

Vækst og fedme syndromer

Panelbeskrivelse

Navn: Vækst og fedme syndromer

version: 1.0

Ibrugtagningsdato: 31/10-2023

Metodebeskrivelse: Analysen udføres ved helgenomsekventering (WGS) med Illumina PCR free library prep (tagmentation) og Illumina sekventering (Novaseq). Efterfølgende foretages in silico filtrering af data til relevante genregioner baseret på nedenstående tabel. Middelsekventeringsdybden er minimum 30X, og minimumsandelens af de kodede regioner der dækket minimum 10X er 90 %.

Genliste

Gener hvor middelsekventeringsdybden er < 30X er markeret med¹. Gener, hvor andelen af de kodede regioner der dækket minimum 10X er < 90 % er markeret med². Værdier er angivet med +/- standardafvigelse.

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 10x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>ACAN</i>	49.74 +/- 7.63	97.93 +/- 1.61	95.82 +/- 2.03	91.87 +/- 5.34
<i>ACTB</i>	52.7 +/- 9.38	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.13	98.35 +/- 4.52
<i>ACTG1</i>	50.49 +/- 9.05	100.0 +/- 0.0	99.86 +/- 0.67	97.56 +/- 4.62
<i>AKR1C2</i>	53.35 +/- 7.77	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.03	99.3 +/- 1.71
<i>ALMS1</i>	53.21 +/- 7.37	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.06	99.19 +/- 1.67
<i>AMMECR1</i>	42.66 +/- 15.77	99.89 +/- 0.42	93.95 +/- 10.07	69.5 +/- 34.95
<i>ANKRD11</i>	54.41 +/- 8.23	100.0 +/- 0.0	99.84 +/- 0.45	98.12 +/- 4.31
<i>ARCN1</i>	54.17 +/- 7.83	99.93 +/- 0.04	99.9 +/- 0.08	98.84 +/- 2.22
<i>ARL6</i>	56.4 +/- 7.67	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.46 +/- 1.64
<i>ATR</i>	55.55 +/- 7.22	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.02	99.47 +/- 1.1
<i>ATRIP</i>	51.37 +/- 8.35	100.0 +/- 0.0	99.83 +/- 0.51	97.53 +/- 4.96
<i>ATRX</i>	41.94 +/- 15.38	99.92 +/- 0.24	94.07 +/- 9.45	68.95 +/- 35.92
<i>B3GAT3</i>	50.47 +/- 8.04	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.24	98.5 +/- 3.88
<i>BBS1</i>	52.32 +/- 8.21	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	98.98 +/- 3.48
<i>BBS10</i>	55.72 +/- 7.58	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.27	99.53 +/- 1.25
<i>BBS12</i>	56.53 +/- 8.3	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.07	99.45 +/- 1.89
<i>BBS2</i>	54.2 +/- 7.48	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.72 +/- 0.61
<i>BBS4</i>	53.63 +/- 7.86	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.09	99.52 +/- 1.37
<i>BBS5</i>	53.3 +/- 7.75	99.99 +/- 0.09	99.69 +/- 0.92	96.8 +/- 4.76
<i>BBS7</i>	56.16 +/- 7.06	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	99.64 +/- 0.95
<i>BBS9</i>	54.65 +/- 7.39	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.17 +/- 1.85
<i>BCS1L</i>	52.11 +/- 8.27	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.85 +/- 5.02
<i>BLM</i>	55.78 +/- 7.46	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.74 +/- 0.69
<i>BMP2</i>	49.85 +/- 7.29	100.0 +/- 0.0	99.74 +/- 0.79	95.94 +/- 6.54
<i>BRAF</i>	53.6 +/- 6.83	99.99 +/- 0.05	99.53 +/- 1.19	97.22 +/- 2.37
<i>BRCA2</i>	55.38 +/- 7.13	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.5 +/- 1.2
<i>BRIP1</i>	53.98 +/- 7.3	99.98 +/- 0.04	99.98 +/- 0.04	99.15 +/- 1.59
<i>BTK</i>	41.17 +/- 15.23	99.77 +/- 1.38	94.24 +/- 11.58	68.12 +/- 37.01
<i>CBL</i>	53.0 +/- 7.75	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.18	98.83 +/- 3.14
<i>CCDC186</i>	55.41 +/- 7.02	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.15	99.46 +/- 1.59
<i>CCDC8</i>	48.55 +/- 8.04	99.99 +/- 0.04	99.72 +/- 1.28	97.33 +/- 8.13

