

Gener relateret til børnecancer (WGS)

Panelbeskrivelse

Navn: Gener relateret til børnecancer (WGS)

version: 1.2

Ibrugtagningsdato: 02/01-2023

Metodebeskrivelse: Analysen udføres ved helgenomsekventering (WGS) med Illumina PCR free library prep (tagmentation) og Illumina sekventering (Novaseq). Efterfølgende foretages in silico filtrering af data til relevante genregioner baseret på nedenstående tabel. Middelsekventeringsdybden er minimum 30X, og minimumsandelens af de kodede regioner der dækket minimum 10X er 90 %.

Genliste

Gener hvor middelsekventeringsdybden er < 30X er markeret med¹. Gener, hvor andelen af de kodede regioner der dækket minimum 10X er < 90 % er markeret med². Værdier er angivet med +/- standardafvigelse.

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 10x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>A2ML1</i>	53.82 +/- 7.61	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.42 +/- 2.22
<i>ABCB11</i>	52.87 +/- 7.46	99.97 +/- 0.05	99.94 +/- 0.14	99.21 +/- 1.76
<i>ACD</i>	47.58 +/- 8.13	100.0 +/- 0.0	99.87 +/- 0.64	96.66 +/- 8.72
<i>AIP</i>	54.51 +/- 9.05	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.23 +/- 3.68
<i>AKT1</i>	51.36 +/- 9.14	99.96 +/- 0.25	99.28 +/- 1.87	95.4 +/- 7.85
<i>ALK</i>	51.9 +/- 7.99	100.0 +/- 0.0	99.82 +/- 0.37	97.68 +/- 3.94
<i>APC</i>	53.97 +/- 7.34	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.02	99.57 +/- 1.02
<i>ATM</i>	55.39 +/- 7.08	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.03	99.5 +/- 0.98
<i>AXIN2</i>	52.73 +/- 8.02	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.19	98.1 +/- 4.74
<i>BAP1</i>	51.73 +/- 8.63	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.4	98.42 +/- 4.82
<i>BARD1</i>	54.98 +/- 7.1	100.0 +/- 0.02	99.99 +/- 0.03	99.56 +/- 1.09
<i>BLM</i>	55.78 +/- 7.46	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.74 +/- 0.69
<i>BMPR1A</i>	56.23 +/- 7.27	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.25	98.53 +/- 2.38
<i>BRAF</i>	53.6 +/- 6.83	99.99 +/- 0.05	99.53 +/- 1.19	97.22 +/- 2.37
<i>BRCA1</i>	53.91 +/- 7.47	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.03	99.32 +/- 1.65
<i>BRCA2</i>	55.38 +/- 7.13	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.5 +/- 1.2
<i>BRIP1</i>	53.98 +/- 7.3	99.98 +/- 0.04	99.98 +/- 0.04	99.15 +/- 1.59
<i>BUB1B</i>	54.55 +/- 7.74	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.26 +/- 1.89
<i>CBL</i>	53.0 +/- 7.75	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.18	98.83 +/- 3.14
<i>CD27</i>	46.33 +/- 8.56	100.0 +/- 0.0	99.8 +/- 1.09	95.26 +/- 11.7
<i>CD70</i>	48.93 +/- 8.46	100.0 +/- 0.0	99.87 +/- 0.7	96.8 +/- 8.5
<i>CDC73</i>	54.46 +/- 7.48	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	99.13 +/- 2.0
<i>CDH1</i>	53.67 +/- 7.53	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.2 +/- 2.16
<i>CDK4</i>	55.77 +/- 7.88	100.0 +/- 0.01	100.0 +/- 0.01	99.29 +/- 3.22
<i>CDKN1B</i>	52.14 +/- 7.61	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.25	98.02 +/- 4.01
<i>CDKN1C</i>	51.23 +/- 8.4	99.98 +/- 0.1	99.53 +/- 1.54	94.89 +/- 10.55
<i>CDKN2A</i>	52.8 +/- 8.01	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.05 +/- 5.71
<i>CDKN2B</i>	55.08 +/- 7.63	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.5 +/- 1.63
<i>CEBPA</i>	45.67 +/- 7.75	99.99 +/- 0.04	98.86 +/- 3.5	90.92 +/- 13.74
<i>CEP57</i>	55.76 +/- 7.56	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.19	99.77 +/- 0.96
<i>CHEK2</i>	53.5 +/- 7.17	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.51 +/- 1.4

