<i>PDYN</i>	51.43 +/- 8.62	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.61 +/- 4.33
<i>PEX16</i>	51.67 +/- 9.09	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.3	98.06 +/- 4.43
<i>PEX2</i>	54.84 +/- 7.73	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.74 +/- 0.88

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 10x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>PEX6</i>	49.64 +/- 7.84	99.96 +/- 0.05	99.82 +/- 0.41	96.66 +/- 7.29
<i>PGAP2</i>	50.73 +/- 9.14	100.0 +/- 0.03	99.98 +/- 0.09	98.07 +/- 5.92
<i>PGAP3</i>	50.7 +/- 8.12	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.33	98.18 +/- 6.7
<i>PGM1</i>	51.78 +/- 7.79	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.14	98.28 +/- 6.06
<i>PGM3</i>	54.68 +/- 7.39	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.12	99.51 +/- 0.98
<i>PHGDH</i>	52.25 +/- 8.35	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.5 +/- 6.02
<i>PI4KA</i>	52.63 +/- 7.77	99.99 +/- 0.07	99.72 +/- 0.98	98.14 +/- 3.72
<i>PIBF1</i>	55.03 +/- 7.19	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.22	99.29 +/- 1.59
<i>PIGA</i>	43.55 +/- 15.82	99.98 +/- 0.1	95.37 +/- 9.91	71.86 +/- 34.18
<i>PIGL</i>	53.89 +/- 7.6	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.23 +/- 3.17
<i>PIGM</i>	53.36 +/- 8.12	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.22	98.93 +/- 2.92
<i>PIGN</i>	54.9 +/- 7.4	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.15	99.22 +/- 1.63
<i>PIGO</i>	53.23 +/- 8.0	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.94 +/- 3.16
<i>PIGS</i>	52.27 +/- 7.81	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.12 +/- 2.56
<i>PIGT</i>	50.61 +/- 8.41	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.27	97.76 +/- 5.86
<i>PIGV</i>	53.81 +/- 7.56	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.29	99.36 +/- 2.0
<i>PIGW</i>	55.0 +/- 7.47	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	99.38 +/- 2.64
<i>PITRM1</i>	55.89 +/- 7.64	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.51 +/- 1.26
<i>PLA2G6</i>	50.89 +/- 9.72	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.2	97.09 +/- 5.68
<i>PLP1</i>	43.2 +/- 16.12	99.9 +/- 0.54	94.53 +/- 8.67	70.22 +/- 34.85
<i>PMM2</i>	53.74 +/- 8.4	100.0 +/- 0.0	99.87 +/- 0.85	98.37 +/- 4.97
<i>PMPCA</i>	55.78 +/- 8.52	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.07	99.34 +/- 2.7
<i>PMPCB</i>	55.74 +/- 7.91	100.0 +/- 0.01	100.0 +/- 0.01	99.59 +/- 1.06
<i>PNKD</i>	50.74 +/- 7.94	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.31	98.03 +/- 6.31
<i>PNKP</i>	51.37 +/- 8.13	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.05 +/- 3.57
<i>PNPLA6</i>	52.18 +/- 8.57	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.24	97.88 +/- 5.9
<i>POC1B</i>	55.23 +/- 7.77	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.18	99.32 +/- 1.38
<i>POLG</i>	52.85 +/- 8.09	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.37	98.88 +/- 3.87
<i>POLR3A</i>	54.1 +/- 7.83	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.19	99.29 +/- 2.62
<i>POLR3B</i>	54.36 +/- 7.32	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.09	99.52 +/- 1.92
<i>POLR3K</i>	53.5 +/- 8.77	100.0 +/- 0.01	99.98 +/- 0.06	98.86 +/- 5.07
<i>POMGNT1</i>	52.05 +/- 8.91	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.42	98.61 +/- 4.01
<i>POMGNT2</i>	54.16 +/- 8.26	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.49	98.39 +/- 3.97