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 10x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>CDC45</i>	52.64 +/- 8.01	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.15	98.76 +/- 4.76
<i>CDC6</i>	55.78 +/- 8.14	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.67 +/- 0.81
<i>CDKN1C</i>	51.23 +/- 8.4	99.98 +/- 0.1	99.53 +/- 1.54	94.89 +/- 10.55
<i>CDT1</i>	54.73 +/- 8.66	100.0 +/- 0.0	99.82 +/- 0.9	98.13 +/- 5.89
<i>CENPJ</i>	54.75 +/- 7.38	99.99 +/- 0.03	99.98 +/- 0.04	99.29 +/- 2.17
<i>CEP152</i>	54.94 +/- 7.18	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	99.6 +/- 1.36
<i>CEP19</i>	52.77 +/- 8.03	99.98 +/- 0.04	99.95 +/- 0.11	98.88 +/- 2.94
<i>CEP290</i>	54.7 +/- 7.29	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.48 +/- 1.25
<i>CEP57</i>	55.76 +/- 7.56	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.19	99.77 +/- 0.96
<i>CEP63</i>	53.63 +/- 7.57	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.16	99.26 +/- 2.09
<i>CHD7</i>	53.95 +/- 7.71	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.23	98.79 +/- 2.42
<i>COL1A1</i>	49.25 +/- 8.17	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.45	97.55 +/- 7.02
<i>COL27A1</i>	49.84 +/- 7.7	100.0 +/- 0.0	99.75 +/- 1.18	96.56 +/- 7.07
<i>CPE</i>	54.55 +/- 7.87	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.27	98.9 +/- 2.99
<i>CREBBP</i>	49.39 +/- 7.58	99.77 +/- 0.53	98.19 +/- 2.38	92.76 +/- 5.98
<i>CRIP1</i>	54.2 +/- 7.34	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.16	99.32 +/- 2.16
<i>CUL7</i>	50.27 +/- 8.84	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.43	97.74 +/- 8.2
<i>DHCR7</i>	53.76 +/- 8.94	99.97 +/- 0.12	99.79 +/- 0.86	98.57 +/- 5.94
<i>DNA2</i>	54.37 +/- 6.97	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.55 +/- 1.15
<i>DOK7</i>	53.64 +/- 9.46	100.0 +/- 0.0	99.57 +/- 1.29	96.01 +/- 7.44
<i>DONSON</i>	55.14 +/- 7.42	100.0 +/- 0.03	99.88 +/- 0.56	98.61 +/- 3.22
<i>EP300</i>	51.71 +/- 7.42	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.34	98.17 +/- 4.82
<i>EPHX1</i>	50.41 +/- 9.09	100.0 +/- 0.0	99.88 +/- 0.83	97.02 +/- 8.42
<i>ERCC4</i>	53.68 +/- 7.5	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	99.22 +/- 1.61
<i>ERCC6</i>	54.52 +/- 7.2	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	99.41 +/- 1.57
<i>ERCC8</i>	54.54 +/- 7.47	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.43 +/- 1.25
<i>FANCA</i>	52.82 +/- 7.86	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.4	98.6 +/- 4.06
<i>FANCB</i>	42.86 +/- 15.54	99.92 +/- 0.37	95.2 +/- 7.95	70.58 +/- 35.02
<i>FANCC</i>	53.42 +/- 7.68	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.08 +/- 3.14
<i>FANCD2</i>	55.83 +/- 7.64	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.3 +/- 1.85
<i>FANCE</i>	49.65 +/- 8.35	100.0 +/- 0.0	99.84 +/- 0.67	97.27 +/- 5.94
<i>FANCF</i>	54.18 +/- 7.61	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	99.16 +/- 2.74
<i>FANCG</i>	49.71 +/- 8.2	100.0 +/- 0.0	99.73 +/- 0.95	96.29 +/- 7.14
<i>FANCI</i>	54.77 +/- 7.84	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.57 +/- 1.03
<i>FANCL</i>	55.6 +/- 7.57	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.71 +/- 0.89
<i>FANCM</i>	54.18 +/- 7.28	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.05	99.51 +/- 1.33
<i>FGD1</i>	37.92 +/- 14.79	99.39 +/- 2.32	86.59 +/- 18.4	60.78 +/- 40.36
<i>FGF8</i>	48.18 +/- 8.18	99.95 +/- 0.31	97.89 +/- 4.61	88.74 +/- 9.89
<i>FGFR1</i>	52.45 +/- 8.49	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.47	97.99 +/- 6.49
<i>FGFR3</i>	53.78 +/- 8.84	100.0 +/- 0.0	99.78 +/- 0.84	97.9 +/- 4.27
<i>FN1</i>	54.79 +/- 7.78	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.43	99.06 +/- 2.17
<i>FOXP4</i>	49.08 +/- 8.1	100.0 +/- 0.0	99.65 +/- 1.21	95.16 +/- 8.73
<i>GGPS1</i>	53.45 +/- 7.7	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	99.03 +/- 2.33
<i>GH1</i>	52.82 +/- 8.1	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.9 +/- 6.25
<i>GHR</i>	55.0 +/- 7.54	99.79 +/- 0.43	99.68 +/- 0.45	98.59 +/- 2.88
<i>GHRHR</i>	50.27 +/- 8.93	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.58	97.98 +/- 6.32

