

Analyse af gener relevant ved mistanke om syndromisk hørenedsættelse

Panelbeskrivelse

Navn: Analyse af gener relevant ved mistanke om syndromisk hørenedsættelse

Antal gener: 499

version: 2.0

Ibrugtagningsdato: 2024-11-07

Metodebeskrivelse: Prøveforberedelse og sekventering: Der udføres helgenomsekventering (WGS) med Illumina PCR free library prep (tagmentation) og Illumina sekventering (NovaSeq). Middelsekventeringsdybden for analysen er minimum 30X og minimumsandelen af genomet, der er dækket minimum 15X, er 95 %. Middelsekventeringsdybden og andelen, der i gennemsnit er dækket minimum 15X, for de enkelte gener kan ses i nedenstående tabel.

Dataanalyse: Referencegenom: hg38. Alignment og variantkald foretages med hhv. BWA og GATK. Data analyseres for strukturelle varianter vha. Manta og GATK-gCNV. Der foretages *in silico* filtrering af data til relevante genregioner baseret på nedenstående tabel. Varianter med allelfrekvens mindre end 15% filtreres som udgangspunkt fra. For de anførte gener undersøges der for varianter i de proteinkodende regioner og de nærmeste 10 bp i de tilstødende ikke-proteinkodende regioner, samt varianter i ikke-proteinkodende regioner indberettet som sandsynlig patogene (C4) eller patogene (C5) i ClinVar. Varianter klassificeres iht. ACMGs klassifikationsguideline (PMID: 25741868), og hvis tilgængelig og relevant benyttes ClinGens genspecifikke guideline. Varianter af ukendt klinisk betydning (C3) anføres kun i svaret, hvis de vurderes relevante i forhold til sygdomsbilledet. Anlægsbærerstatus for recessiv sygdom rapporteres ikke nødvendigvis. Genomsekventering er en screeningsmetode, og ikke alle varianter kan med sikkerhed identificeres. Den udførte analyse har ikke samme sensitivitet som DNA-microarrayanalyse ift. strukturelle varianter.

Genliste

Gener, hvor middelsekventeringsdybden er < 30X, er markeret med¹. Gener, hvor andelen af de kodede regioner, der dækket minimum 15X, er < 95 % er markeret med². Gener, der derudover vides at være suboptimalt dækket, er markeret med³. Værdier er angivet med +/- standardafvigelse.

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 15x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
ABCC1	51.21 +/- 7.96	100.0 +/- 0.0	99.79 +/- 0.53	96.61 +/- 4.82
ABHD12	50.57 +/- 8.62	100.0 +/- 0.01	99.74 +/- 0.8	96.96 +/- 6.38
ABHD5	55.97 +/- 7.85	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	99.6 +/- 1.04
ABR	51.06 +/- 8.44	100.0 +/- 0.0	99.42 +/- 1.12	95.77 +/- 6.15
ACAN ²	44.64 +/- 7.05	89.15 +/- 1.15	87.01 +/- 0.85	84.21 +/- 4.62
ACTB	52.67 +/- 9.59	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.13	98.33 +/- 4.59
ACTG1	50.51 +/- 9.23	100.0 +/- 0.0	99.86 +/- 0.67	97.56 +/- 4.62
ADCY1	51.6 +/- 7.83	99.91 +/- 0.36	99.3 +/- 1.07	96.93 +/- 4.62
ADGRV1	54.8 +/- 7.41	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	99.49 +/- 1.01
AFG2A	55.12 +/- 7.2	99.98 +/- 0.04	99.91 +/- 0.27	99.32 +/- 2.73
AFG2B	53.18 +/- 8.08	100.0 +/- 0.0	99.87 +/- 0.64	98.07 +/- 6.1
AIFM1	40.89 +/- 15.81	99.86 +/- 0.59	91.64 +/- 13.41	65.89 +/- 38.83
ALDH1A2	54.03 +/- 7.81	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.22 +/- 2.19
ALMS1	53.24 +/- 7.52	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.06	99.18 +/- 1.66
AMMECR1	42.61 +/- 15.82	99.89 +/- 0.42	93.93 +/- 10.1	69.38 +/- 35.09
ANKH	53.92 +/- 8.24	99.94 +/- 0.18	99.66 +/- 0.41	98.22 +/- 2.48
ANKRD11	51.64 +/- 7.84	99.96 +/- 0.25	99.12 +/- 1.83	95.6 +/- 5.63
AP1S1	48.22 +/- 8.29	100.0 +/- 0.0	99.81 +/- 0.9	95.14 +/- 8.63
AP3D1	54.84 +/- 8.97	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.18	98.2 +/- 6.19
APAF1	53.95 +/- 7.35	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.3	98.96 +/- 2.93

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 15x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
AQP4	55.58 +/- 7.54	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.64 +/- 1.16
ARID1A	49.45 +/- 7.54	99.94 +/- 0.26	98.92 +/- 2.17	93.07 +/- 7.45
ARID1B	50.67 +/- 7.13	99.97 +/- 0.12	98.93 +/- 2.58	93.58 +/- 5.86
ARSB	52.71 +/- 8.31	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.27	98.79 +/- 3.51
ARSG	52.08 +/- 8.05	100.0 +/- 0.0	99.87 +/- 0.6	98.46 +/- 3.84
ATF2	55.84 +/- 7.76	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.48 +/- 1.0
ATOH1	53.13 +/- 7.43	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.75 +/- 4.79
ATP1A2	51.77 +/- 7.93	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	98.68 +/- 5.18
ATP1A3	48.22 +/- 8.29	100.0 +/- 0.0	99.67 +/- 0.84	95.22 +/- 8.1
ATP2B2	51.4 +/- 7.76	100.0 +/- 0.0	99.81 +/- 0.44	97.53 +/- 4.73
ATP6V0A4	52.12 +/- 7.62	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.07	99.12 +/- 2.0
ATP6V1B1	49.6 +/- 8.58	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.26	97.15 +/- 6.98
ATP6V1B2	54.79 +/- 7.39	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.19 +/- 2.55
ATP8B1	53.71 +/- 7.24	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.06	99.02 +/- 2.59
AXIN1	53.22 +/- 8.45	100.0 +/- 0.02	99.59 +/- 1.1	96.1 +/- 5.09
BARHL1	49.36 +/- 9.04	100.0 +/- 0.0	99.22 +/- 2.9	94.93 +/- 10.22
BBS1	52.34 +/- 8.31	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	98.98 +/- 3.48
BBS4	53.66 +/- 8.02	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.09	99.52 +/- 1.37
BCAP31	38.02 +/- 15.4	99.73 +/- 1.47	88.22 +/- 16.85	60.73 +/- 39.33
BCR	42.76 +/- 6.97	96.97 +/- 4.0	91.18 +/- 7.77	79.92 +/- 12.17
BCS1L	52.14 +/- 8.4	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.85 +/- 5.02
BDNF	53.02 +/- 6.71	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.03	99.05 +/- 1.6
BDP1	54.7 +/- 7.17	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	99.44 +/- 1.47
BLOC1S5	54.06 +/- 7.99	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.24 +/- 2.3
BLOC1S6	56.96 +/- 7.18	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.83 +/- 0.43
BMP4	54.45 +/- 8.03	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.78 +/- 3.56
BSN	52.5 +/- 8.32	100.0 +/- 0.0	99.84 +/- 0.55	97.95 +/- 6.29
BSND	51.96 +/- 8.18	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.37	98.67 +/- 4.94
BTD	54.43 +/- 8.0	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.02	99.44 +/- 1.81
CABP2	50.55 +/- 8.03	100.0 +/- 0.0	99.7 +/- 1.22	96.62 +/- 10.07
CACNA1D	53.11 +/- 8.01	99.99 +/- 0.03	99.86 +/- 0.41	98.66 +/- 3.17
CACNB2	54.16 +/- 7.67	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	98.89 +/- 2.61
CACNG2	49.77 +/- 7.43	99.95 +/- 0.05	99.58 +/- 1.36	96.19 +/- 6.36
CASP3	55.37 +/- 7.05	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.1	99.44 +/- 1.24
CATSPER2	48.43 +/- 12.82	97.72 +/- 14.33	95.64 +/- 16.17	88.3 +/- 22.15
CCDC50	54.28 +/- 7.58	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.03	99.07 +/- 1.91
CD151	51.9 +/- 9.4	99.88 +/- 0.1	99.79 +/- 0.42	97.49 +/- 7.29
CD164	54.97 +/- 8.0	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.08	99.08 +/- 2.64
CDC14A	54.09 +/- 7.55	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.4	98.52 +/- 3.94
CDC6	55.81 +/- 8.32	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.67 +/- 0.81
CDH23	51.33 +/- 8.46	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.35	97.81 +/- 5.4
CDKN1B	52.19 +/- 7.82	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.25	98.02 +/- 4.01
CDKN2D	46.09 +/- 8.65	100.0 +/- 0.0	99.14 +/- 3.25	94.2 +/- 11.45
CDT1	54.7 +/- 8.66	100.0 +/- 0.0	99.82 +/- 0.9	98.12 +/- 5.89
CEACAM16	52.28 +/- 8.14	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	98.42 +/- 4.07
CELSR1	54.2 +/- 8.31	100.0 +/- 0.0	99.84 +/- 0.5	97.69 +/- 5.12