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 10x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>CREBBP</i>	49.39 +/- 7.58	99.77 +/- 0.53	98.19 +/- 2.38	92.76 +/- 5.98
<i>CTC1</i>	50.94 +/- 7.91	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.24	98.53 +/- 4.52
<i>CTLA4</i>	52.19 +/- 8.15	99.78 +/- 0.44	99.22 +/- 0.76	97.23 +/- 2.41
<i>CTNNA1</i>	54.28 +/- 7.45	100.0 +/- 0.01	99.96 +/- 0.22	99.33 +/- 2.67
<i>CTR9</i>	55.39 +/- 7.48	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.48 +/- 1.39
<i>DDB2</i>	48.78 +/- 7.9	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.12	97.58 +/- 6.93
<i>DICER1</i>	55.34 +/- 7.48	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.17	99.3 +/- 1.67
<i>DIS3L2</i>	53.22 +/- 8.0	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	98.73 +/- 2.91
<i>DKC1</i>	42.47 +/- 15.93	99.94 +/- 0.32	93.3 +/- 13.12	69.97 +/- 35.49
<i>DPYD</i>	55.78 +/- 7.86	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.26 +/- 1.75
<i>EGLN1</i>	51.85 +/- 7.44	100.0 +/- 0.0	99.53 +/- 1.52	96.2 +/- 6.43
<i>EGLN2</i>	52.48 +/- 9.57	100.0 +/- 0.0	99.66 +/- 1.32	96.9 +/- 6.0
<i>ELP1</i>	54.83 +/- 7.55	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.08	99.33 +/- 1.55
<i>EPAS1</i>	51.8 +/- 7.63	99.99 +/- 0.06	99.82 +/- 0.64	97.79 +/- 4.78
<i>EPCAM</i>	54.83 +/- 7.26	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.39	98.5 +/- 4.07
<i>ERCC2</i>	49.53 +/- 8.41	99.98 +/- 0.04	99.8 +/- 0.64	96.83 +/- 6.71
<i>ERCC3</i>	52.37 +/- 7.58	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.13 +/- 2.26
<i>ERCC4</i>	53.68 +/- 7.5	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	99.22 +/- 1.61
<i>ERCC5</i>	54.36 +/- 7.36	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.45 +/- 1.43
<i>ETV6</i>	49.91 +/- 7.75	100.0 +/- 0.0	99.85 +/- 0.66	96.75 +/- 5.0
<i>EXT1</i>	52.24 +/- 7.53	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.19	98.56 +/- 2.6
<i>EXT2</i>	54.14 +/- 7.95	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.06	99.22 +/- 2.38
<i>EZH2</i>	55.83 +/- 7.44	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.28 +/- 1.4
<i>FANCA</i>	52.82 +/- 7.86	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.4	98.6 +/- 4.06
<i>FANCB</i>	42.86 +/- 15.54	99.92 +/- 0.37	95.2 +/- 7.95	70.58 +/- 35.02
<i>FANCC</i>	53.42 +/- 7.68	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.08 +/- 3.14
<i>FANCD2</i>	55.83 +/- 7.64	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.3 +/- 1.85
<i>FANCE</i>	49.65 +/- 8.35	100.0 +/- 0.0	99.84 +/- 0.67	97.27 +/- 5.94
<i>FANCF</i>	54.18 +/- 7.61	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	99.16 +/- 2.74
<i>FANCG</i>	49.71 +/- 8.2	100.0 +/- 0.0	99.73 +/- 0.95	96.29 +/- 7.14
<i>FANCI</i>	54.77 +/- 7.84	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.57 +/- 1.03
<i>FANCL</i>	55.6 +/- 7.57	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.71 +/- 0.89
<i>FANCM</i>	54.18 +/- 7.28	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.05	99.51 +/- 1.33
<i>FAS</i>	54.37 +/- 8.17	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.12 +/- 2.25
<i>FBXW7</i>	53.22 +/- 6.96	100.0 +/- 0.0	99.75 +/- 1.07	97.12 +/- 4.7
<i>FH</i>	56.06 +/- 7.36	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.56 +/- 1.52
<i>FLCN</i>	51.09 +/- 7.89	100.0 +/- 0.0	99.89 +/- 0.62	97.75 +/- 7.26
<i>GATA2</i>	51.81 +/- 8.13	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.26	97.87 +/- 5.66
<i>GPC3</i>	40.46 +/- 15.3	99.98 +/- 0.09	90.14 +/- 14.69	65.68 +/- 39.08
<i>GPR161</i>	52.5 +/- 8.16	99.99 +/- 0.03	99.82 +/- 0.54	98.65 +/- 3.11
<i>GREM1</i>	53.13 +/- 7.57	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.13	98.88 +/- 2.24
<i>HAVCR2</i>	53.5 +/- 7.78	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.26 +/- 2.4
<i>HRAS</i>	49.97 +/- 9.38	99.95 +/- 0.17	99.19 +/- 2.78	94.8 +/- 10.62
<i>IKZF1</i>	55.04 +/- 7.62	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.14	99.35 +/- 2.02
<i>ITK</i>	53.13 +/- 7.72	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.42 +/- 1.22
<i>KIT</i>	55.59 +/- 7.65	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.47 +/- 1.9