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 10x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>GHSR</i>	53.26 +/- 7.21	99.99 +/- 0.06	99.98 +/- 0.08	99.16 +/- 2.01
<i>GLI2</i>	54.46 +/- 8.6	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.29	98.24 +/- 5.05
<i>GLI3</i>	54.8 +/- 7.68	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	99.24 +/- 2.65
<i>GNAS</i>	47.03 +/- 7.06	99.83 +/- 0.62	94.82 +/- 6.95	83.43 +/- 8.94
<i>GPR161</i>	52.5 +/- 8.16	99.99 +/- 0.03	99.82 +/- 0.54	98.65 +/- 3.11
<i>HDAC8</i>	40.41 +/- 15.0	99.86 +/- 0.74	92.95 +/- 12.03	66.34 +/- 37.72
<i>HESX1</i>	55.26 +/- 7.73	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.54	99.44 +/- 2.26
<i>HMGA2</i>	50.01 +/- 7.14	100.0 +/- 0.0	98.91 +/- 2.42	93.26 +/- 7.57
<i>HRAS</i>	49.97 +/- 9.38	99.95 +/- 0.17	99.19 +/- 2.78	94.8 +/- 10.62
<i>IDUA</i>	50.12 +/- 9.17	100.0 +/- 0.0	99.59 +/- 1.62	95.77 +/- 9.73
<i>IFT172</i>	51.72 +/- 7.93	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.09	98.92 +/- 3.1
<i>IGF1</i>	55.25 +/- 7.17	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.47 +/- 1.51
<i>IGF1R</i>	53.11 +/- 7.45	100.0 +/- 0.02	99.7 +/- 0.8	98.03 +/- 3.28
<i>IGF2</i>	42.2 +/- 7.34	99.82 +/- 0.29	95.46 +/- 4.56	81.1 +/- 12.46
<i>IGFALS</i>	59.51 +/- 10.2	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	98.81 +/- 6.2
<i>IGFBP1</i>	54.97 +/- 8.11	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.71 +/- 1.06
<i>IGFBP3</i>	53.23 +/- 7.96	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.25	98.55 +/- 4.4
<i>INSR</i>	51.64 +/- 7.63	99.97 +/- 0.13	99.74 +/- 0.87	97.2 +/- 4.33
<i>IRS1</i>	52.14 +/- 7.54	100.0 +/- 0.03	99.66 +/- 0.89	97.3 +/- 4.83
<i>KANSL1</i>	58.42 +/- 9.02	100.0 +/- 0.0	99.83 +/- 0.79	98.09 +/- 4.41
<i>KDM3B</i>	52.75 +/- 7.47	100.0 +/- 0.01	99.79 +/- 0.42	97.96 +/- 3.51
<i>KDM6A</i>	41.97 +/- 15.7	99.88 +/- 0.7	93.59 +/- 9.67	68.65 +/- 35.83
<i>KMT2D</i>	49.23 +/- 8.09	100.0 +/- 0.01	99.7 +/- 0.89	95.94 +/- 7.53
<i>KRAS</i>	55.75 +/- 7.43	99.98 +/- 0.04	99.92 +/- 0.22	99.08 +/- 2.05
<i>KSR2</i>	51.76 +/- 8.1	99.99 +/- 0.04	99.9 +/- 0.2	98.3 +/- 4.02
<i>LARP7</i>	54.23 +/- 7.38	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.5 +/- 0.98
<i>LEP</i>	50.66 +/- 8.25	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.26	97.7 +/- 4.21
<i>LEPR</i>	55.96 +/- 7.49	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.09	99.54 +/- 1.12
<i>LFNG</i>	49.29 +/- 8.98	99.99 +/- 0.04	98.62 +/- 2.73	92.55 +/- 9.69
<i>LHX3</i>	51.17 +/- 8.78	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.24	97.67 +/- 6.54
<i>LHX4</i>	51.35 +/- 8.21	99.84 +/- 0.06	99.77 +/- 0.39	98.04 +/- 3.37
<i>LIG1</i>	50.81 +/- 7.84	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.55	97.52 +/- 5.57
<i>LIG4</i>	54.37 +/- 7.11	100.0 +/- 0.01	99.4 +/- 0.53	98.29 +/- 1.27
<i>LZTR1</i>	51.85 +/- 8.32	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.34	98.54 +/- 6.12
<i>MAGEL2</i>	53.34 +/- 8.38	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.23	97.98 +/- 4.46
<i>MAP2K1</i>	51.28 +/- 8.07	100.0 +/- 0.0	99.8 +/- 0.72	97.55 +/- 4.5
<i>MAP2K2</i>	50.67 +/- 8.38	100.0 +/- 0.0	99.73 +/- 1.15	95.99 +/- 8.39
<i>MAPK1</i>	54.95 +/- 7.75	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.39	98.8 +/- 2.28
<i>MC4R</i>	54.3 +/- 8.47	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.54 +/- 1.55
<i>MCM5</i>	51.53 +/- 8.04	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.49	98.24 +/- 5.13
<i>MKKS</i>	55.11 +/- 7.31	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.57 +/- 1.06
<i>MKS1</i>	50.74 +/- 8.08	100.0 +/- 0.0	99.84 +/- 1.1	98.55 +/- 4.1
<i>MRAP2</i>	53.13 +/- 7.94	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.97 +/- 2.9
<i>MRAS</i>	52.1 +/- 7.64	100.0 +/- 0.0	99.84 +/- 0.85	98.34 +/- 4.13
<i>MYT1L</i>	55.83 +/- 7.83	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.16	99.31 +/- 2.13
<i>NBN</i>	55.01 +/- 7.45	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.07	99.44 +/- 1.07