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 15x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>CEP250</i>	52.33 +/- 8.0	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.34	98.65 +/- 4.62
<i>CEP78</i>	55.8 +/- 7.38	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.1	99.49 +/- 1.18
<i>CHD7</i>	53.94 +/- 7.9	100.0 +/- 0.0	99.89 +/- 0.31	98.68 +/- 2.47
<i>CHRNA9</i>	53.98 +/- 8.81	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.39 +/- 2.5
<i>CHSY1</i>	52.66 +/- 7.1	99.93 +/- 0.38	99.26 +/- 2.56	96.97 +/- 5.41
<i>CIB2</i>	49.14 +/- 8.82	99.9 +/- 0.0	99.68 +/- 1.13	96.08 +/- 8.18
<i>CISD2</i>	56.57 +/- 8.37	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.09	99.31 +/- 1.73
<i>CKB</i>	47.36 +/- 8.42	99.94 +/- 0.4	98.99 +/- 4.14	92.66 +/- 15.26
<i>CLCNKA</i>	45.14 +/- 7.78	99.04 +/- 1.65	97.09 +/- 4.08	88.76 +/- 11.11
<i>CLCNKB</i>	48.77 +/- 9.62	100.0 +/- 0.0	99.84 +/- 0.39	94.16 +/- 9.81
<i>CLDN11</i>	51.46 +/- 6.89	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.26	97.94 +/- 4.78
<i>CLDN14</i>	50.39 +/- 8.34	100.0 +/- 0.0	99.69 +/- 0.84	96.72 +/- 5.27
<i>CLDN9</i>	49.36 +/- 8.55	100.0 +/- 0.0	99.82 +/- 0.89	97.44 +/- 6.89
<i>CLIC5</i>	51.79 +/- 7.85	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.09	98.4 +/- 3.38
<i>CLNS1A</i>	54.27 +/- 7.95	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.09	99.42 +/- 1.8
<i>CLPP</i>	51.45 +/- 7.89	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.38	98.56 +/- 4.26
<i>CLRN1</i>	54.46 +/- 7.43	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.64 +/- 1.37
<i>CLRN2</i>	54.13 +/- 8.36	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.83 +/- 1.01
<i>CNRIP1</i>	55.45 +/- 9.13	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.07 +/- 3.34
<i>COA8</i>	54.0 +/- 8.02	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.27	99.16 +/- 3.71
<i>COCH</i>	55.62 +/- 8.01	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.39 +/- 1.3
<i>COG4</i>	51.68 +/- 7.92	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.88 +/- 3.12
<i>COL11A1</i>	53.88 +/- 7.22	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.22	99.2 +/- 1.94
<i>COL11A2</i>	47.48 +/- 8.61	100.0 +/- 0.0	99.72 +/- 1.12	95.79 +/- 8.64
<i>COL1A1</i>	49.25 +/- 8.22	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.45	97.55 +/- 7.02
<i>COL1A2</i>	53.66 +/- 7.23	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.26 +/- 2.37
<i>COL2A1</i>	50.27 +/- 8.25	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.48	97.93 +/- 6.53
<i>COL4A3</i>	54.18 +/- 7.33	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.08	99.1 +/- 1.77
<i>COL4A4</i>	53.64 +/- 7.23	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.09	99.07 +/- 1.64
<i>COL4A5</i>	41.78 +/- 15.52	99.93 +/- 0.33	93.31 +/- 10.33	67.99 +/- 36.59
<i>COL4A6</i>	40.23 +/- 15.44	99.82 +/- 0.84	91.02 +/- 15.09	65.75 +/- 39.13
<i>COL9A1</i>	53.77 +/- 7.9	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.4 +/- 1.82
<i>COL9A2</i>	49.41 +/- 8.2	99.98 +/- 0.12	99.56 +/- 1.88	95.51 +/- 8.47
<i>COL9A3</i>	52.14 +/- 8.66	100.0 +/- 0.0	99.84 +/- 0.59	97.26 +/- 5.17
<i>COMP</i>	47.64 +/- 8.12	100.0 +/- 0.0	99.71 +/- 1.18	95.95 +/- 9.2
<i>CPLX1</i>	49.09 +/- 9.38	99.88 +/- 0.32	98.88 +/- 2.09	91.87 +/- 10.94
<i>CRYM</i>	49.5 +/- 7.69	100.0 +/- 0.0	99.66 +/- 1.19	96.54 +/- 6.1
<i>DACT1</i>	54.66 +/- 7.93	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.85 +/- 3.27
<i>DCAF17</i>	54.68 +/- 7.63	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.18 +/- 1.49
<i>DCDC2</i>	55.83 +/- 7.63	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.62 +/- 1.06
<i>DDB2</i>	48.78 +/- 7.93	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.12	97.58 +/- 6.93
<i>DDR1</i>	50.75 +/- 8.51	99.99 +/- 0.07	99.84 +/- 0.8	97.34 +/- 7.05
<i>DHODH</i>	52.85 +/- 8.03	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.42	98.85 +/- 3.85
<i>DIABLO</i>	56.45 +/- 7.74	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.66 +/- 1.56
<i>DIAPH1</i>	51.38 +/- 8.24	99.96 +/- 0.19	99.39 +/- 1.31	96.36 +/- 4.26
<i>DIAPH3</i>	56.19 +/- 7.59	100.0 +/- 0.01	100.0 +/- 0.02	99.66 +/- 0.82