<i>POMK</i>	53.28 +/- 8.73	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.07	98.67 +/- 5.37
<i>POMT1</i>	53.53 +/- 8.13	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.12	99.08 +/- 3.38
<i>POMT2</i>	49.84 +/- 8.28	99.99 +/- 0.07	99.7 +/- 0.83	96.75 +/- 6.31
<i>POU4F1</i>	47.85 +/- 7.15	100.0 +/- 0.0	99.1 +/- 2.55	93.88 +/- 8.09
<i>PRDM13</i>	52.75 +/- 7.96	99.98 +/- 0.1	99.52 +/- 2.36	97.3 +/- 6.89
<i>PRDX3</i>	54.86 +/- 7.85	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.7 +/- 1.08
<i>PRICKLE1</i>	54.05 +/- 7.68	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.48	98.73 +/- 2.36
<i>PRKCG</i>	45.14 +/- 7.84	100.0 +/- 0.01	99.46 +/- 2.64	93.32 +/- 12.08
<i>PRNP</i>	52.49 +/- 8.2	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.19	98.74 +/- 2.14
<i>PRRT2</i>	46.29 +/- 7.31	100.0 +/- 0.03	99.83 +/- 0.87	94.0 +/- 10.58
<i>PSEN1</i>	54.6 +/- 7.88	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.13	99.51 +/- 1.56
<i>PTF1A</i>	47.32 +/- 8.53	99.98 +/- 0.06	99.45 +/- 1.67	92.16 +/- 13.06
<i>PTRH2</i>	53.96 +/- 9.25	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.14 +/- 3.67



Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 10x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>PUM1</i>	53.21 +/- 7.43	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	99.06 +/- 1.97
<i>RAB3GAP2</i>	55.11 +/- 6.94	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.03	99.4 +/- 1.17
<i>RARS2</i>	55.05 +/- 7.58	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.68 +/- 0.8
<i>REEP1</i>	54.21 +/- 7.58	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.02	99.09 +/- 2.55
<i>REEP2</i>	48.17 +/- 9.38	99.99 +/- 0.07	99.44 +/- 2.03	93.82 +/- 11.93
<i>RELN</i>	55.81 +/- 7.41	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	99.43 +/- 1.58
<i>RFT1</i>	52.21 +/- 7.99	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	98.85 +/- 3.38
<i>RNASEH2B</i>	53.31 +/- 7.12	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	98.92 +/- 3.59
<i>RNF170</i>	54.14 +/- 7.66	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.23	99.3 +/- 2.48
<i>RNF216</i>	54.36 +/- 7.98	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.15	99.07 +/- 3.2
<i>RNF220</i>	50.93 +/- 8.98	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.38	98.22 +/- 4.89
<i>ROBO3</i>	49.37 +/- 8.13	100.0 +/- 0.01	99.88 +/- 0.58	96.77 +/- 9.67
<i>RORA</i>	55.5 +/- 7.42	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.18	99.29 +/- 0.97
<i>RPGRIP1L</i>	54.61 +/- 7.24	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.66 +/- 0.88
<i>RTN2</i>	49.43 +/- 8.22	99.98 +/- 0.07	99.73 +/- 0.94	96.17 +/- 7.13
<i>RXYLT1</i>	55.95 +/- 7.73	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.39	98.8 +/- 2.54
<i>SACS</i>	54.68 +/- 7.46	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.12	99.5 +/- 1.27
<i>SAMD9L</i>	54.93 +/- 7.45	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.5 +/- 1.07
<i>SAR1B</i>	55.41 +/- 7.8	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.12	99.43 +/- 0.98
<i>SARS2</i>	49.15 +/- 8.09	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.25	97.5 +/- 6.54
<i>SCLT1</i>	55.3 +/- 7.45	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.05	99.48 +/- 1.54
<i>SCN1A</i>	54.76 +/- 7.45	100.0 +/- 0.01	99.99 +/- 0.03	99.49 +/- 1.2
<i>SCN2A</i>	55.65 +/- 7.31	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.54 +/- 1.29
<i>SCN8A</i>	53.14 +/- 7.63	99.99 +/- 0.04	99.83 +/- 0.25	98.45 +/- 2.45