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 10x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>NIPBL</i>	54.61 +/- 6.9	100.0 +/- 0.03	99.82 +/- 0.35	98.44 +/- 1.48
<i>NLRP2</i>	53.07 +/- 8.05	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.4 +/- 2.89
<i>NLRP5</i>	53.42 +/- 7.69	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.12	99.31 +/- 2.12
<i>NLRP7</i>	53.01 +/- 8.13	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.15	99.18 +/- 3.73
<i>NOTCH2</i>	53.62 +/- 7.84	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	99.02 +/- 2.39
<i>NR0B2</i>	49.0 +/- 7.86	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.28 +/- 5.43
<i>NRAS</i>	55.97 +/- 7.41	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.65 +/- 0.83
<i>NTRK2</i>	55.28 +/- 7.46	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.19	99.56 +/- 0.99
<i>OBSL1</i>	52.21 +/- 8.71	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.55	97.57 +/- 7.48
<i>ORC1</i>	53.6 +/- 7.92	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.49 +/- 1.9
<i>ORC4</i>	56.2 +/- 7.41	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.41 +/- 1.07
<i>ORC6</i>	55.42 +/- 8.28	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.27 +/- 2.38
<i>OSGEP</i>	52.15 +/- 7.84	99.96 +/- 0.05	99.95 +/- 0.05	99.49 +/- 1.5
<i>OTX2</i>	52.09 +/- 8.29	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.91 +/- 2.84
<i>PADI6</i>	50.96 +/- 7.85	99.93 +/- 0.28	99.18 +/- 1.25	95.96 +/- 4.35
<i>PALB2</i>	53.7 +/- 7.65	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	98.7 +/- 2.37
<i>PAPPA2</i>	52.89 +/- 7.63	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.09	99.14 +/- 2.74
<i>PCNT</i>	55.97 +/- 7.93	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.16	99.27 +/- 2.67
<i>PCSK1</i>	54.52 +/- 7.61	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.41 +/- 2.0
<i>PHF6</i>	44.0 +/- 15.96	99.98 +/- 0.08	95.49 +/- 8.65	72.36 +/- 32.73
<i>PIK3R1</i>	52.74 +/- 7.63	99.98 +/- 0.09	99.59 +/- 0.57	97.62 +/- 2.31
<i>PISD</i>	55.07 +/- 8.43	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.07	99.27 +/- 3.38
<i>PITX2</i>	52.06 +/- 7.04	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.52	98.8 +/- 4.55
<i>PLAG1</i>	56.11 +/- 8.5	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.03	99.4 +/- 1.26
<i>PNPLA6</i>	52.18 +/- 8.57	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.24	97.88 +/- 5.9
<i>POC1A</i>	53.75 +/- 8.69	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	98.95 +/- 4.26
<i>POMC</i>	56.08 +/- 9.37	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.19 +/- 2.65
<i>POP1</i>	53.46 +/- 7.33	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.23 +/- 1.82
<i>POU1F1</i>	55.33 +/- 7.85	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.03	99.19 +/- 2.4
<i>PPARG</i>	54.63 +/- 7.85	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.58 +/- 2.32
<i>PPP1CB</i>	55.16 +/- 7.49	100.0 +/- 0.03	99.76 +/- 0.67	97.95 +/- 2.01
<i>PPP3CA</i>	54.53 +/- 7.41	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.31	98.17 +/- 3.88
<i>PRMT7</i>	54.39 +/- 7.86	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	98.92 +/- 3.91
<i>PROKR2</i>	53.06 +/- 8.16	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.07 +/- 2.91
<i>PROP1</i>	46.74 +/- 7.13	100.0 +/- 0.0	99.7 +/- 0.9	94.61 +/- 6.62
<i>PTPN11</i>	55.1 +/- 7.8	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.18	99.29 +/- 1.99
<i>PUF60</i>	48.42 +/- 8.66	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.43	96.01 +/- 6.9
<i>RAD21</i>	54.64 +/- 7.0	100.0 +/- 0.01	99.67 +/- 0.67	97.88 +/- 1.66
<i>RAD51</i>	53.51 +/- 7.57	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.37	99.15 +/- 2.44
<i>RAF1</i>	54.44 +/- 7.79	100.0 +/- 0.01	99.97 +/- 0.19	98.64 +/- 4.74
<i>RALA</i>	54.17 +/- 7.42	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.19	98.36 +/- 2.91
<i>RAP1B</i>	54.6 +/- 7.57	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.25	99.08 +/- 1.46
<i>RAPSN</i>	51.02 +/- 7.7	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.67 +/- 3.1
<i>RASA2</i>	54.12 +/- 7.2	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.25	99.16 +/- 1.33
<i>RBBP8</i>	54.22 +/- 7.24	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.14	99.0 +/- 2.1
<i>RIT1</i>	53.48 +/- 7.17	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.09	99.04 +/- 2.14