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 15x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>DIO2</i>	54.95 +/- 8.06	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.49 +/- 1.48
<i>DIO3</i>	52.13 +/- 8.77	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.47 +/- 4.6
<i>DLX2</i>	47.8 +/- 7.92	99.99 +/- 0.06	99.47 +/- 1.63	94.51 +/- 9.79
<i>DLX5</i>	54.42 +/- 8.35	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.09	98.67 +/- 4.93
<i>DMD</i>	43.26 +/- 15.85	99.96 +/- 0.14	94.99 +/- 8.6	71.25 +/- 33.8
<i>DMXL2</i>	55.67 +/- 7.64	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.54 +/- 1.34
<i>DNMT1</i>	54.52 +/- 8.27	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.11	99.37 +/- 1.94
<i>DSPP</i>	51.07 +/- 6.82	98.6 +/- 0.8	97.14 +/- 1.2	95.15 +/- 2.83
<i>DVL1</i>	51.82 +/- 9.49	99.93 +/- 0.33	98.62 +/- 3.36	93.7 +/- 8.76
<i>DVL2</i>	51.46 +/- 8.03	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.48	98.57 +/- 4.41
<i>DVL3</i>	50.84 +/- 7.86	100.0 +/- 0.01	99.81 +/- 0.68	97.46 +/- 6.24
<i>EDN1</i>	55.08 +/- 8.15	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.61 +/- 1.9
<i>EDN3</i>	54.69 +/- 8.2	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.96 +/- 4.04
<i>EDNRA</i>	55.47 +/- 7.22	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.32 +/- 1.8
<i>EDNRB</i>	54.79 +/- 7.02	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.1	98.79 +/- 3.16
<i>EFTUD2</i>	52.68 +/- 8.45	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	98.98 +/- 3.69
<i>EIF4A3</i>	52.66 +/- 7.86	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.49	98.8 +/- 2.91
<i>ELMOD3</i>	53.85 +/- 8.15	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	99.46 +/- 1.65
<i>EPHA2</i>	52.77 +/- 8.23	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.48	97.96 +/- 5.19
<i>EPHB1</i>	53.49 +/- 7.99	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.19	98.83 +/- 3.76
<i>EPHB2</i>	51.76 +/- 8.49	99.99 +/- 0.04	99.7 +/- 0.63	97.4 +/- 5.68
<i>EPHB3</i>	51.66 +/- 8.37	99.99 +/- 0.03	99.87 +/- 0.39	97.26 +/- 6.81
<i>EPS8</i>	55.59 +/- 8.14	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.2	99.21 +/- 1.65
<i>EPS8L2</i>	45.8 +/- 8.27	100.0 +/- 0.03	99.41 +/- 2.43	93.42 +/- 12.64
<i>ERAL1</i>	50.51 +/- 8.27	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	98.41 +/- 3.63
<i>ERBB4</i>	55.4 +/- 7.58	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	99.45 +/- 1.15
<i>ERCC1</i>	51.08 +/- 8.36	100.0 +/- 0.01	99.84 +/- 0.72	97.81 +/- 7.39
<i>ERCC2</i>	49.54 +/- 8.45	99.98 +/- 0.04	99.8 +/- 0.64	96.81 +/- 6.73
<i>ERCC3</i>	52.38 +/- 7.6	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.13 +/- 2.26
<i>ERCC4</i>	53.69 +/- 7.57	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	99.22 +/- 1.61
<i>ERCC5</i>	54.38 +/- 7.46	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.45 +/- 1.43
<i>ESPN</i>	47.81 +/- 8.29	99.99 +/- 0.05	99.26 +/- 1.81	92.86 +/- 11.26
<i>ESR2</i>	53.5 +/- 8.57	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.05	99.13 +/- 2.44
<i>ESRP1</i>	54.21 +/- 7.78	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.12 +/- 2.31
<i>ESRRB</i>	52.31 +/- 8.96	100.0 +/- 0.0	99.89 +/- 0.35	97.84 +/- 4.66
<i>EVC</i>	51.23 +/- 8.25	99.99 +/- 0.09	99.71 +/- 0.94	96.84 +/- 5.85
<i>EYA1</i>	55.91 +/- 7.53	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.62 +/- 0.99
<i>EYA4</i>	54.97 +/- 7.78	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.22	99.34 +/- 1.81
<i>FABP4</i>	55.17 +/- 8.14	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.65 +/- 1.27
<i>FAM136A</i>	59.81 +/- 8.67	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.5 +/- 1.96
<i>FAS</i>	54.41 +/- 8.3	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.12 +/- 2.25
<i>FBXO2</i>	50.82 +/- 9.29	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.24	96.67 +/- 7.41
<i>FDXR</i>	51.59 +/- 9.91	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.21	98.04 +/- 5.07
<i>FGF10</i>	53.81 +/- 7.31	100.0 +/- 0.01	99.94 +/- 0.2	98.98 +/- 2.43
<i>FGF3</i>	51.08 +/- 8.97	100.0 +/- 0.0	99.12 +/- 2.95	95.15 +/- 10.48
<i>FGFR1</i>	52.48 +/- 8.64	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.47	97.99 +/- 6.49
<i>FGFR2</i>	53.88 +/- 7.73	100.0 +/- 0.0	99.83 +/- 1.13	98.64 +/- 4.2

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 15x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>FGFR3</i>	53.79 +/- 8.88	100.0 +/- 0.0	99.78 +/- 0.84	97.9 +/- 4.27
<i>FIGN</i>	54.41 +/- 7.71	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.02	99.26 +/- 1.67
<i>FITM2</i>	50.24 +/- 8.05	100.0 +/- 0.0	99.83 +/- 0.61	97.19 +/- 6.05
<i>FKBP14</i>	55.68 +/- 7.66	100.0 +/- 0.01	99.99 +/- 0.05	99.63 +/- 1.01
<i>FOXC1</i>	46.73 +/- 7.76	100.0 +/- 0.0	99.24 +/- 2.68	91.17 +/- 12.71
<i>FOXF2</i>	47.48 +/- 8.2	99.98 +/- 0.11	98.43 +/- 4.56	90.87 +/- 12.21
<i>FOXG1</i>	49.27 +/- 6.83	99.99 +/- 0.03	99.55 +/- 1.11	92.8 +/- 8.66
<i>FOXI1</i>	51.88 +/- 8.28	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.1	97.87 +/- 6.96
<i>FOXI3</i>	50.75 +/- 7.85	100.0 +/- 0.0	99.54 +/- 1.54	95.55 +/- 7.38
<i>FRAS1</i>	53.66 +/- 7.61	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.32 +/- 1.77
<i>FREM2</i>	55.11 +/- 7.91	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	99.35 +/- 2.4
<i>FZD3</i>	54.3 +/- 7.57	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.38 +/- 1.39
<i>FZD6</i>	54.83 +/- 7.22	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.26 +/- 1.55
<i>GAB1</i>	55.5 +/- 7.69	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.65 +/- 1.07
<i>GAS2</i>	54.32 +/- 7.6	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.37 +/- 1.19
<i>GATA3</i>	52.14 +/- 8.08	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.47	97.78 +/- 4.33
<i>GBX2</i>	48.64 +/- 7.99	100.0 +/- 0.0	99.61 +/- 1.37	94.84 +/- 10.51
<i>GDF6</i>	51.23 +/- 7.45	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.29	97.75 +/- 5.85
<i>GFER</i>	50.38 +/- 8.93	100.0 +/- 0.02	99.66 +/- 0.66	95.48 +/- 8.08
<i>GFI1</i>	52.8 +/- 7.69	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.12	98.67 +/- 3.14
<i>GGPS1</i>	53.42 +/- 7.76	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	99.03 +/- 2.33
<i>GIPC3</i>	47.44 +/- 8.21	100.0 +/- 0.0	99.66 +/- 1.44	95.29 +/- 7.84
<i>GJA1</i>	53.43 +/- 7.59	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.03	99.14 +/- 1.51
<i>GJA1P1</i>	53.89 +/- 8.99	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.02 +/- 2.2
<i>GJB1</i>	38.69 +/- 14.76	99.93 +/- 0.41	88.54 +/- 19.21	64.23 +/- 40.09
<i>GJB2</i>	53.54 +/- 7.93	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.28	98.7 +/- 2.63
<i>GJB3</i>	49.5 +/- 8.44	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.45	96.54 +/- 9.34
<i>GJB4</i>	54.47 +/- 8.79	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.2 +/- 3.64
<i>GJB5</i>	50.5 +/- 8.22	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.58	98.27 +/- 6.48
<i>GJB6</i>	51.06 +/- 8.13	100.0 +/- 0.0	99.88 +/- 0.54	97.29 +/- 5.8
<i>GLI3</i>	54.82 +/- 7.78	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	99.24 +/- 2.65
<i>GNAI3</i>	55.06 +/- 7.85	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.54 +/- 0.91
<i>GPRASP2</i>	43.07 +/- 16.4	99.96 +/- 0.28	94.09 +/- 11.33	69.83 +/- 35.96
<i>GPSM2</i>	53.68 +/- 7.36	99.96 +/- 0.15	98.63 +/- 1.22	96.02 +/- 1.83
<i>GPX1</i>	48.96 +/- 9.07	99.8 +/- 0.24	99.54 +/- 1.57	96.32 +/- 11.65
<i>GRAP²</i>	44.31 +/- 7.73	87.61 +/- 1.36	84.34 +/- 1.69	82.11 +/- 4.51
<i>GREB1L</i>	54.2 +/- 8.03	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.17	99.13 +/- 2.23
<i>GRHL2</i>	53.2 +/- 8.13	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.44 +/- 1.7
<i>GRID1</i>	50.36 +/- 7.85	100.0 +/- 0.0	99.65 +/- 1.19	96.71 +/- 5.25
<i>GRIP1</i>	55.19 +/- 7.74	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.68 +/- 1.07
<i>GRXCR1</i>	53.11 +/- 7.41	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.59 +/- 1.04
<i>GRXCR2</i>	54.19 +/- 8.68	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.32 +/- 2.61
<i>GSC</i>	51.2 +/- 8.98	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.15	97.74 +/- 5.19
<i>GSDME</i>	52.93 +/- 7.58	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.24	98.76 +/- 4.39
<i>GSTM1^{1,2}</i>	9.56 +/- 13.72	35.05 +/- 45.72	24.23 +/- 33.27	10.39 +/- 21.95
<i>GSTP1</i>	49.02 +/- 8.19	100.0 +/- 0.0	99.89 +/- 0.75	98.15 +/- 7.52