<i>SCYL1</i>	50.49 +/- 8.7	100.0 +/- 0.0	99.49 +/- 2.22	95.46 +/- 9.31
<i>SEC23B</i>	54.55 +/- 7.51	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.61 +/- 1.12
<i>SEPSECS</i>	56.22 +/- 7.58	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.64 +/- 1.06
<i>SERAC1</i>	54.61 +/- 7.91	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.19	99.04 +/- 2.59
<i>SETX</i>	54.63 +/- 7.53	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.11	99.36 +/- 1.53
<i>SIL1</i>	51.91 +/- 8.39	100.0 +/- 0.0	99.88 +/- 0.57	98.73 +/- 4.0
<i>SLC16A2</i>	39.78 +/- 14.85	99.81 +/- 1.08	91.57 +/- 13.87	65.85 +/- 38.94
<i>SLC17A5</i>	54.41 +/- 7.72	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.41	98.91 +/- 1.97
<i>SLC1A3</i>	54.42 +/- 7.77	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.62 +/- 1.16
<i>SLC1A4</i>	54.74 +/- 7.97	100.0 +/- 0.0	99.89 +/- 0.59	99.03 +/- 3.3
<i>SLC25A15</i>	54.22 +/- 7.88	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.12	99.37 +/- 2.3
<i>SLC25A46</i>	54.4 +/- 7.28	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.07	99.43 +/- 1.22
<i>SLC2A1</i>	51.69 +/- 8.24	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	98.8 +/- 2.86
<i>SLC35A1</i>	55.15 +/- 7.45	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.55 +/- 1.2
<i>SLC35A2</i>	40.88 +/- 15.85	99.86 +/- 0.82	92.55 +/- 13.29	66.68 +/- 40.05
<i>SLC35C1</i>	50.92 +/- 8.45	99.98 +/- 0.16	99.51 +/- 1.12	95.7 +/- 8.39
<i>SLC35D1</i>	54.21 +/- 7.96	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	99.11 +/- 3.05
<i>SLC37A4</i>	52.25 +/- 8.61	100.0 +/- 0.0	99.87 +/- 0.74	98.29 +/- 5.73
<i>SLC39A8</i>	55.02 +/- 7.94	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.17	99.0 +/- 2.48
<i>SLC44A1</i>	55.15 +/- 7.47	100.0 +/- 0.02	99.79 +/- 0.48	98.83 +/- 1.74
<i>SLC52A2</i>	53.88 +/- 9.82	99.99 +/- 0.04	99.72 +/- 1.85	97.97 +/- 7.75
<i>SLC9A1</i>	49.05 +/- 8.08	100.0 +/- 0.0	99.86 +/- 0.91	97.27 +/- 8.44
<i>SLC9A6</i>	43.44 +/- 15.72	100.0 +/- 0.01	95.4 +/- 8.11	72.0 +/- 33.03

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 10x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>SMPD4</i>	53.18 +/- 8.54	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	98.84 +/- 3.41
<i>SNAP25</i>	54.56 +/- 7.67	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.42	99.24 +/- 2.55
<i>SNX14</i>	55.65 +/- 7.27	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.58 +/- 1.12
<i>SPART</i>	54.78 +/- 7.49	99.99 +/- 0.03	99.91 +/- 0.27	99.09 +/- 1.96
<i>SPAST</i>	53.38 +/- 6.55	100.0 +/- 0.0	99.87 +/- 0.39	98.12 +/- 2.89
<i>SPG11</i>	54.82 +/- 7.58	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.05	99.49 +/- 1.56
<i>SPG21</i>	53.43 +/- 7.51	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.46 +/- 2.71
<i>SPG7</i>	52.87 +/- 7.91	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.3	98.32 +/- 3.91
<i>SPR</i>	51.35 +/- 8.9	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	98.32 +/- 4.99
<i>SPTAN1</i>	52.79 +/- 7.77	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.21	98.73 +/- 2.99
<i>SPTBN2</i>	52.24 +/- 8.02	100.0 +/- 0.0	99.87 +/- 0.57	97.91 +/- 4.8
<i>SQSTM1</i>	53.29 +/- 8.51	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.74 +/- 3.55
<i>SRD5A3</i>	54.37 +/- 7.77	99.99 +/- 0.04	99.92 +/- 0.42	99.21 +/- 1.59
<i>SSR3</i>	56.41 +/- 8.03	99.99 +/- 0.04	99.99 +/- 0.07	99.28 +/- 1.15
<i>SSR4</i>	40.45 +/- 15.71	99.92 +/- 0.57	89.75 +/- 17.6	67.45 +/- 39.54