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 10x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>KRAS</i>	55.75 +/- 7.43	99.98 +/- 0.04	99.92 +/- 0.22	99.08 +/- 2.05
<i>LIG4</i>	54.37 +/- 7.11	100.0 +/- 0.01	99.4 +/- 0.53	98.29 +/- 1.27
<i>LZTR1</i>	51.85 +/- 8.32	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.34	98.54 +/- 6.12
<i>MAD2L2</i>	52.07 +/- 9.07	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.07	98.35 +/- 5.08
<i>MAP2K1</i>	51.28 +/- 8.07	100.0 +/- 0.0	99.8 +/- 0.72	97.55 +/- 4.5
<i>MAP2K2</i>	50.67 +/- 8.38	100.0 +/- 0.0	99.73 +/- 1.15	95.99 +/- 8.39
<i>MAX</i>	52.87 +/- 8.21	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.43	98.43 +/- 3.46
<i>MBD4</i>	54.71 +/- 7.98	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.51 +/- 1.1
<i>MC1R</i>	51.91 +/- 8.78	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.25	98.2 +/- 7.36
<i>MDH2</i>	53.32 +/- 8.07	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.29 +/- 1.86
<i>MEN1</i>	49.7 +/- 8.05	100.0 +/- 0.0	99.86 +/- 0.57	96.63 +/- 7.2
<i>MET</i>	55.21 +/- 7.4	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.26	99.43 +/- 1.3
<i>MITF</i>	55.39 +/- 7.95	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.3 +/- 1.73
<i>MLH1</i>	53.23 +/- 7.8	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.09	99.25 +/- 2.39
<i>MLH3</i>	54.54 +/- 7.61	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.58 +/- 0.79
<i>MSH2</i>	54.71 +/- 6.83	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.49 +/- 1.08
<i>MSH3</i>	53.75 +/- 7.25	99.97 +/- 0.11	99.77 +/- 0.49	98.09 +/- 2.45
<i>MSH6</i>	53.66 +/- 7.39	100.0 +/- 0.0	99.87 +/- 0.64	98.86 +/- 2.8
<i>MUTYH</i>	52.22 +/- 8.18	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.07	99.14 +/- 3.03
<i>NBN</i>	55.01 +/- 7.45	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.07	99.44 +/- 1.07
<i>NF1</i>	54.59 +/- 7.42	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.24	98.78 +/- 1.8
<i>NF2</i>	52.6 +/- 8.13	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.46	98.92 +/- 3.16
<i>NHP2</i>	52.61 +/- 7.69	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.95 +/- 3.65
<i>NOP10</i>	51.37 +/- 8.73	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.18	99.74 +/- 0.75
<i>NRAS</i>	55.97 +/- 7.41	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.65 +/- 0.83
<i>NSD1</i>	52.15 +/- 7.88	100.0 +/- 0.0	99.78 +/- 0.59	98.18 +/- 3.22
<i>NTHL1</i>	53.11 +/- 9.31	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.94 +/- 4.34
<i>NYNRIN</i>	51.44 +/- 8.09	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.39	98.6 +/- 4.13
<i>PALB2</i>	53.7 +/- 7.65	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	98.7 +/- 2.37
<i>PARN</i>	55.21 +/- 7.69	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.37	99.31 +/- 2.15
<i>PAX5</i>	50.35 +/- 8.01	100.0 +/- 0.0	99.87 +/- 0.5	97.48 +/- 5.95
<i>PHOX2B</i>	49.67 +/- 7.93	100.0 +/- 0.0	99.83 +/- 1.04	97.9 +/- 6.65
<i>PIK3CA</i>	53.93 +/- 7.08	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.17	98.99 +/- 1.58
<i>PMS1</i>	54.52 +/- 7.11	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.71 +/- 0.79
<i>PMS2</i>	48.89 +/- 7.79	98.31 +/- 1.97	96.36 +/- 3.87	90.25 +/- 7.27
<i>POLD1</i>	52.38 +/- 8.54	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.35	97.4 +/- 5.08
<i>POLE</i>	52.9 +/- 8.21	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.27	98.51 +/- 5.65
<i>POLH</i>	53.72 +/- 8.09	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.13	98.96 +/- 2.53
<i>POT1</i>	55.51 +/- 7.48	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.62 +/- 1.32
<i>PRKAR1A</i>	54.9 +/- 7.03	100.0 +/- 0.0	99.88 +/- 0.57	99.47 +/- 1.56
<i>PTCH1</i>	52.9 +/- 7.4	100.0 +/- 0.0	99.8 +/- 0.72	97.29 +/- 5.08
<i>PTCH2</i>	51.14 +/- 8.55	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.25	97.97 +/- 6.22
<i>PTEN</i>	54.68 +/- 6.95	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.28	98.97 +/- 2.41
<i>PTPN11</i>	55.1 +/- 7.8	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.18	99.29 +/- 1.99
<i>RAD50</i>	53.67 +/- 7.35	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.33 +/- 1.38
<i>RAD51</i>	53.51 +/- 7.57	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.37	99.15 +/- 2.44