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 15x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>GUSB</i>	51.2 +/- 8.77	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.17	97.88 +/- 4.9
<i>HAAO</i>	51.38 +/- 8.59	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.04 +/- 7.04
<i>HAL</i>	54.54 +/- 8.35	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.19	99.46 +/- 2.19
<i>HARS2</i>	53.01 +/- 8.45	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.45 +/- 1.38
<i>HES1</i>	51.1 +/- 8.11	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.28	97.33 +/- 6.15
<i>HES5</i>	46.37 +/- 8.5	100.0 +/- 0.0	99.74 +/- 1.22	94.26 +/- 11.21
<i>HGF</i>	55.77 +/- 7.78	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.58 +/- 0.89
<i>HMX1</i>	48.36 +/- 9.52	100.0 +/- 0.0	99.38 +/- 2.74	93.21 +/- 11.78
<i>HMX2</i>	52.52 +/- 8.13	100.0 +/- 0.0	99.8 +/- 1.3	97.75 +/- 8.36
<i>HMX3</i>	50.84 +/- 7.8	100.0 +/- 0.0	99.26 +/- 1.69	95.04 +/- 5.74
<i>HOMER2</i>	51.06 +/- 7.94	100.0 +/- 0.0	99.74 +/- 1.18	97.2 +/- 5.37
<i>HOXA1</i>	51.81 +/- 6.84	100.0 +/- 0.0	99.89 +/- 0.64	98.33 +/- 4.64
<i>HOXA2</i>	53.63 +/- 8.18	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.69	98.58 +/- 6.19
<i>HOXB1</i>	49.55 +/- 8.5	100.0 +/- 0.0	99.89 +/- 0.63	96.82 +/- 8.51
<i>HSD17B4</i>	55.12 +/- 7.54	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.5 +/- 1.22
<i>HSPA9</i>	54.78 +/- 8.01	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.09	99.43 +/- 1.32
<i>HTRA2</i>	48.77 +/- 8.57	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.1	97.68 +/- 6.23
<i>IFNLR1</i>	52.36 +/- 8.49	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.45	98.32 +/- 4.56
<i>IFT88</i>	55.06 +/- 7.36	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.22 +/- 1.77
<i>IGF1</i>	55.24 +/- 7.21	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.47 +/- 1.51
<i>ILDR1</i>	50.73 +/- 8.35	100.0 +/- 0.0	99.75 +/- 1.52	97.6 +/- 6.78
<i>ITGA8</i>	54.23 +/- 7.88	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.05	99.32 +/- 1.71
<i>JAG1</i>	54.24 +/- 7.78	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.37	98.84 +/- 2.65
<i>JAG2</i>	54.7 +/- 9.08	100.0 +/- 0.0	98.97 +/- 2.27	95.13 +/- 6.4
<i>KARS1</i>	53.52 +/- 7.73	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.33	99.16 +/- 1.76
<i>KCNE1</i>	53.64 +/- 8.87	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.15 +/- 4.37
<i>KCNJ10</i>	52.91 +/- 8.64	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.08	98.58 +/- 3.18
<i>KCNJ16</i>	54.52 +/- 7.45	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.6 +/- 1.3
<i>KCNMA1</i>	52.36 +/- 7.72	100.0 +/- 0.0	99.88 +/- 0.53	98.33 +/- 3.53
<i>KCNQ1</i>	51.39 +/- 9.07	100.0 +/- 0.0	99.69 +/- 1.36	96.43 +/- 6.72
<i>KCNQ4</i>	49.11 +/- 8.46	100.0 +/- 0.0	99.72 +/- 0.89	94.87 +/- 9.65
<i>KDM3B</i>	52.76 +/- 7.55	100.0 +/- 0.01	99.78 +/- 0.42	97.95 +/- 3.51
<i>KDM6A</i>	41.98 +/- 15.75	99.88 +/- 0.7	93.58 +/- 9.68	68.64 +/- 35.84
<i>KIT</i>	55.61 +/- 7.74	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.47 +/- 1.9
<i>KITLG</i>	55.27 +/- 7.75	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.48 +/- 1.27
<i>KMT2D</i>	49.24 +/- 8.18	100.0 +/- 0.01	99.7 +/- 0.9	95.92 +/- 7.53
<i>LAMA2</i>	54.96 +/- 7.47	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.56 +/- 1.56
<i>LARGE1</i>	51.83 +/- 7.71	100.0 +/- 0.0	99.84 +/- 0.6	97.9 +/- 4.14
<i>LARS2</i>	52.82 +/- 8.22	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.02 +/- 2.91
<i>LEMD3</i>	54.69 +/- 7.77	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.05	98.85 +/- 2.97
<i>LFNG</i>	49.29 +/- 9.01	99.99 +/- 0.04	98.6 +/- 2.74	92.53 +/- 9.68
<i>LHFPL5</i>	51.52 +/- 8.53	99.93 +/- 0.18	99.76 +/- 0.39	97.89 +/- 4.69
<i>LHX3</i>	51.17 +/- 8.78	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.24	97.67 +/- 6.54
<i>LMO4</i>	53.84 +/- 7.8	100.0 +/- 0.0	99.85 +/- 0.88	98.9 +/- 2.22
<i>LMX1A</i>	51.91 +/- 7.75	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.26	98.11 +/- 5.18
<i>LOXHD1</i>	50.99 +/- 8.19	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.14	98.07 +/- 4.77