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 10x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>RNPC3</i>	54.07 +/- 7.12	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.02	98.9 +/- 2.52
<i>ROR2</i>	53.87 +/- 7.8	99.97 +/- 0.05	99.93 +/- 0.19	98.7 +/- 4.19
<i>RPL10</i>	42.12 +/- 16.23	99.89 +/- 0.5	92.9 +/- 13.36	69.02 +/- 37.06
<i>RPS6KA3</i>	43.43 +/- 16.22	99.83 +/- 0.37	94.55 +/- 8.87	70.66 +/- 33.91
<i>RRAS</i>	46.2 +/- 7.87	100.0 +/- 0.0	99.3 +/- 2.07	93.15 +/- 12.2
<i>RRAS2</i>	53.71 +/- 7.41	100.0 +/- 0.0	99.78 +/- 1.01	98.47 +/- 4.02
<i>RTTN</i>	55.49 +/- 7.49	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	99.29 +/- 1.69
<i>SAMD9</i>	54.35 +/- 7.24	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.4 +/- 1.64
<i>SDCCAG8</i>	55.14 +/- 7.42	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.53 +/- 1.56
<i>SETD5</i>	52.28 +/- 7.37	99.98 +/- 0.12	99.56 +/- 0.54	96.97 +/- 2.94
<i>SGMS2</i>	55.01 +/- 7.33	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.19	99.1 +/- 1.73
<i>SH2B1</i>	48.75 +/- 8.38	99.95 +/- 0.08	99.73 +/- 1.25	96.29 +/- 7.99
<i>SHOC2</i>	54.89 +/- 7.41	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.29	99.22 +/- 0.88
<i>SHOX</i>	51.15 +/- 7.42	99.72 +/- 0.46	98.11 +/- 1.86	93.63 +/- 6.83
<i>SHOX2</i>	50.09 +/- 6.96	100.0 +/- 0.0	99.79 +/- 0.66	96.64 +/- 6.29
<i>SIM1</i>	55.23 +/- 7.6	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.48 +/- 1.86
<i>SLX4</i>	52.77 +/- 7.85	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.1	98.83 +/- 4.37
<i>SMARCA2</i>	54.14 +/- 7.9	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.2	99.15 +/- 2.54
<i>SMARCAL1</i>	52.76 +/- 7.56	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.21	98.85 +/- 3.15
<i>SMARCE1</i>	55.13 +/- 7.67	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.51 +/- 1.33
<i>SMC1A</i>	41.02 +/- 15.84	99.84 +/- 0.83	92.34 +/- 13.41	66.35 +/- 38.19
<i>SMC3</i>	55.9 +/- 7.41	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.72 +/- 0.77
<i>SOS1</i>	53.8 +/- 7.38	100.0 +/- 0.0	99.69 +/- 0.98	97.98 +/- 3.04
<i>SOS2</i>	54.68 +/- 7.19	99.99 +/- 0.04	99.78 +/- 0.76	98.52 +/- 2.17
<i>SOX11</i>	50.63 +/- 7.2	99.98 +/- 0.04	99.48 +/- 1.41	94.86 +/- 6.55
<i>SOX2</i>	48.55 +/- 6.93	100.0 +/- 0.0	99.81 +/- 0.54	95.32 +/- 7.31
<i>SOX3</i>	37.81 +/- 14.98	98.86 +/- 5.25	85.73 +/- 21.08	60.87 +/- 40.35