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 10x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>RAD51B</i>	53.81 +/- 7.15	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.19	99.32 +/- 2.09
<i>RAD51C</i>	54.82 +/- 7.37	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.58 +/- 1.43
<i>RAD51D</i>	53.2 +/- 7.79	100.0 +/- 0.01	99.98 +/- 0.09	98.93 +/- 2.97
<i>RAF1</i>	54.44 +/- 7.79	100.0 +/- 0.01	99.97 +/- 0.19	98.64 +/- 4.74
<i>RB1</i>	54.88 +/- 7.04	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.31	98.93 +/- 1.78
<i>RECQL4</i>	54.47 +/- 8.82	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.38	98.31 +/- 5.6
<i>REST</i>	54.67 +/- 7.14	100.0 +/- 0.0	99.78 +/- 0.51	98.18 +/- 2.83
<i>RET</i>	52.09 +/- 8.29	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.12	98.51 +/- 3.77
<i>RFWD3</i>	52.48 +/- 7.27	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.11	99.13 +/- 2.13
<i>RIT1</i>	53.48 +/- 7.17	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.09	99.04 +/- 2.14
<i>RNF43</i>	52.79 +/- 7.62	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.03	99.09 +/- 2.73
<i>RPL11</i>	52.26 +/- 7.08	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.39 +/- 2.1
<i>RPL35A</i>	54.17 +/- 8.64	100.0 +/- 0.03	100.0 +/- 0.03	99.24 +/- 2.23
<i>RPL5</i>	54.57 +/- 7.5	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.03 +/- 3.97
<i>RPS10</i>	51.3 +/- 8.87	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.27 +/- 5.14
<i>RPS17</i>	51.27 +/- 8.18	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.05 +/- 3.63
<i>RPS19</i>	52.48 +/- 8.42	100.0 +/- 0.0	99.83 +/- 1.12	98.58 +/- 6.11
<i>RPS20</i>	50.85 +/- 7.67	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	98.76 +/- 4.25
<i>RPS24</i>	52.19 +/- 8.24	100.0 +/- 0.0	99.87 +/- 0.86	98.93 +/- 2.45
<i>RPS26</i>	51.54 +/- 7.32	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.21 +/- 2.17
<i>RPS7</i>	51.97 +/- 7.81	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	98.25 +/- 5.23
<i>RTEL1</i>	52.82 +/- 8.9	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.07	98.89 +/- 3.71
<i>RUNX1</i>	52.94 +/- 7.33	99.99 +/- 0.05	99.8 +/- 0.75	98.13 +/- 3.64
<i>SAMD9</i>	54.35 +/- 7.24	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.4 +/- 1.64
<i>SAMD9L</i>	54.93 +/- 7.45	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.5 +/- 1.07
<i>SBDS</i>	53.7 +/- 7.47	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.52 +/- 1.86
<i>SDHA</i>	55.27 +/- 7.72	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.15	99.24 +/- 2.22
<i>SDHAF2</i>	54.62 +/- 7.93	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.43	99.7 +/- 1.01
<i>SDHB</i>	52.39 +/- 7.7	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.07 +/- 2.8
<i>SDHC</i>	52.69 +/- 7.64	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.15 +/- 2.23
<i>SDHD</i>	55.63 +/- 8.2	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.68 +/- 1.43
<i>SEC23B</i>	54.55 +/- 7.51	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.61 +/- 1.12
<i>SETBP1</i>	52.31 +/- 7.32	99.99 +/- 0.07	99.77 +/- 0.39	97.96 +/- 3.49
<i>SH2D1A</i>	43.5 +/- 15.93	99.94 +/- 0.42	94.31 +/- 8.93	71.37 +/- 33.53
<i>SHOC2</i>	54.89 +/- 7.41	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.29	99.22 +/- 0.88
<i>SLX4</i>	52.77 +/- 7.85	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.1	98.83 +/- 4.37
<i>SMAD4</i>	54.51 +/- 7.48	99.99 +/- 0.03	99.8 +/- 0.66	98.74 +/- 2.31
<i>SMARCA4</i>	53.26 +/- 8.19	99.98 +/- 0.11	99.77 +/- 0.87	97.8 +/- 6.05
<i>SMARCB1</i>	52.1 +/- 9.02	99.99 +/- 0.07	99.58 +/- 0.74	97.54 +/- 4.35
<i>SMARCE1</i>	55.13 +/- 7.67	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.51 +/- 1.33
<i>SOS1</i>	53.8 +/- 7.38	100.0 +/- 0.0	99.69 +/- 0.98	97.98 +/- 3.04
<i>SPRED1</i>	54.97 +/- 7.22	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.23	99.04 +/- 1.38
<i>STK11</i>	51.21 +/- 9.33	100.0 +/- 0.0	99.22 +/- 2.26	93.15 +/- 9.85
<i>SUFU</i>	50.69 +/- 7.73	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.28	97.9 +/- 4.63
<i>TERF2IP</i>	53.01 +/- 7.94	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.57	98.6 +/- 4.37
<i>TERT</i>	57.26 +/- 9.25	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.05 +/- 2.76