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 15x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>LOXL3</i>	50.62 +/- 8.33	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.16	98.26 +/- 4.48
<i>LRIG3</i>	54.52 +/- 7.45	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.13 +/- 2.55
<i>LRP2</i>	54.31 +/- 7.61	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.41 +/- 1.36
<i>LRTOMT</i>	47.6 +/- 8.08	100.0 +/- 0.0	99.77 +/- 1.11	96.4 +/- 7.27
<i>MAFB</i>	53.89 +/- 8.3	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.1	98.51 +/- 5.73
<i>MAN2B1</i>	50.89 +/- 8.4	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.09	98.19 +/- 5.51
<i>MANBA</i>	54.4 +/- 7.6	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.34 +/- 1.52
<i>MAP1A</i>	49.45 +/- 7.92	100.0 +/- 0.0	99.87 +/- 0.55	97.79 +/- 5.9
<i>MAP1B</i>	52.51 +/- 7.74	99.99 +/- 0.03	99.95 +/- 0.13	98.75 +/- 2.5
<i>MARVELD2</i>	52.9 +/- 7.36	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.1	98.96 +/- 1.99
<i>MASP1</i>	53.27 +/- 8.14	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.29 +/- 1.78
<i>MATN3</i>	53.8 +/- 7.31	100.0 +/- 0.0	99.86 +/- 0.58	98.8 +/- 2.74
<i>MCM2</i>	53.3 +/- 8.48	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	99.32 +/- 2.7
<i>MCOLN3</i>	55.14 +/- 7.75	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.27	99.07 +/- 1.6
<i>MET</i>	55.25 +/- 7.56	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.26	99.43 +/- 1.3
<i>MFN2</i>	52.59 +/- 8.41	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.22	98.5 +/- 3.53
<i>MGP</i>	53.94 +/- 7.73	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.11 +/- 2.21
<i>MIR182</i>	47.6 +/- 10.26	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.09 +/- 4.35
<i>MIR183</i>	53.9 +/- 11.94	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.67
<i>MIR96</i>	48.37 +/- 12.41	100.0 +/- 0.0	99.8 +/- 1.34	95.16 +/- 19.17
<i>MITF</i>	55.43 +/- 8.12	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.3 +/- 1.74
<i>MKKS</i>	55.12 +/- 7.37	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.57 +/- 1.06
<i>MN1</i>	55.46 +/- 8.97	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.15	98.89 +/- 3.63
<i>MORC2</i>	50.96 +/- 7.72	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.09	98.41 +/- 3.48
<i>MOS</i>	47.7 +/- 8.03	100.0 +/- 0.0	99.59 +/- 1.58	95.0 +/- 11.02
<i>MPV17</i>	53.45 +/- 8.56	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.12	98.82 +/- 4.27
<i>MPZL2</i>	55.58 +/- 7.68	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.49 +/- 1.64
<i>MSRB3</i>	54.47 +/- 7.6	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.18	99.02 +/- 1.95
<i>MSX2</i>	52.0 +/- 7.52	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.96 +/- 2.72
<i>MT-RNR1</i>	3604.8 +/- 728.88	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0
<i>MT-TL1</i>	3618.58 +/- 725.81	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0
<i>MT-TS1</i>	3905.7 +/- 748.98	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0
<i>MTAP</i>	54.36 +/- 7.71	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.02	99.45 +/- 1.26
<i>MYH14</i>	49.19 +/- 8.02	100.0 +/- 0.0	99.54 +/- 1.14	96.13 +/- 5.99
<i>MYH9</i>	52.53 +/- 8.07	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.14	98.64 +/- 4.25
<i>MYO15A</i>	53.16 +/- 8.64	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.33	97.85 +/- 5.74
<i>MYO1C</i>	51.06 +/- 8.77	100.0 +/- 0.03	99.69 +/- 0.69	96.32 +/- 5.73
<i>MYO1F</i>	49.65 +/- 7.74	100.0 +/- 0.0	99.74 +/- 1.02	95.75 +/- 7.75
<i>MYO3A</i>	54.25 +/- 7.21	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.18	99.48 +/- 1.45
<i>MYO6</i>	55.76 +/- 7.34	99.99 +/- 0.03	99.97 +/- 0.11	99.46 +/- 1.33
<i>MYO7A</i>	51.81 +/- 8.53	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.47	97.97 +/- 5.44
<i>NARS2</i>	54.19 +/- 7.67	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.0 +/- 2.74
<i>NAV2</i>	51.94 +/- 7.77	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.08	98.82 +/- 3.56
<i>NCOA3</i>	54.61 +/- 7.48	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.03	99.49 +/- 1.2
<i>NDP</i>	42.79 +/- 16.25	99.96 +/- 0.25	93.61 +/- 13.18	70.24 +/- 35.63
<i>NEFL</i>	53.54 +/- 7.49	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.4	98.91 +/- 2.98