<i>SPRED1</i>	54.97 +/- 7.22	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.23	99.04 +/- 1.38
<i>SPRED2</i>	53.15 +/- 7.62	99.99 +/- 0.09	99.81 +/- 0.74	97.61 +/- 4.14
<i>SRCAP</i>	50.57 +/- 8.02	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.31	98.0 +/- 5.68
<i>STAT5B</i>	52.97 +/- 7.32	99.98 +/- 0.12	99.86 +/- 0.52	98.69 +/- 2.22
<i>TALDO1</i>	51.29 +/- 9.24	100.0 +/- 0.0	99.73 +/- 0.81	95.51 +/- 7.1
<i>TBCE</i>	55.0 +/- 8.14	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.46 +/- 1.54
<i>TBX19</i>	53.62 +/- 8.36	100.0 +/- 0.02	99.86 +/- 0.83	98.93 +/- 4.4
<i>TBX2</i>	49.07 +/- 8.64	99.96 +/- 0.28	99.15 +/- 2.02	94.31 +/- 9.2
<i>TBX3</i>	52.11 +/- 7.28	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.13	98.93 +/- 4.06
<i>THRB</i>	54.04 +/- 7.44	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	99.09 +/- 2.66
<i>TOP3A</i>	52.85 +/- 7.9	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.12	98.97 +/- 2.87
<i>TRIM32</i>	54.97 +/- 7.88	100.0 +/- 0.0	99.83 +/- 0.45	98.45 +/- 2.54
<i>TRIM37</i>	56.08 +/- 7.54	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.21	99.52 +/- 1.68
<i>TRMT10A</i>	55.86 +/- 7.36	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.15	99.52 +/- 1.36
<i>TTC8</i>	55.05 +/- 7.69	100.0 +/- 0.0	99.87 +/- 0.7	99.14 +/- 2.09
<i>TUB</i>	52.66 +/- 7.86	100.0 +/- 0.0	99.8 +/- 0.74	98.29 +/- 4.17
<i>UBE2T</i>	54.65 +/- 8.31	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.42 +/- 1.7
<i>VPS13B</i>	55.04 +/- 7.2	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.62 +/- 1.05
<i>VPS50</i>	54.49 +/- 7.52	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.14	99.25 +/- 1.99
<i>WDPCP</i>	55.05 +/- 7.5	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.16	99.43 +/- 1.45

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 10x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>WRN</i>	54.77 +/- 7.05	99.98 +/- 0.07	99.82 +/- 0.25	98.72 +/- 1.66
<i>XRCC4</i>	56.31 +/- 7.19	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.55 +/- 1.17
<i>ZFP57</i>	50.34 +/- 8.55	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.39 +/- 4.07
<i>ZNF668</i>	56.63 +/- 10.3	100.0 +/- 0.0	99.86 +/- 0.58	98.06 +/- 6.14

For supplerende oplysninger vedrørende analysen kan afdelingen kontaktes på mail: mol-dia@rn.dk. Rapport genereret: 09/09-2024