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 10x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>TINF2</i>	51.29 +/- 8.05	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	97.99 +/- 6.43
<i>TMEM127</i>	51.27 +/- 8.54	100.0 +/- 0.0	99.87 +/- 0.76	97.04 +/- 9.7
<i>TP53</i>	50.93 +/- 8.05	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.43	98.55 +/- 3.7
<i>TRIM28</i>	49.69 +/- 7.99	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.34	97.64 +/- 5.2
<i>TRIM37</i>	56.08 +/- 7.54	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.21	99.52 +/- 1.68
<i>TRIP13</i>	54.74 +/- 8.43	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.55	99.08 +/- 2.32
<i>TSC1</i>	54.27 +/- 7.64	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.03	99.26 +/- 2.15
<i>TSC2</i>	54.73 +/- 8.78	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.09	98.65 +/- 5.08
<i>UBE2T</i>	54.65 +/- 8.31	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.42 +/- 1.7
<i>USB1</i>	47.37 +/- 7.55	100.0 +/- 0.0	99.35 +/- 1.87	92.39 +/- 10.09
<i>VHL</i>	51.94 +/- 7.49	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.15	97.79 +/- 3.19
<i>WAS</i>	36.39 +/- 14.17	99.35 +/- 2.48	85.76 +/- 20.61	59.56 +/- 41.46
<i>WRAP53</i>	49.4 +/- 8.76	100.0 +/- 0.0	99.84 +/- 1.09	97.09 +/- 7.34
<i>WT1</i>	51.71 +/- 7.66	99.98 +/- 0.13	99.27 +/- 1.56	95.91 +/- 5.58
<i>XPA</i>	55.18 +/- 7.69	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	99.28 +/- 2.4
<i>XPC</i>	50.13 +/- 8.42	100.0 +/- 0.0	99.85 +/- 0.58	96.63 +/- 5.54
<i>XRCC2</i>	55.09 +/- 7.71	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.07	99.3 +/- 1.64

For supplerende oplysninger vedrørende analysen kan afdelingen kontaktes på mail: mol-dia@rn.dk. Rapport genereret: 09/09-2024