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 15x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>NEU1</i>	51.09 +/- 8.34	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.11	98.09 +/- 5.5
<i>NEUROD1</i>	52.33 +/- 6.66	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	98.98 +/- 2.61
<i>NEUROG1</i>	52.18 +/- 8.33	100.0 +/- 0.0	99.84 +/- 1.04	98.09 +/- 7.08
<i>NF1</i>	54.62 +/- 7.56	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.24	98.77 +/- 1.81
<i>NF2</i>	52.62 +/- 8.33	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.46	98.91 +/- 3.19
<i>NKX3-2</i>	52.71 +/- 8.16	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.08 +/- 3.06
<i>NLRP3</i>	53.25 +/- 8.44	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.4	98.69 +/- 5.25
<i>NOG</i>	51.42 +/- 8.4	99.99 +/- 0.03	99.59 +/- 1.57	96.49 +/- 8.01
<i>NOTCH1</i>	56.37 +/- 8.98	100.0 +/- 0.0	99.89 +/- 0.3	98.31 +/- 4.08
<i>NOTCH2</i>	53.16 +/- 7.9	100.0 +/- 0.0	99.88 +/- 0.23	98.25 +/- 2.58
<i>NOX3</i>	55.51 +/- 7.56	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.43 +/- 1.8
<i>NOXO1</i>	57.35 +/- 9.53	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.37	99.14 +/- 4.98
<i>NR2F1</i>	44.04 +/- 6.85	99.89 +/- 0.53	97.32 +/- 5.59	86.35 +/- 11.84
<i>NR4A3</i>	52.64 +/- 7.29	100.0 +/- 0.01	99.82 +/- 0.55	97.32 +/- 4.76
<i>NTF3</i>	51.17 +/- 8.72	100.0 +/- 0.0	99.85 +/- 1.0	96.75 +/- 8.07
<i>NTN1</i>	49.75 +/- 8.56	99.97 +/- 0.09	98.87 +/- 1.46	93.92 +/- 8.08
<i>NTRK2</i>	55.32 +/- 7.63	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.19	99.56 +/- 0.99
<i>NTRK3</i>	53.16 +/- 7.91	100.0 +/- 0.0	99.84 +/- 0.41	98.56 +/- 2.43
<i>OC90</i>	51.1 +/- 8.08	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.31	97.25 +/- 6.22
<i>OFD1</i>	42.18 +/- 15.83	99.93 +/- 0.36	93.98 +/- 9.99	68.58 +/- 36.59
<i>OGDHL</i>	51.22 +/- 8.34	100.0 +/- 0.0	99.88 +/- 0.71	97.89 +/- 6.21
<i>OPA1</i>	56.34 +/- 7.32	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.76 +/- 0.6
<i>ORC1</i>	53.6 +/- 7.96	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.49 +/- 1.9
<i>ORC4</i>	54.8 +/- 7.74	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.19	99.03 +/- 1.62
<i>ORC6</i>	55.41 +/- 8.38	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	99.27 +/- 2.38
<i>OSBPL2</i>	55.66 +/- 7.71	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.31	99.11 +/- 2.45
<i>OTOA^{2,3}</i>	42.48 +/- 6.58	88.47 +/- 3.21	83.6 +/- 3.22	78.04 +/- 5.67
<i>OTOF</i>	49.48 +/- 8.35	100.0 +/- 0.03	99.79 +/- 0.99	96.52 +/- 7.0
<i>OTOG</i>	50.2 +/- 8.32	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.35	97.61 +/- 6.16
<i>OTOGL</i>	57.16 +/- 7.85	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.63 +/- 0.91
<i>OTOP1</i>	52.84 +/- 8.64	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.13	97.38 +/- 8.98
<i>OTOR</i>	54.09 +/- 7.05	100.0 +/- 0.01	99.98 +/- 0.15	99.4 +/- 2.13
<i>OTX1</i>	49.56 +/- 7.29	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.05	97.27 +/- 7.48
<i>OTX2</i>	52.15 +/- 8.58	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.91 +/- 2.84
<i>P2RX2</i>	46.58 +/- 8.32	99.99 +/- 0.06	98.13 +/- 3.93	88.85 +/- 10.02
<i>PAX1</i>	50.63 +/- 7.77	100.0 +/- 0.0	99.75 +/- 0.88	97.05 +/- 5.56
<i>PAX2</i>	45.55 +/- 7.82	100.0 +/- 0.01	99.64 +/- 1.68	93.13 +/- 12.12
<i>PAX3</i>	53.44 +/- 7.57	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.16	98.96 +/- 2.35
<i>PBX1</i>	51.52 +/- 7.16	100.0 +/- 0.0	99.86 +/- 0.46	97.67 +/- 3.92
<i>PCDH15</i>	56.23 +/- 7.46	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.64 +/- 1.09
<i>PDE1C</i>	54.11 +/- 7.18	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.52 +/- 0.87
<i>PDSS1</i>	55.54 +/- 6.89	100.0 +/- 0.0	99.86 +/- 0.74	99.08 +/- 2.49
<i>PDZD7</i>	47.1 +/- 8.19	100.0 +/- 0.0	99.44 +/- 3.11	94.46 +/- 11.79
<i>PET100</i>	49.16 +/- 9.24	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	97.5 +/- 10.89
<i>PEX1</i>	55.38 +/- 6.94	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.54 +/- 1.11
<i>PEX26</i>	53.39 +/- 7.97	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.19	98.77 +/- 3.11

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 15x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>PEX6</i>	49.64 +/- 7.85	99.96 +/- 0.05	99.82 +/- 0.41	96.66 +/- 7.29
<i>PEX7</i>	56.22 +/- 7.44	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.46 +/- 1.84
<i>PHEX</i>	42.23 +/- 15.53	99.9 +/- 0.34	94.16 +/- 10.44	68.85 +/- 35.68
<i>PIK3C2A</i>	55.51 +/- 7.46	99.99 +/- 0.03	99.99 +/- 0.03	99.46 +/- 1.05
<i>PISD</i>	55.09 +/- 8.55	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.07	99.27 +/- 3.38
<i>PITX2</i>	52.06 +/- 7.09	100.0 +/- 0.0	99.92 +/- 0.52	98.78 +/- 4.6
<i>PJVK</i>	53.97 +/- 7.96	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.25	98.87 +/- 3.4
<i>PLCB4</i>	55.46 +/- 7.52	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.3	99.72 +/- 0.84
<i>PLEK</i>	51.97 +/- 8.05	99.98 +/- 0.04	99.95 +/- 0.18	98.59 +/- 5.76
<i>PLS1</i>	55.06 +/- 7.76	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.09	99.43 +/- 1.41
<i>PMP22</i>	54.34 +/- 9.58	99.99 +/- 0.03	99.74 +/- 1.61	97.34 +/- 13.99
<i>PNOC</i>	51.71 +/- 8.13	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.43	98.53 +/- 4.68
<i>PNPT1</i>	55.04 +/- 7.48	99.98 +/- 0.04	99.97 +/- 0.08	99.33 +/- 1.73
<i>POLD1</i>	52.39 +/- 8.56	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.35	97.4 +/- 5.08
<i>POLH</i>	53.69 +/- 8.21	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.13	98.91 +/- 2.6
<i>POLR1A</i>	53.61 +/- 8.02	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.16	99.16 +/- 2.65
<i>POLR1B</i>	55.37 +/- 7.83	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.04	99.42 +/- 1.28
<i>POLR1C</i>	52.06 +/- 8.08	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.44 +/- 2.51
<i>POLR1D</i>	51.83 +/- 8.47	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.34 +/- 5.63
<i>PORCN³</i>	38.12 +/- 15.18	99.86 +/- 0.53	87.69 +/- 18.17	61.91 +/- 41.01
<i>POU1F1</i>	55.33 +/- 7.88	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.03	99.19 +/- 2.4
<i>POU3F4</i>	40.83 +/- 15.5	99.92 +/- 0.42	91.57 +/- 13.82	64.97 +/- 39.57
<i>POU4F3</i>	53.39 +/- 8.28	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.02 +/- 4.15
<i>PIIP5K2</i>	55.09 +/- 7.64	100.0 +/- 0.02	100.0 +/- 0.02	99.57 +/- 1.08
<i>PPP3R1</i>	54.2 +/- 6.64	100.0 +/- 0.0	99.86 +/- 0.66	98.04 +/- 3.34
<i>PROP1</i>	46.73 +/- 7.13	100.0 +/- 0.0	99.7 +/- 0.91	94.59 +/- 6.62
<i>PRPS1</i>	39.1 +/- 15.28	99.38 +/- 1.99	89.0 +/- 16.91	63.4 +/- 37.45
<i>PRRX1</i>	54.41 +/- 7.9	99.98 +/- 0.05	99.78 +/- 0.75	98.8 +/- 3.52
<i>PRRX2</i>	48.67 +/- 8.64	99.98 +/- 0.12	98.34 +/- 5.22	90.66 +/- 12.91
<i>PTK7</i>	50.91 +/- 8.02	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.25	97.42 +/- 5.01
<i>PTPRQ</i>	56.06 +/- 7.4	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.72 +/- 0.81
<i>RAI1</i>	52.47 +/- 8.53	99.98 +/- 0.08	99.54 +/- 0.85	96.54 +/- 5.97
<i>RARA</i>	48.89 +/- 8.9	100.0 +/- 0.0	99.37 +/- 2.49	95.15 +/- 9.02
<i>RARB</i>	55.34 +/- 7.91	99.98 +/- 0.04	99.98 +/- 0.04	99.43 +/- 1.9
<i>RARG</i>	49.6 +/- 8.6	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.14	97.29 +/- 7.9
<i>RASA1</i>	53.08 +/- 6.97	100.0 +/- 0.0	99.79 +/- 0.53	97.58 +/- 4.28
<i>RDX</i>	55.48 +/- 7.09	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.09	99.25 +/- 1.46
<i>REST</i>	54.7 +/- 7.29	100.0 +/- 0.0	99.78 +/- 0.51	98.17 +/- 2.84
<i>RIPOR2</i>	53.45 +/- 7.78	99.96 +/- 0.05	99.95 +/- 0.05	98.91 +/- 2.26
<i>RMND1</i>	54.92 +/- 7.89	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.54 +/- 1.8
<i>RNF220</i>	50.97 +/- 9.18	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.38	98.22 +/- 4.89
<i>ROR1</i>	53.99 +/- 7.68	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.18	98.79 +/- 2.84
<i>RPS28</i>	51.98 +/- 9.42	99.98 +/- 0.08	99.91 +/- 0.26	97.71 +/- 7.35
<i>RPS6KA3</i>	43.46 +/- 16.35	99.83 +/- 0.37	94.54 +/- 8.88	70.62 +/- 33.96
<i>S1PR2</i>	54.96 +/- 8.19	100.0 +/- 0.02	99.92 +/- 0.22	98.7 +/- 3.24
<i>SALL1</i>	52.18 +/- 8.0	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.29	98.14 +/- 4.76