<i>ST3GAL3</i>	52.9 +/- 8.69	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.55	98.5 +/- 4.52
<i>ST3GAL5</i>	54.48 +/- 7.61	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.28	98.82 +/- 2.96
<i>STN1</i>	54.06 +/- 8.16	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	99.28 +/- 2.46
<i>STT3A</i>	54.08 +/- 7.46	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.43 +/- 1.41
<i>STUB1</i>	54.36 +/- 8.4	100.0 +/- 0.0	99.45 +/- 2.49	96.39 +/- 6.52
<i>SUFU</i>	50.69 +/- 7.73	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.28	97.9 +/- 4.63
<i>SVBP</i>	49.32 +/- 7.34	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.47	96.34 +/- 7.03
<i>SYNE1</i>	54.62 +/- 7.31	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.5 +/- 1.52
<i>SYNGAP1</i>	45.05 +/- 7.78	99.96 +/- 0.2	98.73 +/- 2.07	89.76 +/- 9.86
<i>TAF8</i>	54.7 +/- 8.18	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.09	99.31 +/- 2.39
<i>TBC1D23</i>	56.04 +/- 7.78	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.69 +/- 0.96
<i>TCTN1</i>	54.34 +/- 7.44	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.28 +/- 1.52
<i>TCTN2</i>	52.84 +/- 7.42	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.19	98.84 +/- 2.59
<i>TCTN3</i>	52.43 +/- 8.19	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	98.78 +/- 3.22
<i>TDP2</i>	54.25 +/- 7.56	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.12	99.44 +/- 1.86
<i>TECPR2</i>	53.99 +/- 7.59	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	98.98 +/- 3.97
<i>TERT</i>	57.26 +/- 9.25	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.05 +/- 2.76
<i>TFG</i>	52.97 +/- 7.45	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.44	97.85 +/- 3.81
<i>TGM6</i>	50.85 +/- 7.98	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	98.66 +/- 4.11
<i>THG1L</i>	53.51 +/- 7.32	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.43 +/- 1.31
<i>TINF2</i>	51.29 +/- 8.05	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	97.99 +/- 6.43
<i>TMEM106B</i>	55.34 +/- 7.28	99.54 +/- 0.91	99.39 +/- 1.03	98.6 +/- 1.48
<i>TMEM107</i>	53.11 +/- 8.25	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.19	98.74 +/- 3.11
<i>TMEM138</i>	54.37 +/- 9.61	100.0 +/- 0.0	99.89 +/- 0.54	98.69 +/- 6.18
<i>TMEM165</i>	54.71 +/- 7.42	99.98 +/- 0.04	99.96 +/- 0.15	98.26 +/- 3.59
<i>TMEM199</i>	53.06 +/- 8.34	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.31 +/- 2.23
<i>TMEM216</i>	51.69 +/- 8.86	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.86 +/- 2.76
<i>TMEM218</i>	54.01 +/- 7.91	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.56 +/- 1.69
<i>TMEM231</i>	54.1 +/- 8.44	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.05	99.0 +/- 3.4
<i>TMEM237</i>	54.6 +/- 7.66	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.22	99.43 +/- 1.88
<i>TMEM240</i>	43.3 +/- 8.41	99.87 +/- 0.57	97.16 +/- 7.32	84.64 +/- 17.11

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 10x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>TMEM63C</i>	50.57 +/- 8.46	100.0 +/- 0.0	99.86 +/- 0.94	97.81 +/- 6.99
<i>TMEM67</i>	54.92 +/- 7.82	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.09 +/- 1.67
<i>TOE1</i>	49.26 +/- 7.95	100.0 +/- 0.0	99.89 +/- 0.72	98.96 +/- 3.73
<i>TPP1</i>	50.71 +/- 8.63	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.62 +/- 3.99
<i>TRAPPC11</i>	55.14 +/- 7.54	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.1	99.21 +/- 1.5