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 15x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>SALL4</i>	53.1 +/- 8.04	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.33	98.85 +/- 3.95
<i>SARS1</i>	52.58 +/- 8.36	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.43	98.72 +/- 4.02
<i>SCARB2</i>	54.77 +/- 8.08	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.18	99.32 +/- 2.51
<i>SCD5</i>	52.88 +/- 7.67	100.0 +/- 0.0	99.81 +/- 1.17	98.14 +/- 4.47
<i>SCRIB</i>	52.73 +/- 9.16	100.0 +/- 0.0	99.83 +/- 0.58	97.27 +/- 7.52
<i>SDHD</i>	55.56 +/- 8.26	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.68 +/- 1.43
<i>SEMA3E</i>	55.04 +/- 7.31	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.17	99.29 +/- 1.56
<i>SERAC1</i>	54.64 +/- 8.06	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.19	99.04 +/- 2.6
<i>SERPINB6</i>	52.93 +/- 8.31	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.98 +/- 3.14
<i>SF3B4</i>	51.9 +/- 7.92	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.98 +/- 4.53
<i>SGPL1</i>	53.7 +/- 7.8	100.0 +/- 0.0	99.86 +/- 0.55	98.4 +/- 3.17
<i>SIX1</i>	52.44 +/- 7.62	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.31	98.61 +/- 4.0
<i>SIX2</i>	51.34 +/- 8.32	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.69	97.44 +/- 6.96
<i>SIX5</i>	48.22 +/- 9.01	99.97 +/- 0.19	99.18 +/- 2.09	93.15 +/- 11.54
<i>SLC12A2</i>	55.23 +/- 7.36	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.3	99.16 +/- 1.57
<i>SLC12A6</i>	53.29 +/- 7.53	100.0 +/- 0.03	99.99 +/- 0.04	98.86 +/- 2.22
<i>SLC12A7</i>	53.7 +/- 8.28	100.0 +/- 0.0	99.88 +/- 0.49	98.03 +/- 4.59
<i>SLC17A8</i>	53.83 +/- 7.66	99.97 +/- 0.07	99.96 +/- 0.08	99.15 +/- 2.38
<i>SLC19A2</i>	54.86 +/- 7.85	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.46 +/- 1.3
<i>SLC1A3</i>	54.45 +/- 7.92	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.62 +/- 1.16
<i>SLC22A4</i>	53.65 +/- 7.85	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.25 +/- 1.89
<i>SLC26A2</i>	55.02 +/- 7.73	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.55 +/- 1.43
<i>SLC26A4</i>	54.77 +/- 7.47	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.09	99.52 +/- 1.59
<i>SLC26A5</i>	53.93 +/- 7.62	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.07	99.4 +/- 1.68
<i>SLC29A3</i>	51.68 +/- 8.97	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.3	98.33 +/- 3.82
<i>SLC30A4</i>	54.17 +/- 7.87	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.41	99.22 +/- 2.03
<i>SLC33A1</i>	52.9 +/- 7.75	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.14	98.0 +/- 3.25
<i>SLC44A4</i>	49.4 +/- 8.84	100.0 +/- 0.0	99.95 +/- 0.31	97.45 +/- 7.75
<i>SLC4A11</i>	51.75 +/- 9.3	100.0 +/- 0.0	99.9 +/- 0.28	97.53 +/- 6.28
<i>SLC4A7</i>	55.65 +/- 7.5	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.27	99.23 +/- 1.36
<i>SLC52A2</i>	53.91 +/- 9.94	99.99 +/- 0.04	99.72 +/- 1.85	97.97 +/- 7.75
<i>SLC52A3</i>	49.53 +/- 7.75	99.99 +/- 0.04	99.94 +/- 0.15	98.21 +/- 4.2
<i>SLC9A1</i>	49.05 +/- 8.09	100.0 +/- 0.0	99.86 +/- 0.91	97.27 +/- 8.44
<i>SLITRK6</i>	53.15 +/- 7.82	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.36 +/- 1.47
<i>SMPX</i>	43.7 +/- 16.17	99.96 +/- 0.28	96.62 +/- 7.51	70.46 +/- 35.37
<i>SMS</i>	41.86 +/- 15.47	99.86 +/- 0.7	93.02 +/- 11.71	68.56 +/- 36.03
<i>SNAI2</i>	55.59 +/- 8.05	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.52 +/- 2.22
<i>SOBP</i>	50.65 +/- 8.06	100.0 +/- 0.0	99.45 +/- 1.93	95.44 +/- 7.33
<i>SOD1</i>	53.85 +/- 8.77	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.97 +/- 4.55
<i>SOX10</i>	49.56 +/- 8.73	100.0 +/- 0.0	99.73 +/- 0.95	95.51 +/- 7.56
<i>SOX2</i>	48.55 +/- 6.94	100.0 +/- 0.0	99.81 +/- 0.54	95.32 +/- 7.31
<i>SOX9</i>	52.23 +/- 7.52	100.0 +/- 0.0	99.84 +/- 0.52	97.72 +/- 4.64
<i>SPATC1L</i>	46.73 +/- 8.79	96.72 +/- 2.12	93.24 +/- 2.85	86.73 +/- 10.2
<i>SPINK5</i>	55.02 +/- 7.75	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.14	99.55 +/- 0.91
<i>SPNS2</i>	50.34 +/- 8.39	99.96 +/- 0.05	99.55 +/- 1.42	96.54 +/- 6.81
<i>SPRY2</i>	54.74 +/- 7.96	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.03	98.78 +/- 4.17

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 15x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
<i>SPTBN4</i>	51.01 +/- 8.1	100.0 +/- 0.0	99.88 +/- 0.45	97.11 +/- 6.92
<i>ST3GAL5</i>	54.53 +/- 7.85	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.29	98.82 +/- 2.96
<i>STRC^{1,2,3}</i>	23.13 +/- 5.61	64.74 +/- 5.2	45.76 +/- 6.35	32.51 +/- 7.56
<i>STXBP3</i>	55.84 +/- 7.87	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.43 +/- 1.8
<i>SUCLA2</i>	57.42 +/- 7.89	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.14
<i>SYNE4</i>	48.5 +/- 8.37	100.0 +/- 0.0	99.86 +/- 0.62	97.21 +/- 7.78
<i>SYNJ2</i>	52.52 +/- 7.78	99.99 +/- 0.04	99.93 +/- 0.23	98.4 +/- 3.91
<i>TBC1D24</i>	54.38 +/- 8.59	100.0 +/- 0.0	99.93 +/- 0.29	98.65 +/- 3.4
<i>TBL1X</i>	41.13 +/- 15.59	99.64 +/- 1.1	91.96 +/- 12.48	66.77 +/- 36.76
<i>TBX1</i>	44.42 +/- 8.42	100.0 +/- 0.0	97.39 +/- 7.75	87.45 +/- 18.6
<i>TBX10</i>	49.64 +/- 8.6	100.0 +/- 0.0	99.85 +/- 1.01	97.8 +/- 6.28
<i>TBX22</i>	43.28 +/- 15.43	99.92 +/- 0.34	95.87 +/- 9.1	73.36 +/- 33.69
<i>TCF21</i>	51.71 +/- 7.88	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.36	97.22 +/- 5.6
<i>TCOF1</i>	52.58 +/- 8.4	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	98.57 +/- 4.15
<i>TECTA</i>	54.16 +/- 7.95	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.37 +/- 1.85
<i>TFAP2A</i>	49.35 +/- 7.05	100.0 +/- 0.0	99.05 +/- 1.38	93.9 +/- 4.73
<i>TFAP2B</i>	53.11 +/- 7.55	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.15	98.83 +/- 3.89
<i>TGFA</i>	54.6 +/- 7.94	100.0 +/- 0.01	99.93 +/- 0.43	99.07 +/- 3.67
<i>TGFB2</i>	52.64 +/- 7.09	100.0 +/- 0.0	99.96 +/- 0.17	98.75 +/- 2.65
<i>THOC1</i>	55.03 +/- 7.43	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.1	99.13 +/- 1.45
<i>THRA</i>	46.22 +/- 8.16	100.0 +/- 0.0	99.52 +/- 1.46	93.29 +/- 10.12
<i>THRB</i>	54.02 +/- 7.6	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	99.09 +/- 2.66
<i>TIMM8A</i>	40.71 +/- 14.41	99.9 +/- 0.5	93.69 +/- 13.01	68.13 +/- 36.85
<i>TJP2</i>	54.54 +/- 8.1	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.2	98.84 +/- 1.72
<i>TMC1</i>	53.27 +/- 7.65	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.15	99.14 +/- 2.62
<i>TMEM126A</i>	54.71 +/- 7.62	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.35 +/- 2.2
<i>TMEM132E</i>	50.05 +/- 8.06	100.0 +/- 0.0	99.73 +/- 1.42	97.0 +/- 8.09
<i>TMIE</i>	49.94 +/- 8.9	99.93 +/- 0.1	99.83 +/- 0.37	96.7 +/- 9.86
<i>TMPRSS3</i>	53.24 +/- 8.14	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.03 +/- 4.04
<i>TMPRSS5</i>	49.97 +/- 8.97	100.0 +/- 0.0	99.89 +/- 0.6	97.15 +/- 9.57
<i>TMTC2</i>	52.48 +/- 7.43	100.0 +/- 0.01	99.92 +/- 0.22	98.28 +/- 4.04
<i>TNC</i>	53.66 +/- 7.88	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	99.25 +/- 2.86
<i>TNFRSF11B</i>	55.99 +/- 8.37	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.74 +/- 0.92
<i>TOP2B</i>	55.19 +/- 7.19	100.0 +/- 0.0	99.89 +/- 0.49	98.77 +/- 2.65
<i>TPRN</i>	46.86 +/- 8.86	99.96 +/- 0.23	97.78 +/- 4.51	88.08 +/- 14.26
<i>TRIOBP</i>	49.1 +/- 8.17	99.98 +/- 0.11	99.57 +/- 0.84	95.7 +/- 8.07
<i>TRMU</i>	53.9 +/- 8.99	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.1	98.75 +/- 3.81
<i>TRPV4</i>	49.85 +/- 8.75	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.31	97.87 +/- 5.65
<i>TRRAP</i>	54.56 +/- 7.66	100.0 +/- 0.01	99.88 +/- 0.23	98.6 +/- 2.94
<i>TSHR</i>	54.3 +/- 8.08	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.37 +/- 2.0
<i>TSHZ1</i>	51.58 +/- 7.08	99.9 +/- 0.38	98.6 +/- 2.31	94.03 +/- 5.41
<i>TSPEAR</i>	52.28 +/- 8.3	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.04	98.46 +/- 4.33
<i>TUB</i>	52.68 +/- 7.98	100.0 +/- 0.0	99.8 +/- 0.74	98.28 +/- 4.17
<i>TUBB4B</i>	53.33 +/- 8.7	100.0 +/- 0.0	99.86 +/- 0.45	97.22 +/- 5.93
<i>TWNK</i>	52.49 +/- 9.07	100.0 +/- 0.0	99.91 +/- 0.44	98.51 +/- 5.9
<i>TWSG1</i>	55.09 +/- 7.46	100.0 +/- 0.0	99.88 +/- 0.45	98.98 +/- 2.87

Gen	Middelsekventeringsdybde [x]	Andel >= 15x [%]	Andel >= 20x [%]	Andel >= 30x [%]
TYR	54.06 +/- 7.53	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.7 +/- 0.81
TYRP1	54.76 +/- 7.83	99.8 +/- 0.12	99.76 +/- 0.29	99.18 +/- 1.83
UCN	52.76 +/- 9.6	100.0 +/- 0.0	99.61 +/- 2.59	97.19 +/- 9.22
USH1C	48.75 +/- 8.86	100.0 +/- 0.0	99.32 +/- 1.28	94.2 +/- 7.31
USH1G	52.0 +/- 8.88	100.0 +/- 0.0	99.68 +/- 0.98	95.85 +/- 6.19
USH2A	55.66 +/- 7.82	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.01	99.6 +/- 1.15
USP48	54.7 +/- 7.72	100.0 +/- 0.0	99.94 +/- 0.24	98.52 +/- 3.35
VANGL2	49.76 +/- 7.79	99.99 +/- 0.04	99.84 +/- 0.54	97.42 +/- 5.16
WBP2	48.51 +/- 8.2	100.0 +/- 0.0	99.73 +/- 1.82	97.06 +/- 9.63
WFS1	54.56 +/- 9.12	100.0 +/- 0.0	99.97 +/- 0.11	98.44 +/- 6.43
WHRN	50.55 +/- 8.43	99.94 +/- 0.09	99.81 +/- 0.63	97.06 +/- 7.63
WIF1	57.51 +/- 7.7	100.0 +/- 0.0	100.0 +/- 0.0	99.68 +/- 0.87
XPA	55.2 +/- 7.75	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.06	99.28 +/- 2.4
XPC	50.16 +/- 8.57	100.0 +/- 0.0	99.85 +/- 0.58	96.63 +/- 5.54
XYLT2	52.98 +/- 8.02	100.0 +/- 0.0	99.81 +/- 0.73	98.4 +/- 5.72
YAP1	52.66 +/- 7.19	100.0 +/- 0.0	99.74 +/- 0.43	97.38 +/- 3.29
YARS1	50.57 +/- 8.12	100.0 +/- 0.0	99.99 +/- 0.05	98.46 +/- 5.15
ZPR1	52.95 +/- 7.85	100.0 +/- 0.0	99.98 +/- 0.1	99.04 +/- 2.12

For supplerende oplysninger vedrørende analysen kan afdelingen kontaktes på mail: mol-dia@rn.dk. Rapport genereret: 09/10-2025