<i>TSEN15</i>	55.58 +/- 7.61	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.59 +/- 1.18
<i>TSEN2</i>	53.99 +/- 7.57	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.49 +/- 1.16
<i>TSEN34</i>	52.13 +/- 8.3	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.58	98.65 +/- 4.88
<i>TSEN54</i>	49.16 +/- 8.24	100.0 +/- 0.0	99.78 +/- 1.19	97.5 +/- 6.82
<i>TTBK2</i>	54.57 +/- 7.24	99.99 +/- 0.06	99.94 +/- 0.25	99.18 +/- 1.86
<i>TTC19</i>	53.31 +/- 7.73	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.16	98.06 +/- 5.06
<i>TTPA</i>	54.8 +/- 7.2	99.98 +/- 0.04	99.97 +/- 0.05	99.0 +/- 3.24
<i>TUBA1A</i>	52.17 +/- 8.12	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.14 +/- 2.64
<i>TUBA8</i>	51.26 +/- 8.22	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.75 +/- 4.54
<i>TUBB2B</i>	56.87 +/- 8.83	99.91 +/- 0.03	99.88 +/- 0.15	98.85 +/- 2.69
<i>TUBB3</i>	56.14 +/- 8.69	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.52	98.61 +/- 3.96
<i>TUBB4A</i>	50.12 +/- 8.08	100.0 +/- 0.0	99.52 +/- 2.08	94.54 +/- 10.01
<i>TUSC3</i>	54.8 +/- 6.89	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.76 +/- 0.85
<i>TWNK</i>	52.44 +/- 8.87	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.44	98.51 +/- 5.9
<i>TXNDC15</i>	53.6 +/- 7.58	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.22 +/- 2.54
<i>UBA5</i>	51.83 +/- 6.88	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.4	98.25 +/- 2.72
<i>UBAP1</i>	50.15 +/- 8.25	99.95 +/- 0.05	99.73 +/- 0.95	97.13 +/- 6.19
<i>UBTF</i>	49.71 +/- 8.29	99.99 +/- 0.03	99.68 +/- 0.78	96.44 +/- 6.57
<i>UCHL1</i>	53.34 +/- 7.54	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.64	98.9 +/- 3.41
<i>VAMP1</i>	51.88 +/- 8.07	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.54 +/- 4.68
<i>VLDLR</i>	54.0 +/- 7.63	99.97 +/- 0.05	99.93 +/- 0.16	98.88 +/- 1.98
<i>VPS13B</i>	55.04 +/- 7.2	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.62 +/- 1.05
<i>VPS13D</i>	53.73 +/- 7.5	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	99.18 +/- 1.94
<i>VPS37A</i>	54.47 +/- 7.44	100.0 +/- 0.0	99.85 +/- 0.42	98.74 +/- 1.82
<i>VPS41</i>	54.93 +/- 7.03	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.68 +/- 0.74
<i>VPS53</i>	51.6 +/- 7.83	99.98 +/- 0.08	99.57 +/- 1.03	96.66 +/- 4.52
<i>VRK1</i>	55.99 +/- 7.79	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	99.47 +/- 1.23
<i>WASHC5</i>	53.52 +/- 7.43	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	99.38 +/- 2.07
<i>WDR45B</i>	52.46 +/- 7.87	100.0 +/- 0.0	99.88 +/- 0.68	97.99 +/- 5.17
<i>WDR48</i>	55.66 +/- 7.65	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.03	99.65 +/- 0.86
<i>WDR73</i>	51.04 +/- 8.25	99.98 +/- 0.07	99.92 +/- 0.13	98.83 +/- 3.16
<i>WDR81</i>	53.85 +/- 8.79	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.49	98.84 +/- 4.16
<i>WFS1</i>	54.5 +/- 8.88	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.11	98.44 +/- 6.43
<i>WWOX</i>	55.22 +/- 7.72	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.42 +/- 1.74
<i>XRCC1</i>	46.93 +/- 7.79	100.0 +/- 0.03	99.68 +/- 1.3	95.1 +/- 10.3
<i>XYLT1</i>	51.31 +/- 7.92	99.98 +/- 0.09	99.53 +/- 1.19	96.98 +/- 5.61
<i>XYLT2</i>	52.99 +/- 7.93	100.0 +/- 0.0	99.81 +/- 0.73	98.4 +/- 5.72
<i>ZFYVE26</i>	52.87 +/- 7.83	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.28	98.84 +/- 3.35
<i>ZNF423</i>	52.76 +/- 8.1	99.99 +/- 0.08	99.68 +/- 0.81	97.54 +/- 3.63
<i>ZSWIM6</i>	51.35 +/- 7.23	99.47 +/- 0.45	97.45 +/- 1.65	92.67 +/- 4.04

